对 Boston 数据集的降维分析

CS245 数据科学基础 陆朝俊 叶泽林 515030910468

1 问题描述

在数据预处理中,数据约简是一个重要的步骤,数据约简技术可以得到数据集的约简表示,即缩小数据容量但保持了原始数据的大多数信息,使得之后的分析更加高效,而分析结果与未约简时的结果几乎相同。

在数据量和数据复杂性日益增加的情况下,数据约简更是数据预处理中不可或缺的关键一环。 这次作业中,我使用数据约简技术(以 PCA 为主)对 Boston 数据集进行降维分析。

2 解决方案1

2.1 数据集的获取及读入

Boston 数据集的全称为波士顿房价数据集(Boston House Price Dataset),给定房屋及其相邻房屋的详细信息,对其进行房价预测,是一个针对回归问题的数据集。该数据集包含 506 个实例,每个实例拥有 13 个特征及一个回归目标(房价),具体的数据集特征情况可参见附录 A.1。

Boston 数据集已集成在 Python 的 scikit-learn 模块下,安装好该模块后只需运行以下代码即可读取数据集:

from sklearn import datasets
boston = datasets.load_boston()

2.2 降维分析

降维分析中最常用的方法就是主成分分析(PCA)算法,本次作业中也将采用 PCA 算法进行降维分析。PCA 的主要思想是:找出能反映最大偏差的特征的线性组合(即主成分),构成新特征空间。

PCA 算法中主成分维数的选择将影响预处理后的分析过程:维数过少,无法获得有效的特征;维数过多,数据约简的作用将被弱化。浪费时间和计算资源。因此,这次作业的降维分析分为如下步骤:

- 1. 从 scikit-learn 模块中读入数据集;
- 2. 以 1 至 13 (原总特征数)为主成分个数,分别执行 PCA 算法,并统计各情况下主成分的方差占比之和以及 PCA 算法运行所消耗的时间;
- 3. 从步骤 2 的统计结果推断 Boston 数据集主成分的最佳维数:
- 4. 将主成分为1至3的情况可视化,对比检查其降维效果。

¹本次作业的所有代码实现可参见附录 A.3

3 结果展示

3.1 PCA 算法在不同主成分个数下对 Boston 数据集的降维效果

一般地, PCA 算法的目标主成分越多, 其方差占比之和也就越高, 即包含了越多的原数据特征信息, 但具体的数值以及主成分的最佳个数(尽可能保持多的特征信息时最低的主成分个数) 需要通过实验才能得出。在这次作业中, 我统计了主成分个数从 1 至 13 时的方差占比之和以及 PCA 算法消耗的时间, 具体数值可参见表 1。

主成分个数	主成分方差占比之和	消耗时间 (s)
1	0.80581	0.00300
2	0.96887	0.01001
3	0.99021	0.00600
4	0.99717	0.00901
5	0.99848	0.00400
6	0.99921	0.00400
7	0.99963	0.00400
8	0.99988	0.00300
9	0.99996	0.00400
10	0.99999	0.00400
11	0.99999	0.00100
12	0.99999	0.00100
13	1.00000	0.00000

表 1: Boston 数据集 PCA 降维效果比较

从表中数值可以看出,主成分个数较少时,方差占比之和随着主成分个数增多有着较大的提升,主成分个数达到3之后,方差占比之和仅有小幅度的提升,且提升速度越来越慢。

从算法消耗的时间上看,主成分个数较少时,消耗的时间同样随着主成分个数的增多而提升较快;当主成分个数接近原特征数时,算法对原数据的更改较少,消耗的时间接近于0(关于这部分更深入的讨论可参见3.3小节)。

