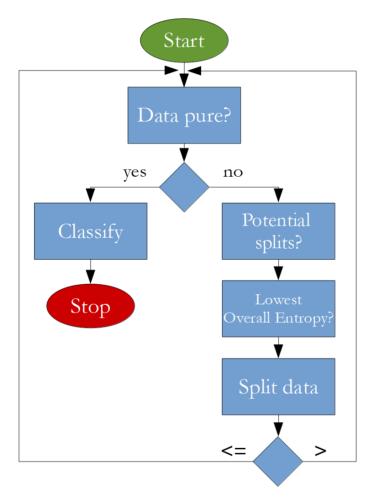
# Implementação

O objetivo deste projeto é programar uma Árvore de Decisão de Classificação que pode ser utilizada mediante a seguinte API:

```
df = pd.read_csv("data.csv")

train_df, test_df = train_test_split(df, test_size=0.2) #Step 1
tree = decision_tree_algorithm(train_df, ml_task="classification")
#Step 2
accuracy = calculate_accuracy(test_df, tree) #Step 3
```

O algoritmo que será implementado seguirá o seguinte modelo:



# Importação de bibliotecas

```
import numpy as np
import pandas as pd

import matplotlib.pyplot as plt
import seaborn as sns

import random
from pprint import pprint
```

### Carregamento e Preparo dos Dados

#### Formato do data set

- A última coluna do data frame deve conter a coluna classificatória e deve se chamar
- Não pode haver valores faltantes no data frame.

```
In [3]:
         df = pd.read csv("creditcard.csv") #Carregando o dataset
         df = df.rename(columns={df.columns[-1]: "label"}) #Renomeando última coluna
         df = df.drop(["Time"], axis=1) #Excluindo colunas desnecessárias
In [5]:
         print(df.shape)
         df.head()
        (284807, 30)
                 V1
                         V2
                                  V3
                                           ٧4
                                                    V5
                                                             ۷6
                                                                       V7
                                                                                V8
Out[5]:
        0 -1.359807 -0.072781 2.536347
                                     1.378155 -0.338321 0.462388
                                                                  0.239599
                                                                           0.098698
                                                                                    0.
        1
            1.191857
                     0.266151 0.166480 0.448154
                                               0.060018 -0.082361 -0.078803
                                                                           0.085102 -0.
        2 -1.358354 -1.340163 1.773209 0.379780 -0.503198 1.800499
                                                                  0.791461
                                                                          0.247676
                                                                                   -1
        3 -0.966272 -0.185226 1.792993 -0.863291 -0.010309
                                                                  0.237609
                                                        1.247203
                                                                          0.377436 -1.
          0.095921
                                                                  0.592941 -0.270533
                                                                                    0
       5 rows × 30 columns
In [6]:
         class names = {0:'Not Fraud', 1:'Fraud'}
         print(df.label.value counts().rename(index = class names))
```

```
Not Fraud
             284315
```

Fraud 492 Name: label, dtype: int64

# Separação de Dados para Teste

Para o #Step 1 da API, é chamada uma função, train\_test\_split que recebe 2 parâmetros: 1) parametro 1: dataframe que se deseja obter a classificação. Nesse caso, df. 2) parametro 2: test\_size é o tamanho desejado da amostra que será utilizada do dataframe para testar o algoritmo de classificação. Pode ser o número de linhas ou uma proporção. Nesse caso foi determinado 0,2 - que representa 20% do dataframe.

