

Καλησπέρα και πάλι Γιώργο,

λοιπόν θα σου πρότεινα επειδή είναι πολύ μεγάλο το report, αν έχεις λίγο χρόνο πήγαινε κατευθείαν στα τελευταία.

Επίσης μία καλή 'αρχή', όσον αφορά την κατανόηση και τα γενικά αποτελέσματα που έβγαλα, ίσως βρίσκεται στο conclusion όπου τα λέω περιληπτικά και ουσιαστικά.

Αυτό γιατί ουσιαστικά στο introduction έθετα τα ερωτήματα και τι θα κάνουμε στο πρόβλημα που μας έβαλες, ενώ στο conclusion ξέρω τι έγινε και είναι πιο σαφή αυτά που γράφω.

Προσπάθησα να βάλω και link στους αριθμούς των εικόνων που σε έστειλαν κατευθείαν στις εικόνες, το έκανα βασικά, αλλά όταν αλλάζει το section ξαναρχίζει η αρίθμηση και κάπου χάνεται οπότε προτίμησα να σου αφήσω το pdf χωρίς τα link, αλλά σου έχω βάλει το αρχείο .tex που έχει τα link.

Από φακέλους οι πιο σημαντικοί για σένα είναι οι εξής:

- report_begetis_AiMB → περιέχει το pdf και το φάκελο figures
 - figures → περιέχει όλες τις εικόνες του pdf
- files used for this report → περιέχει όλα τα αρχεία που χρησιμοποίησα και 2 ακόμα υποφακέλους
 - sanger ftp st → περιέχει τα πάντα που υπάρχουν στο Sanger και αφορούν την S. Typhi CT18
 - ALL CATEGORIZED → περιέχει τα ίδια δεδομένα με παραπάνω, αλλά κατηγοριοποιημένα ανά τύπο και όχι ανά βήμα μέσα στο pdf
- Bioinformatic Tools → όλα τα εργαλεία που χρησιμοποίησα και ΔΕΝ είναι διαδικτυακά
- project assignment → εκφώνηση
- Bibliography and Manuals → papers Βιβλιογραφίας και Manuals εργαλείων που αναφέρω μέσα στο pdf