

# 对 Boston 数据集的降维分析

CS245 数据科学基础 陆朝俊

叶泽林 515030910468

## 1 问题描述

在数据预处理中，数据约简是一个重要的步骤，数据约简技术可以得到数据集的约简表示，即缩小数据容量但保持了原始数据的大多数信息，使得之后的分析更加高效，而分析结果与未约简的结果几乎相同。

在数据量和数据复杂性日益增多情况下，数据约简更是数据预处理中不可或缺的关键一环。这次作业中，我将使用数据约简技术（以 PCA 为主）对 Boston 数据集进行降维分析。

## 2 解决方案<sup>1</sup>

### 2.1 数据集获取及读入

Boston 数据集的全称为波士顿房价数据集（Boston House Price Dataset），给定房屋及其相邻房屋的详细信息进行房价预测，是一个针对回归问题的数据集。该数据集包含 506 个实例，每个实例拥有 13 个特征及一个回归目标（房价），具体的数据集特征情况可参见附录 A.1。

Boston 数据集已集成在 Python 的 scikit-learn 模块下，安装好该模块后只需运行以下代码即可读取数据集：

```
1 from sklearn import datasets
2 boston = datasets.load_boston()
```

### 2.2 降维分析

降维分析中最常用的就是主成分分析（PCA）算法，本次作业中也将采用 PCA 算法进行降维分析。PCA 的主要思想是：找出能反映最大偏差的特征的线性组合（即主成分），构成新特征空间。

PCA 算法中主成分维数的选择将影响预处理后的分析过程：维数过少，无法获得有效的特征；维数过多，数据约简的作用将被弱化。因此，这次作业的降维分析分为如下步骤：

1. 读入数据集；
2. 以 1 至 13（原特征总数）为主成分维数，执行 PCA 算法，并统计各维数下主成分的方差占比之和以及 PCA 算法运行所消耗的时间；
3. 推断 Boston 数据集主成分的最佳维数；
4. 将主成分为 1 至 3 的情况可视化，对比检查其降维效果。

---

<sup>1</sup>本次作业的所有代码实现可参见附录 A.3

### 3 结果展示

#### 3.1 PCA 算法在不同主成分维数下对 Boston 数据集的降维效果

一般地，PCA 算法得到的主成分越多，其方差占比之和也就越高，即包含了更多的原数据特征信息，但具体的数值以及主成分的最佳个数（尽可能保持多的特征信息时最低的个数）需要通过实验才能得出。在这次作业中，我统计了主成分个数从 1 至 13 时的方差占比之和以及 PCA 算法消耗的时间，具体数值可参见表 1。

表 1: Boston 数据集 PCA 降维效果比较

| 主成分个数 | 主成分方差占比之和 | 消耗时间 (s) |
|-------|-----------|----------|
| 1     | 0.80581   | 0.00300  |
| 2     | 0.96887   | 0.01001  |
| 3     | 0.99021   | 0.00600  |
| 4     | 0.99717   | 0.00901  |
| 5     | 0.99848   | 0.00400  |
| 6     | 0.99921   | 0.00400  |
| 7     | 0.99963   | 0.00400  |
| 8     | 0.99988   | 0.00300  |
| 9     | 0.99996   | 0.00400  |
| 10    | 0.99999   | 0.00400  |
| 11    | 0.99999   | 0.00100  |
| 12    | 0.99999   | 0.00100  |
| 13    | 1.00000   | 0.00000  |

从表中数值可以看出，主成分个数较少时，方差占比之和随着主成分个数增多有着较大的提升；主成分个数从 3 之后，方差占比之和仅有小幅度的提升，且提升速度越来越慢。

从算法消耗的时间上看，主成分个数较少时，消耗的时间同样随着主成分个数增多而提升较快；当主成分个数接近原特征数时，算法对原数据的更改较少，消耗的时间接近于 0（关于这部分更深入的讨论可参见 3.3 小节）。