数值数据虽然精确,但不够直观,从图1中可以更直观地看出上述趋势。

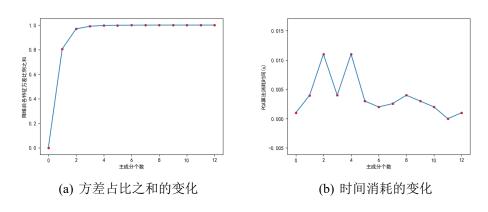


图 1: PCA 对于 Boston 数据集的降维效果

从图中可以更为明显地看出,主成分的方差占比之和在3个主成分以上时几乎没有提升,且目标主成分个数为3时消耗的时间也处于局部最小值。综合图表数据以及上述分析结果,可以得出:一般应用中,PCA算法在Boston数据集下的最佳主成分个数为3。

3.2 可视化部分 PCA 降维效果

为确认 PCA 算法的效果, 我将主成分个数为1至3的结果可视化(图2)。

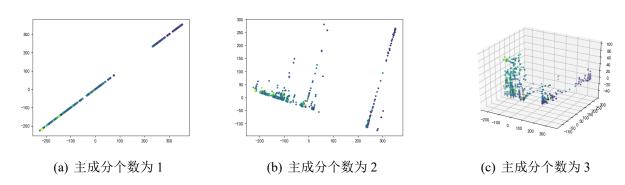


图 2: PCA 效果可视化(图中不同点的颜色代表不同的回归目标,即房价,颜色越接近则表示数值越接近)

容易看出,PCA 算法在主成分个数为 1 时,仅提取出个数为 2 的部分特征信息(即图 2(b) 右侧的长线);同理,个数为 2 的结果也仅为图 2(c) 在俯视角度下的信息。因此,上图更为形象地解释了 3.1 小节的结果。

同时,我也对主成分个数为3的可视化结果进行了多角度的探索,详细信息可参见附录A.2。

3.3 PCA 在实际应用中的思考

本次实验中,我主要根据 PCA 算法的目标主成分个数执行算法,而在实际应用中,有时也需要直接根据主成分方差占比之和来执行 PCA 算法,尤其是在特征数极多的情况下(如数万甚至数百万特征)。

Boston 数据集属于极小的数据集,仅有 506 个实例和 13 个特征,因此执行 PCA 算法所消耗的时间可忽略不计,且受噪声的影响较大。对于大规模的数据集,如基因芯片数据,实例和特征个数的计量一般以万甚至百万为单位,此时 PCA 算法消耗的时间即使在 40 核的并行计算下也将长达数小时或数天之久,直接通过确定目标主成分个数来执行 PCA 算法显然不现实,一般做法应是直接指定主成分方差占比之和以执行 PCA 算法。而由于算法消耗的时间和计算资源巨大,对于主成分方差占比之和的选择也应有更全面的考虑。

A 附录

A.1 Boston 数据集特征信息

表 2: Boston 数据集特征信息

编号	特征名	特征含义	
1	CRIM	城镇人均犯罪率	
2	ZN	住宅用地超过 25000 sq.ft. 的比例	
3	INDUS	城镇非零售商用土地的比例	
4	CHAS	查理斯河空变量(如果边界是河流,则为1;否则为0)	
5	NOX	一氧化氮浓度	
6	RM	住宅平均房间数	
7	AGE	1940年之前建成的自用房屋比例	
8	DIS	到波士顿五个中心区域的加权距离	
9	RAD	辐射性公路的接近指数	
10	TAX	每 10000 美元的全值财产税率	
11	PTRATIO	城镇师生比例	
12	В	1000(Bk-0.63)2,其中 Bk 指代城镇中黑人的比例	
13	LSTAT	人口中地位低下者的比例	

A.2 PCA 算法在主成分个数为 3 时的进一步可视化

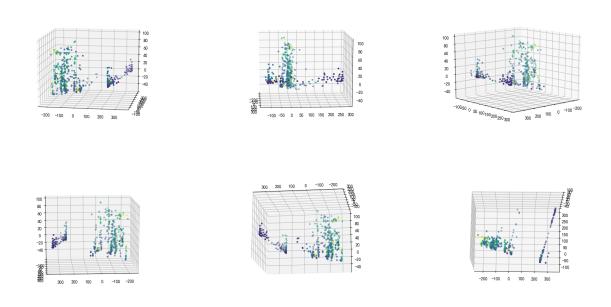


图 3: PCA 效果进一步可视化(主成分个数为 3 时)