A função train\_test\_size executa essa separação e retorna dois dataframes: 1) train\_df: dataframe que será utilizado no treinamento do algoritmo. 2) test\_df: dataframe que será utilizado para testar a acurácia do modelo de classificação gerado.

```
In [7]:
         def train test split(df, test size):
             if isinstance(test_size, float):
                 test_size = round(test_size * len(df)) #Caso o valor de test_size pas
             indices = df.index.tolist() #Passando os indices para uma lista
             test indices = random.sample(population=indices, k=test size) #Pegando um
```

```
test_df = df.loc[test_indices] #Selecionando as linhas
train_df = df.drop(test_indices) #Retirando as linhas selecionadas do dat
return train_df, test_df
```

In [8]:

random.seed(0) #Definindo uma semente para o gerador random a fim de poder-se
train\_df, test\_df = train\_test\_split(df, test\_size=0.2)

## Funções Auxiliares

No decorrer da criação desta API, houve a necessidade de modificar a biblioteca utilizada para a manipulação do dataset. Notou-se que, utilizando um array bidimensional NumPy, o algoritmo ficou cerca de 10 vezes mais rápido. Sendo assim, criou-se uma variável chamada data contendo os valores do dataframe train\_df.

```
In [9]:
        data = train df.values
        data[:5]
Out[9]: array([[-1.35980713, -0.07278117, 2.53634674, 1.37815522, -0.33832077,
                0.46238778, 0.23959855, 0.0986979, 0.36378697, 0.09079417,
               -0.55159953, -0.61780086, -0.99138985, -0.31116935, 1.46817697,
               -0.47040053, 0.20797124, 0.02579058, 0.40399296, 0.2514121,
               -0.01830678, 0.27783758, -0.11047391, 0.06692807, 0.12853936,
               -0.18911484, 0.13355838, -0.02105305, 0.24496426, 0.
              [ 1.19185711, 0.26615071, 0.16648011, 0.44815408, 0.06001765,
               -0.08236081, -0.07880298, 0.08510165, -0.25542513, -0.16697441,
                1.61272666, 1.06523531, 0.48909502, -0.1437723 , 0.63555809,
                0.46391704, -0.11480466, -0.18336127, -0.14578304, -0.06908314,
               -0.22577525, -0.63867195, 0.10128802, -0.33984648, 0.1671704,
                [-1.35835406, -1.34016307, 1.77320934, 0.37977959, -0.50319813,
                1.80049938, 0.79146096, 0.24767579, -1.51465432, 0.20764287,
                0.62450146, 0.06608369, 0.71729273, -0.16594592, 2.34586495,
               -2.89008319, 1.10996938, -0.12135931, -2.2618571, 0.52497973,
                0.24799815, \quad 0.7716794 \ , \quad 0.90941226, \ -0.68928096, \ -0.32764183,
               -0.13909657, -0.05535279, -0.05975184, 1.16068593, 0.
              [-0.96627171, -0.18522601, 1.79299334, -0.86329128, -0.01030888,
                1.24720317, \quad 0.23760894, \quad 0.37743587, \quad -1.38702406, \quad -0.05495192,
               -0.22648726, 0.17822823, 0.50775687, -0.28792375, -0.63141812,
               -1.05964725, -0.68409279, 1.965775 , -1.23262197, -0.20803778,
               -0.10830045, 0.0052736, -0.19032052, -1.17557533, 0.64737603,
               -0.22192884, 0.06272285, 0.06145763, 0.14053425, 0.
              [-1.15823309, 0.87773675, 1.54871785, 0.40303393, -0.40719338,
                0.09592146, 0.59294075, -0.27053268, 0.81773931,
                                                                0.75307443,
               -0.45144918, -0.23703324, -0.03819479, 0.80348692, 0.40854236,
               -0.0094307, 0.79827849, -0.13745808, 0.14126698, -0.20600959,
                0.50229222, 0.21942223, 0.21515315, -0.07340334, 0.
                                                                          ]])
```

#### **Dados Puros?**

Aqui é testada a pureza dos dados em relação a coluna de classificação.

- Caso haja apenas uma classe no dataframe passado à função, ela retorna True.
- Caso contrário, retorna False.

