

Separación de imágenes con técnicas de PCA e ICA

Pablo de Castro

January 2, 2015

1 Introducción

El objetivo de esta práctica es la aplicación de las técnicas de Análisis por Componentes Principales (*PCA, del inglés*) y de Análisis por Componentes Independientes (*ICA, del inglés*), para separar tres imágenes que se encuentran mezcladas para extraer las componentes y la matriz de mezcla.

2 Fundamento Teórico

2.1 Problema Propuesto

Se han provisto tres imágenes de 512×512 píxeles cada una conteniendo una mezcla lineal de tres imágenes originales. Como se mostrará en la siguiente sección, dos de las imágenes originales pueden distinguirse claramente (una mujer joven y un gato). Sin embargo, la tercera imagen no es claramente identificable por lo que está oculta.

Las imágenes a utilizar no contienen ningún componente de ruido. El modelo de mezcla utilizado se puede describir como:

$$\mathbf{Y} = \mathbf{A}\mathbf{X}$$

en donde \mathbf{Y} son las tres imágenes mezcladas (dimensión 3×512^2), \mathbf{X} las tres imágenes originales (dimensión 3×512^2) y \mathbf{A} es la matriz de mezcla (dimensión 3×3). Se desconoce tanto la matriz de mezcla \mathbf{A} como las componentes originales \mathbf{X} . Este problema, en general, carece de solución determinada. Sin embargo, en este trabajo se utilizarán las técnicas de Análisis de Componentes Principales y Análisis por Componentes Independientes para estimar ambos elementos bajo ciertas condiciones impuestas. La aplicación de estos métodos también tiene como objetivo la identificación de la tercera imagen original que se encuentra oculta.

2.2 Análisis de Componentes Principales

El Análisis de Componentes Principales (PCA, del inglés), es un procedimiento estadístico para transformar un conjunto de observaciones mediante una transformación ortogonal a otro conjunto de componentes que estén descorrelacionadas, denominadas componentes principales.

Esta transformación se define de tal modo que cada componente tenga la máxima varianza posible bajo la condición de que la transformación se ortogonal a las componentes anteriores. El procedimiento permite, de forma no paramétrica, la compresión o representación en un sistema de coordenadas que explique mejor la varianza de los datos.

Supóngase que se tiene una matriz de datos \mathbf{Y} (con dimensiones $(n^\circ \text{ componentes}) \times (n^\circ \text{ muestras})$), el objetivo es encontrar una transformación lineal ortonormal \mathbf{P} que genere una nueva representación de los datos \mathbf{Z} en los que las componentes estén descorrelacionadas:

$$\mathbf{Z} = \mathbf{P}\mathbf{Y}$$

La correlación entre las componentes se puede evaluar con el valor de los elementos no diagonales de la matriz de covarianza \mathbf{C}_Y , que para la matriz de datos \mathbf{Y} una vez centralizada (restando la media de cada componente) se define (sin tener en cuenta los factores constantes) como:

$$\mathbf{C}_Y = \mathbf{Y}\mathbf{Y}^T$$

El objetivo es que en la representación \mathbf{Z} las componentes estén descorrelacionadas, es decir que los elementos no diagonales de la matriz sean nulos [1]. La matrix de covarianza \mathbf{C}_Z para matriz de datos \mathbf{Z} se define como:

$$\mathbf{C}_Z = \mathbf{Z}\mathbf{Z}^T = \mathbf{P}\mathbf{Y}(\mathbf{P}\mathbf{Y})^T = \mathbf{P}\mathbf{Y}\mathbf{Y}^T\mathbf{P}^T = \mathbf{P}\mathbf{C}_Y\mathbf{P}^T$$

Dado que la matriz \mathbf{P} es ortogonal, su tranversa es igual a su inversa $\mathbf{P}^T = \mathbf{P}^{-1}$, por lo que \mathbf{P} es la matriz que diagonaliza la matriz de covarianza de los datos \mathbf{Y} . En resumen, el problema de encontrar los componentes principales se reduce a la búsqueda de los autovectores de \mathbf{C}_Y , para lo cuál se pueden utiliza diversos métodos (i.e. EVD y SVD) . La primera componente correspondera con el autovector del autovalor mayor en valor absoluto, la segunda componente al segundo mayor y así sucesivamente.