数值数据虽然精确，但不够直观，从图 1 中可以更直观地看出上述趋势。

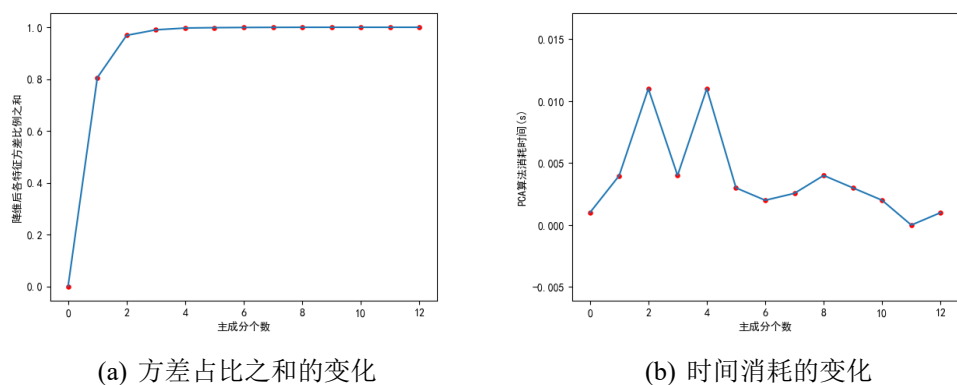


图 1: PCA 对于 Boston 数据集的降维效果

综合图表数据以及上述分析结果，可以得出：一般应用中，PCA 算法在 Boston 数据集下的最佳主成分个数为 3。

### 3.2 可视化部分 PCA 效果

为确认 PCA 算法的效果，我将主成分个数为 1 至 3 的结果可视化（图 2）。

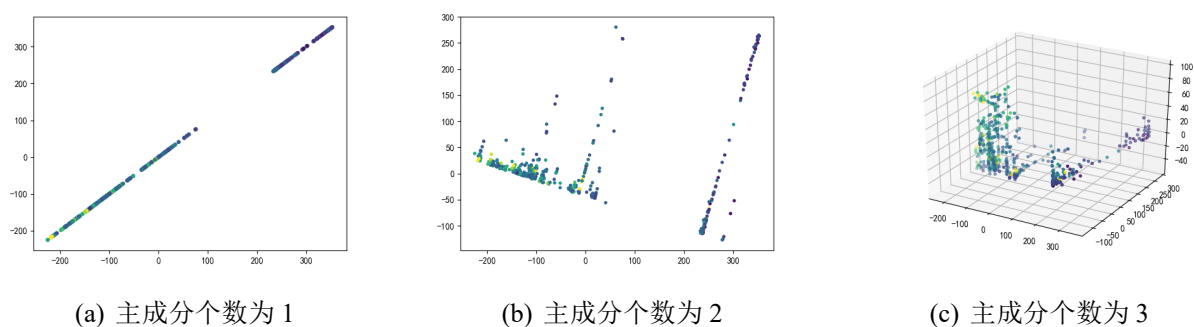


图 2: PCA 效果可视化（图中不同点的颜色代表不同的回归目标，即房价，颜色越接近则表示数值越接近）

容易看出，PCA 算法在主成分个数为 1 时，仅提取出个数为 2 的部分特征信息（即图 2(b) 右侧的长线）；同理，个数为 2 的结果也仅为图 2(c) 在俯视角度下的信息。因此，上图更为形象地解释了 3.1 小节的结果。

同时，我也对主成分个数为 3 的可视化进行了多角度的探索，详细结果可参见附录 A.2。

### 3.3 PCA 在实际应用中的思考

本次实验中，我主要根据 PCA 算法的目标主成分个数执行算法，而在实际应用中，有时也需要直接根据主成分方差之和来执行 PCA 算法，尤其是在特征数极多的情况下（如基因芯片中的数万甚至数百万特征）。

Boston 数据集属于极小的数据集，仅有 506 个实例和 13 个特征，因此执行 PCA 算法所消耗的时间可忽略不计，且受噪声的影响较大

## A 附录

### A.1 Boston 数据集特征信息

表 2: Boston 数据集特征信息

| 编号 | 特征名     | 特征含义                                       |
|----|---------|--|
| 1  | CRIM    | 城镇人均犯罪率                                    |
| 2  | ZN      | 住宅用地超过 25000 sq.ft. 的比例                    |
| 3  | INDUS   | 城镇非零售商用土地的比例                               |
| 4  | CHAS    | 查尔斯河空变量（如果边界是河流，则为 1；否则为 0）                |
| 5  | NOX     | 一氧化氮浓度                                     |
| 6  | RM      | 住宅平均房间数                                    |
| 7  | AGE     | 1940 年之前建成的自用房屋比例                          |
| 8  | DIS     | 到波士顿五个中心区域的加权距离                            |
| 9  | RAD     | 辐射性公路的接近指数                                 |
| 10 | TAX     | 每 10000 美元的全值财产税率                          |
| 11 | PTRATIO | 城镇师生比例                                     |
| 12 | B       | $1000(B_k - 0.63)^2$ , 其中 $B_k$ 指代城镇中黑人的比例 |
| 13 | LSTAT   | 人口中地位低下者的比例                                |