Essa função é importante para que se possa gerar a classificação dos dados. É aqui que é identificado quantas classes existem no dataframe e quais são elas.

```
In [10]:
    def check_purity(data):
        label_column = data[:, -1] #Selecionando a coluna de classificação
        unique_classes = np.unique(label_column) #Selecionando as classes que exi

    if len(unique_classes) == 1:
        return True
    else:
        return False
```

## Classificação

Essa função é responsável por identificar a classe que mais aparece no dataframe.

```
In [11]:
    def classify_data(data):
        label_column = data[:, -1] #Selecionando a coluna de classificação
        unique_classes, counts_unique_classes = np.unique(label_column, return_column)
    index = counts_unique_classes.argmax() #Retornando o index do elemento material classification = unique_classes[index] #Retornando o valor da classe.
    return classification
```

#### Possíveis clusters

Essa função permite que o algoritmo seja implementado em dataframes em que não se sabe, de antemão, quantas classes existem. Isso permite que este algoritmo seja implementado para outras classificações além da binária. Ela retorna um *array* com os possíveis clusters.

```
In [12]:
    def get_potential_splits(data):
        potential_splits = {}
        _, n_columns = data.shape
        for column_index in range(n_columns - 1):  #Excluindo a coluna de
            values = data[:, column_index]
            unique_values = np.unique(values)

            potential_splits[column_index] = unique_values
        return potential_splits
```

# **Split Data**

Esta função separa o data frame em dois: um com valores que estão abaixo de um valor previamente estabelecido e outro com os valores acima.

```
In [13]:
    def split_data(data, split_column, split_value):
        split_column_values = data[:, split_column]
        type_of_feature = FEATURE_TYPES[split_column]
        if type_of_feature == "continuous":
            data_below = data[split_column_values <= split_value]
            data_above = data[split_column_values > split_value]
```

```
# feature is categorical
else:
    data_below = data[split_column_values == split_value]
    data_above = data[split_column_values != split_value]

return data_below, data_above
```

## Menor Entropia Absoluta?

```
In [14]:
          def calculate entropy(data):
              label column = data[:, -1]
              , counts = np.unique(label column, return counts=True)
              probabilities = counts / counts.sum()
              entropy = sum(probabilities * -np.log2(probabilities))
              return entropy
In [15]:
          def calculate overall entropy(data below, data above):
              n = len(data below) + len(data above)
              p data below = len(data below) / n
              p data above = len(data above) / n
              overall entropy = (p data below * calculate entropy(data below)
                                + p_data_above * calculate_entropy(data_above))
              return overall entropy
In [16]:
          def determine_best_split(data, potential_splits):
              overall entropy = 9999
              for column index in potential splits:
                  for value in potential splits[column index]:
                      data_below, data_above = split_data(data, split_column=column_ind
                      current_overall_entropy = calculate_overall_entropy(data_below, d
                      if current_overall_entropy <= overall_entropy:</pre>
                          overall_entropy = current_overall_entropy
                          best split column = column index
                          best split value = value
              return best split column, best split value
```