Este método es útil para la compresión y representación de datos, ya que permite cambiar a una base en la que las componentes estén descorrelacionadas mediante una tranformación lineal. Por lo tanto, cuando se aplique sobre los datos de este problema se espera que cada componente principal corresponda aproximadamente a una imagen inicial.

2.3 Análisis de Componentes Independientes

El Análisis por Componentes Independientes (*ICA, del inglés*) es un método computacional para separar componentes estadísticamente independientes presentes en un conjunto de datos. Este proceso también se conoce como separación de fuentes independientes y es una posible solución para el problema propuesto en esta práctica.

Para la aplicación este procedimiento, se supone que las fuentes (i.e. componentes de \mathbf{X}) son estadísticamente independientes, que tienen distribuciones no gaussianas (aunque una sola componente si que puede ser gaussiana) y que a matriz de mezcla \mathbf{A} es invertible. Bajo dichas condiciones el sistema es identificable y sus componentes independientes pueden determinarse salvo permutaciones y factores multiplicativos.

Existen diversos métodos para la obtención de las componentes principales, incluyendo la maximización de la no-gaussianidad (i.e. kurtosis o negentropía), máxima verosimilitud, mínima información nula, métodos tensoriales y de decorrelación no lineal. Muchos de los métodos mencionados requieren la aplicación de PCA como un primer paso para la preparación de los datos, que se denomina blanqueado (*whitening*). El objetivo último de todos los métodos es la búsqueda de una matriz de componentes \mathbf{W} , que es la inversa de la matriz de mezcla \mathbf{A} , de modo que las componentes de \mathbf{X} sean estadísticamente independientes.

3 Desarrollo

3.1 Software Utilizado

El análisis de las imágenes en esta práctica se ha realizado en el entorno de computación interactivo *IPython Notebook* [2]. Este mismo documento puede ser visualizado o descargado en formato digital en <http://nbviewer.ipython.org/github/pablodecm/SepFuentes/blob/master/SepFuentes.ipynb>.

Se han utilizado las bibliotecas de software *open source*: *numpy* [?] para la manipulación de arrays y matrices, *matplotlib* [3] para la visualización de imágenes, *scikit-learn* [4] para las implementaciones de PCA e ICA utilizadas y *sympy* [5] para el formato de la salida de datos de matrices.

A continuación, se importan todos los modulos necesarios de la bibliotecas que serán de utilidad en los apartados posteriores.

```
In [1]: %matplotlib inline
import numpy as np
```

```
import matplotlib.pyplot as plt
from sklearn import decomposition
import sympy
sympy.init_printing(use_latex='mathjax')
```

3.2 Importación y Visualización de las Imágenes

Las imágenes mezcladas se encuentran en los archivos de texto:

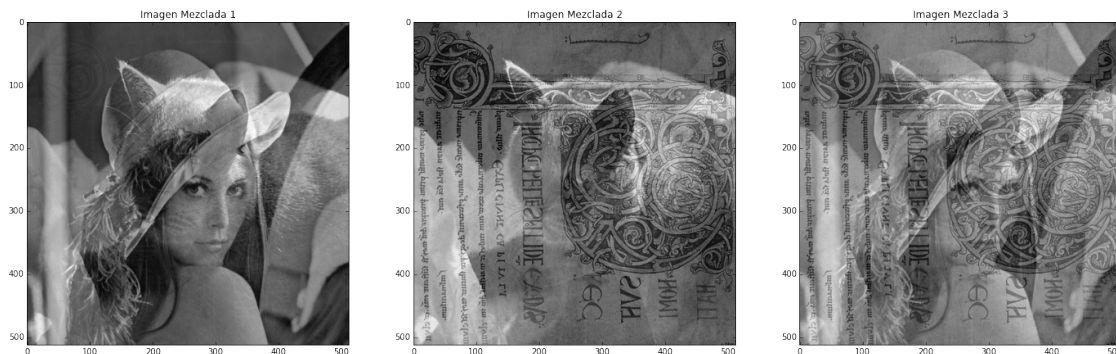
- imagen_mezclada_uno.dat
- imagen_mexclada_dos.dat
- imagen_mexclada_tres.dat