### A.2 PCA 算法在主成分为 3 时的进一步可视化

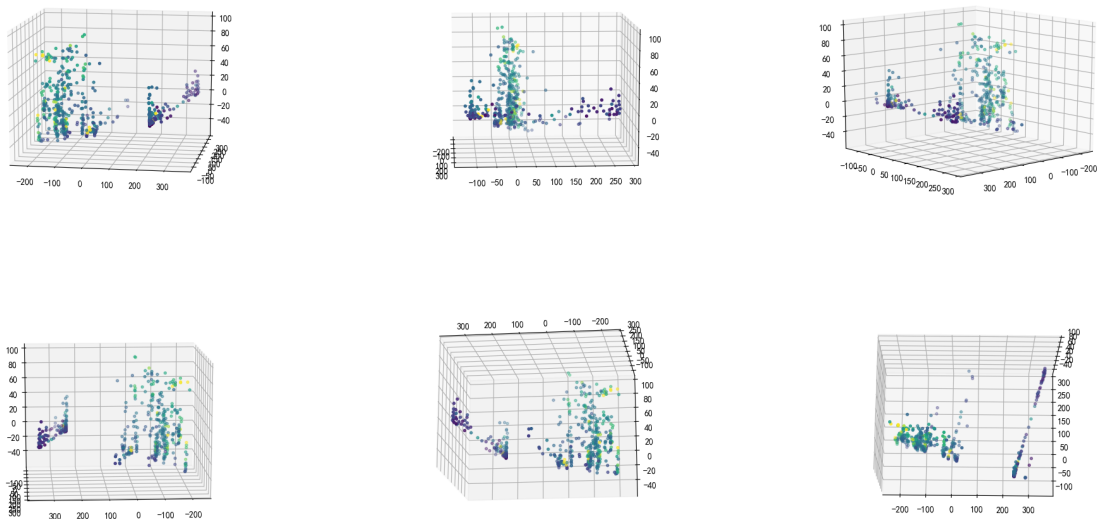


图 3: PCA 效果进一步可视化（主成分为 3 时）

### A.3 主要代码

```

1 import matplotlib.pyplot as plt
2 plt.rcParams['font.sans-serif'] = ['SimHei']      # display Chinese
3 plt.rcParams['axes.unicode_minus'] = False        # display minus sign
4 from mpl_toolkits.mplot3d import Axes3D
5 from sklearn import datasets
6 from sklearn.decomposition import PCA
7
8 import os
9 import time
10
11 class bostonAnalyzer(object):
12     def __init__(self):
13         # load dataset
14         self.dataset = datasets.load_boston()
15         self.data = self.dataset.data
16         self.target = self.dataset.target
17
18         # for plot
19         self.var = []
20         self.t = []
21
22         if not os.path.exists('report/img'):
23             os.makedirs('report/img')
24
25     def run(self, vis=False):
26         '''
27         Run PCA for 1-13 dimensions
28         :param vis: True: plot dim 1-3; False: not plot
29         '''
30
31         self.var.clear()
32         self.t.clear()
33
34         with open('report/result.txt', 'w') as f:
35             for i in range(13):
36                 t = time.time()
37                 pca_op = PCA(n_components=i)
38                 pca_res = pca_op.fit_transform(self.data)
39                 t = time.time() - t
40
41                 self.var.append(pca_op.explained_variance_ratio_.sum()
42                                )
43                 self.t.append(t)
44
45                 # write log
46                 f.write('##### Dimension %d #####\n' % i)
47                 f.write(str(pca_res.shape) + '\n')

```

```

47         f.write(str(pca_op.explained_variance_ratio_) + '\n')
48         f.write(str(pca_op.explained_variance_ratio_.sum()) +
49                 '\n')
50         f.write(str(t) + '\n\n')
51
52         # visualize for debug & plot
53         if vis:
54             if i == 1:
55                 # plot 1 dimension
56                 plt.scatter(pca_res[:, 0], pca_res[:, 0], s
57                             =14, c=self.target)
58                 plt.savefig('report/img/pca-%d' % i)
59                 plt.show()
60             elif i == 2:
61                 # plot 2 dimensions
62                 plt.scatter(pca_res[:, 0], pca_res[:, 1], s=8, c
63                             =self.target)
64                 plt.savefig('report/img/pca-%d' % i)
65                 plt.show()
66             elif i == 3:
67                 # plot 3 dimensions
68                 ax = plt.subplot(projection='3d')
69                 ax.scatter(pca_res[:, 0], pca_res[:, 1],
70                           pca_res[:, 2], s=8, c=self.target)
71                 plt.savefig('report/img/pca-%d' % i)
72                 plt.show()
73
74     def show(self):
75         """
76         Show the basic info of Boston dataset & plot k-lines
77         """
78         print(self.data.shape)
79         print(self.target.shape)
80         self._k_line_radio()
81         self._k_line_time()
82
83     def _k_line_radio(self):
84         """
85         Plot k-line of variant radio
86         """
87         x = list(range(len(self.var)))
88         plt.scatter(x, self.var, s=14, c='r')
89         plt.plot(x, self.var)
90         plt.xlabel('主成分个数')
91         plt.ylabel('降维后各特征方差比例之和')
92         plt.savefig('report/img/kline-radio')
93         plt.show()

```

```
91     def _k_line_time(self):
92         '''
93         Plot k-line of time
94         '''
95         x = list(range(len(self.t)))
96         plt.scatter(x, self.t, s=14, c='r')
97         plt.plot(x, self.t)
98         plt.xlabel('主成分个数')
99         plt.ylabel('PCA算法消耗时间(s)')
100        plt.savefig('report/img/kline-time')
101        plt.show()
102
103 if __name__ == '__main__':
104     bA = bostonAnalyzer()
105     bA.run(True)
106     bA.show()
```