# **Decision Tree Algorithm**

# Representação da Árvore de Decisão

# Determinação do Tipo de Métrica

### **Algoritmo**

```
In [19]:
          def decision tree algorithm(df, counter=0, min samples=2, max depth=5):
              # data preparations
              if counter == 0:
                  global COLUMN HEADERS, FEATURE TYPES
                  COLUMN_HEADERS = df.columns
                  FEATURE TYPES = determine type of feature(df)
                  data = df.values
              else:
                  data = df
              # base cases
              if (check purity(data)) or (len(data) < min samples) or (counter == max details)</pre>
                  classification = classify_data(data)
                  return classification
              # recursive part
              else:
                  counter += 1
                  # helper functions
                  potential splits = get potential splits(data)
                  split column, split value = determine best split(data, potential spli
                  data below, data above = split data(data, split column, split value)
                  # check for empty data
                  if len(data_below) == 0 or len(data_above) == 0:
                      classification = classify data(data)
                      return classification
                  # determine question
                  feature name = COLUMN HEADERS[split column]
                  type of feature = FEATURE TYPES[split column]
                  if type of feature == "continuous":
                      question = "{} <= {}".format(feature_name, split_value)</pre>
                   # feature is categorical
                  else:
                      question = "{} = {}".format(feature name, split value)
                   # instantiate sub-tree
```

```
sub_tree = {question: []}
        # find answers (recursion)
        yes answer = decision tree algorithm(data below, counter, min samples
        no answer = decision tree algorithm(data above, counter, min samples,
        # If the answers are the same, then there is no point in asking the q
        # This could happen when the data is classified even though it is not
        # yet (min samples or max depth base case).
        if yes_answer == no_answer:
            sub tree = yes answer
        else:
            sub tree[question].append(yes answer)
            sub tree[question].append(no answer)
        return sub tree
tree = decision tree algorithm(train df, max depth=3)
```

```
In [31]:
```

```
_____
                                        Traceback (most recent call last)
KeyboardInterrupt
/var/folders/np/sdvcmn916616z2 x7d16z9m40000gn/T/ipykernel 88758/2824870231.py
in <module>
----> 1 tree = decision tree algorithm(train df, max depth=3)
/var/folders/np/sdvcmn916616z2 x7d16z9m40000gn/T/ipykernel 88758/1509369994.py
in decision tree algorithm(df, counter, min samples, max depth)
    24
               # helper functions
    25
               potential splits = get potential splits(data)
---> 26
               split column, split value = determine best split(data, potenti
al splits)
    27
               data below, data above = split data(data, split column, split
value)
    28
/var/folders/np/sdvcmn916616z2 x7d16z9m40000gn/T/ipykernel 88758/2364581489.py
in determine best split(data, potential splits)
          for column index in potential splits:
     5
               for value in potential_splits[column_index]:
---> 6
                   data_below, data_above = split_data(data, split_column=col
umn_index, split_value=value)
                   current overall entropy = calculate overall entropy(data b
     7
elow, data above)
     8
/var/folders/np/sdvcmn916616z2 x7d16z9m40000gn/T/ipykernel 88758/120946100.py
in split data(data, split column, split value)
     5
          type_of_feature = FEATURE_TYPES[split_column]
           if type of feature == "continuous":
---> 7
               data below = data[split column values <= split value]</pre>
               data above = data[split column values > split value]
     8
     9
```

KeyboardInterrupt:

### Matriz de Confusão

```
In [22]:
          from sklearn.metrics import confusion matrix
          class names = ['Não fraude', 'Fraude']
          matrix = confusion matrix(y test, prediction)
          # Create pandas dataframe
```

```
dataframe = pd.DataFrame(matrix, index=class_names, columns=class_names)
# Create heatmap
sns.heatmap(dataframe, annot=True, cbar=None, cmap="Blues", fmt = 'g')
plt.title("Matriz de Confusão"), plt.tight_layout()
plt.ylabel("Classe Real"), plt.xlabel("Classe Predita")
plt.show()
```



#### Calculo de Acurácia

```
In [23]:
          def calculate accuracy(df, tree):
              df["classification"] = df.apply(classify example, axis=1, args=(tree,))
              df["classification correct"] = df["classification"] == df["label"]
              accuracy = df["classification correct"].mean()
              return accuracy
In [30]:
          accuracy = calculate accuracy(test df, tree)
         NameError
                                                    Traceback (most recent call last)
         /var/folders/np/sdvcmn916616z2 x7d16z9m40000gn/T/ipykernel 88758/3156084455.py
         in <module>
         ---> 1 accuracy = calculate_accuracy(test_df, tree)
               2 print(cl('Valor de acurácia do modelo de Árvore de Decisão: {}'.format
         (accuracy), attrs = ['bold'], color='green'))
         NameError: name 'tree' is not defined
In [29]:
          from termcolor import colored as cl # text customization
          print(cl('Valor de acurácia do modelo de Árvore de Decisão: {}'.format(accura
         Valor de acurácia do modelo de Árvore de Decisão: 0.9992275552122467
```