En este apartado, se van a importar las imágenes a un formato de array multidimensional y se van a visualizar:

```
In [2]: img_1 = np.genfromtxt('imagen_mezclada_uno.dat', dtype='float64')
img_2 = np.genfromtxt('imagen_mexclada_dos.dat', dtype='float64')
img_3 = np.genfromtxt('imagen_mexclada_tres.dat', dtype='float64')
```

```
f, (ax1,ax2,ax3) = plt.subplots(1,3)
f.set_size_inches((24,40))
ax1.imshow(img_1, cmap=plt.cm.gray)
ax1.set_title("Imagen Mezclada 1")
ax2.imshow(img_2, cmap=plt.cm.gray)
ax2.set_title("Imagen Mezclada 2")
ax3.imshow(img_3, cmap=plt.cm.gray)
ax3.set_title("Imagen Mezclada 3")
```

Out[2]: <matplotlib.text.Text at 0x1089bea10>



Se aprecia que las imágenes provistas contienen tres imágenes mezcladas. La visualización permite distinguir visualmente tres objetos identificables a una mujer joven, un gato y lo que parece una página de un libro con texto e ilustraciones.

Se han importado y visualizado las imágenes, sin embargo, el formato de matriz no es adecuado para la aplicación de PCA e ICA. Por dicho motivo, se van a transformar las matrices 512×512 en vectores de 262144 elementos. Las tres componentes mezcladas a su vez se apilan verticalmente para formar la matriz Y , de dimensiones 3×262144 .

```
In [3]: # each image is flattened and all three are stacked together
Y = np.vstack((img_1.flatten(),img_2.flatten(),img_3.flatten()))
Y.shape
```

Out [3]:

(3, 262144)

3.3 Aplicación del método PCA

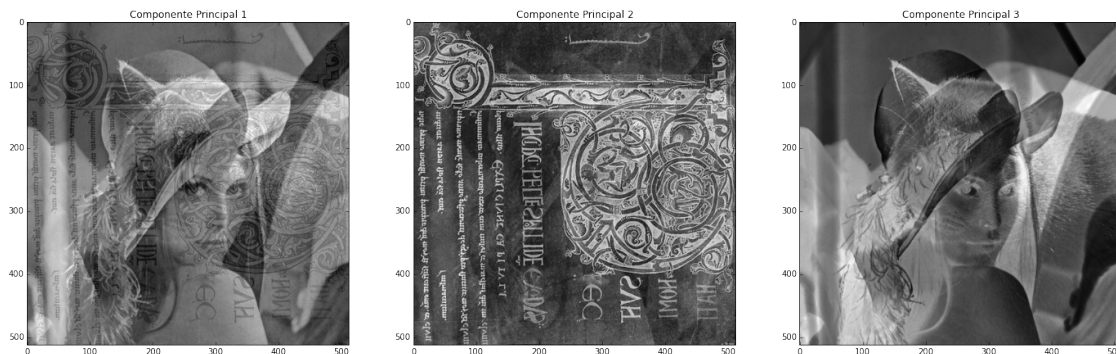
La implementación del método de componentes principales utilizada es la provista por el módulo *decomposition.PCA* de *scikit-learn*. Se basa en el método de descomposición en valores singulares (SVD en inglés).