A.3 主要代码

```
import matplotlib.pyplot as plt
   plt.rcParams['font.sans-serif'] = ['SimHei']
2
                                                      # display Chinese
3
   plt.rcParams['axes.unicode minus'] = False
                                                      # display minus sign
   from mpl toolkits.mplot3d import Axes3D
5
   from sklearn import datasets
   from sklearn. decomposition import PCA
6
7
8
   import os
9
   import time
10
11
   class bostonAnalyzer(object):
       def init (self):
12
           # load dataset
13
            self.dataset = datasets.load boston()
14
15
            self.data = self.dataset.data
            self.target = self.dataset.target
16
17
           # for plot
18
            self.var = []
19
            self.t = []
20
21
            if not os.path.exists('report/img'):
22
23
                os.makedirs('report/img')
24
       def run(self, vis=False):
25
26
27
           Run PCA for 1-13 dimensions
28
            : param vis: True: plot dim 1-3; False: not plot
29
30
            self.var.clear()
31
            self.t.clear()
32
33
            with open('report/result.txt', 'w') as f:
34
35
                for i in range (13):
36
                    t = time.time()
37
                    pca op = PCA(n components=i)
38
                    pca res = pca op.fit transform(self.data)
39
                    t = time.time() - t
40
                    self.var.append(pca op.explained variance ratio .sum()
41
42
                    self.t.append(t)
43
44
                    # write log
                    f. write ('###### Dimension \%d \#####\n' % i)
45
                    f. write (str (pca res. shape) + '\n')
46
```

```
47
                    f. write (str (pca op. explained variance ratio ) + '\n')
                    f. write (str (pca op. explained variance ratio .sum()) +
48
                       '\n')
                    f.write(str(t) + '\n\n')
49
50
51
                    # visualize for debug & plot
52
                    if vis:
53
                        if i == 1:
54
                            # plot 1 dimension
                             plt.scatter(pca res[:, 0], pca_res[:, 0], s
55
                               =14, c=self.target)
56
                             plt.savefig('report/img/pca-%d' % i)
57
                             plt.show()
                        elif i == 2:
58
59
                            # plot 2 dimensions
                             plt.scatter(pca_res[:,0], pca_res[:,1], s=8, c
60
                               = self.target)
61
                             plt.savefig('report/img/pca-%d' % i)
62
                             plt.show()
                        elif i == 3:
63
                            # plot 3 dimensions
64
                            ax = plt.subplot(projection='3d')
65
                            ax.scatter(pca res[:, 0], pca res[:, 1],
66
                               pca_res[:, 2], s=8, c=self.target)
                             plt.savefig('report/img/pca-%d' % i)
67
                             plt.show()
68
69
70
       def show(self):
71
72
           Show the basic info of Boston dataset & plot k-lines
73
74
            print(self.data.shape)
75
            print(self.target.shape)
            self._k_line_radio()
76
77
            self. k line time()
78
79
       def k line radio(self):
80
           Plot k-line of variant radio
81
82
83
           x = list(range(len(self.var)))
84
            plt. scatter (x, self.var, s=14, c='r')
           plt.plot(x, self.var)
85
           plt.xlabel('主成分个数')
86
           plt.ylabel('降维后各特征方差比例之和')
87
            plt.savefig('report/img/kline-radio')
88
89
           plt.show()
90
```

```
91
        def _k_line_time(self):
92
            Plot k-line of time
93
94
            x = list(range(len(self.t)))
95
            plt.scatter(x, self.t, s=14, c='r')
96
            plt.plot(x, self.t)
97
            plt.xlabel('主成分个数')
98
            plt.ylabel('PCA算法消耗时间(s)')
99
            plt.savefig('report/img/kline-time')
100
            plt.show()
101
102
    if __name__ == '__main__':
103
       bA = bostonAnalyzer()
104
105
        bA.run(True)
       bA.show()
106
```