A continuación, se aplica el método a la matriz **Y** y se visualizan las componentes principales de los datos de nuevo en forma de imagen:

```
In [4]: pca = decomposition.PCA(n_components=3)
img_pca= pca.fit_transform(Y.T)

f, (ax1,ax2,ax3) = plt.subplots(1,3)
f.set_size_inches((24,40))
ax1.imshow(img_pca[:,0].reshape((512,512)), cmap=plt.cm.gray)
ax1.set_title("Componente Principal 1")
ax2.imshow(img_pca[:,1].reshape((512,512)), cmap=plt.cm.gray)
ax2.set_title("Componente Principal 2")
ax3.imshow(img_pca[:,2].reshape((512,512)), cmap=plt.cm.gray)
ax3.set_title("Componente Principal 3")
```

Out[4]: <matplotlib.text.Text at 0x108c19f90>



Se observa que las componentes obtenidas son más fácilmente distinguibles que en el caso anterior. Sin embargo, como se esperaba, el PCA no ha conseguido separar las imágenes en su totalidad. Esto se aprecia claramente para la tercera componente que es una combinación de la imagen de mujer joven y de la imagen del gato. Es posible también obtener la varianza (autovalores) explicada por cada componente en porcentaje:

```
In [5]: sympy.Matrix(pca.explained_variance_ratio_.round(decimals=4))
```

Out[5]:

[0.8389 0.1334 0.0278]

La primera componente explica más del 83% de la varianza total, mientras que los porcentajes de las otras dos son mucho más pequeños. Se puede obtener la matriz **P** con los autovectores de la matriz de covarianza.

```
In [6]: sympy.Eq( sympy.MatrixSymbol("\mathbf{P}",3,3),
sympy.Matrix(pca.components_.round(decimals=4)))
```

Out [6]:

$$\mathbf{P} = \begin{bmatrix} 0.6591 & 0.1426 & 0.7384 \\ 0.7432 & -0.2742 & -0.6104 \\ 0.1154 & 0.951 & -0.2867 \end{bmatrix}$$

Una primera estimación de la matriz de mezcla \mathbf{A}_{PCA} puede ser obtenida como la inversa de la transformación \mathbf{P} obteniendo:

```
In [7]: A_pca = np.linalg.inv(pca.components_)
        sympy.Eq(sympy.MatrixSymbol("\mathbf{A}_{PCA}",3,3),
                 sympy.Matrix(A_pca.round(decimals=4)))
```

Out [7]:

$$\mathbf{A}_{PCA} = \begin{bmatrix} 0.6591 & 0.7432 & 0.1154 \\ 0.1426 & -0.2742 & 0.951 \\ 0.7384 & -0.6104 & -0.2867 \end{bmatrix}$$

3.4 Aplicación del método ICA

La aplicación del método de componentes independientes utilizada es provista en la biblioteca *scikit-learn* y utiliza el algoritmo de maximización de la no-gaussianidad *FastICA* [6]. En concreto, se basa en la maximización de la negentropía a partir de un esquema iterativo de punto fijo. Internamente, la implementación aplica PCA en el preprocesamiento para blanquear los datos.

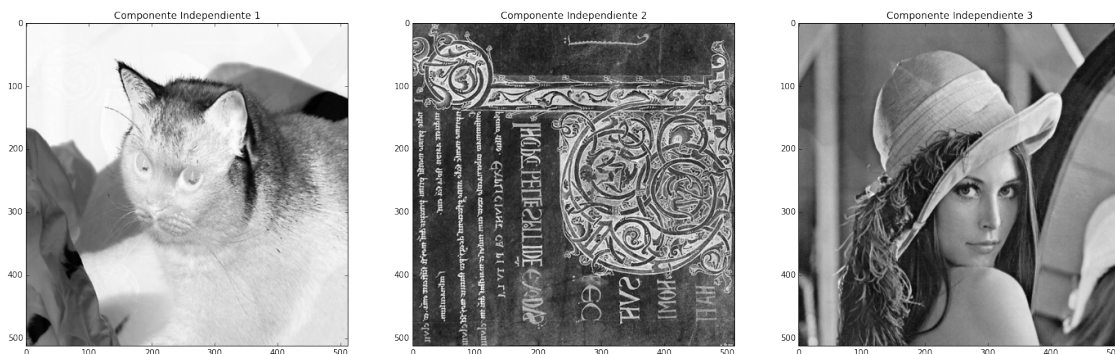
El resultado de la aplicación este método para las imágenes provistas se muestran el siguientes líneas:

```
In [8]: np.random.seed(27)
```

```
ica = decomposition.FastICA(n_components=3)
img_ica= ica.fit_transform(Y.T)

f, (ax1,ax2,ax3) = plt.subplots(1,3)
f.set_size_inches((24,40))
ax1.imshow(img_ica[:,0].reshape((512,512)), cmap=plt.cm.gray)
ax1.set_title("Componente Independiente 1")
ax2.imshow(img_ica[:,1].reshape((512,512)), cmap=plt.cm.gray)
ax2.set_title("Componente Independiente 2")
ax3.imshow(img_ica[:,2].reshape((512,512)), cmap=plt.cm.gray)
ax3.set_title("Componente Independiente 3")
```

Out [8]: <matplotlib.text.Text at 0x109729410>



Se aprecia claramente que el método ICA ha permitido separar las componentes independientes que estaban mezcladas en las imágenes provistas. Las tres imágenes son perfectamente identificables después de la transformación. Se aprecia una inversión del color segunda componente, lo que pueden explicarse dado que las componentes por ICA pueden incluir la multiplicación por un un escalar (negativo como en este caso) o conmutaciones. La matriz de mezcla \mathbf{A}_{ICA} en este caso también se puede estimar como:

```
In [9]: sympy.Eq( sympy.MatrixSymbol("\mathbf{A}_{ICA}",3,3),
                sympy.Matrix(ica.mixing_.round(decimals=4)))
```

Out[9]:

$$\mathbf{A}_{ICA} = \begin{bmatrix} -566.9308 & 75.3859 & 675.8539 \\ -241.3357 & -183.6017 & -37.1631 \\ -419.1685 & -580.6624 & 630.7346 \end{bmatrix}$$

4 Conclusiones

Se han utilizado los métodos de análisis por Componentes Principales y Componentes Independientes para intentar separar tres imágenes mezcladas linealmente en otras tres imágenes.

Los resultados obtenidos por el método de Componentes Principales han permitido descubrir transformar los datos a una nueva base en la que las nuevas componentes están descorrelacionadas. El resultado de este método permite una mayor distinción entre las imágenes pero se sigue observando una mezcla parcial.

El método de componentes independientes, sin embargo, se adecúa mucho más al problema propuesto y es capaz de reproducir las componentes originales salvo factores y conmutaciones con exactitud.

References

- [1] Ian Jolliffe. *Principal component analysis*. Wiley Online Library, 2005.
- [2] Fernando Pérez and Brian E. Granger. IPython: a system for interactive scientific computing. *Computing in Science and Engineering*, 9(3):21–29, May 2007.
- [3] J. D. Hunter. Matplotlib: A 2d graphics environment. *Computing In Science & Engineering*, 9(3):90–95, 2007.
- [4] F. Pedregosa, G. Varoquaux, A. Gramfort, V. Michel, B. Thirion, O. Grisel, M. Blondel, P. Prettenhofer, R. Weiss, V. Dubourg, J. Vanderplas, A. Passos, D. Cournapeau, M. Brucher, M. Perrot, and E. Duchesnay. Scikit-learn: Machine learning in Python. *Journal of Machine Learning Research*, 12:2825–2830, 2011.
- [5] SymPy Development Team. *SymPy: Python library for symbolic mathematics*, 2014.
- [6] Aapo Hyvärinen and Erkki Oja. Independent component analysis: algorithms and applications. *Neural networks*, 13(4):411–430, 2000.