

#### **Avant toutes choses**

Nous aurons besoin du package pheatmap:

- · Vérifier que le package pheatmap est bien installé
- · Si non, l'installer, puis le charger

```
library(pheatmap)
```

Nous allons également avoir besoin des données fruits :

```
data("fruits", package = "tidyViz")
```

#### Premier essai

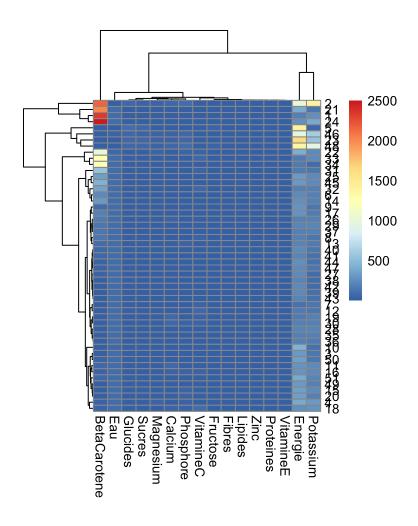
#### pheatmap(fruits)

```
Error in hclust(d, method = method) :
   NA/NaN/Inf dans un appel à une fonction externe (argument 10)
De plus : Warning messages:
1: In dist(mat, method = distance) :
   NAs introduits lors de la conversion automatique
2: In dist(mat, method = distance) :
   NAs introduits lors de la conversion automatique
```

## Pourquoi ça ne fonctionne pas?

#### Deuxième essai

```
pheatmap(fruits[, -(1:2)])
```



C'est déjà mieux?

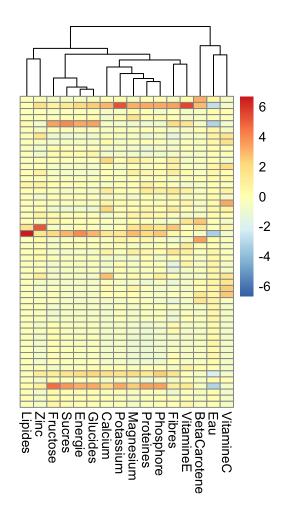
#### Les arguments

- cluster\_rows = FALSE: enlever le dendrogramme sur les lignes
- scale = "column": pour standardiser les variables
- show\_rownames = FALSE: pour cacher les noms des lignes
- cellwidth = 10: pour avoir des plus petites cellules

Pour avoir une liste complète des arguments : ?pheatmap

#### Troisième essai

```
pheatmap(
   fruits[, -(1:2)],
   cluster_rows = FALSE,
   scale = "column",
   show_rownames = FALSE,
   cellwidth = 10
)
```

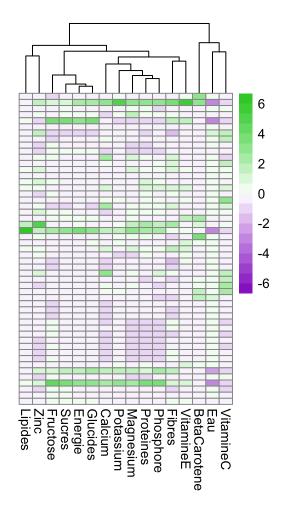


## Comment changer les couleurs?

### Quatrième essai

```
colfun <- colorRampPalette(
   c("darkorchid",
        "white",
        "limegreen"))

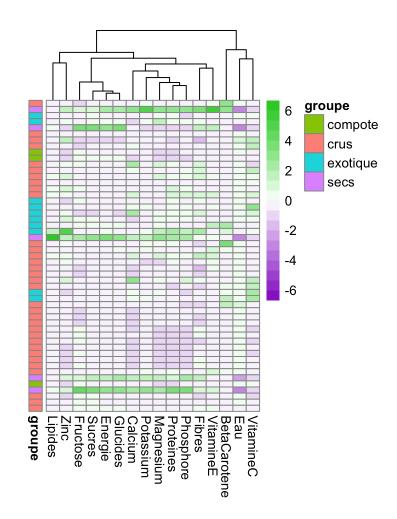
pheatmap(
   fruits[, -(1:2)],
   cluster_rows = FALSE,
   scale = "column",
   show_rownames = FALSE,
   cellwidth = 10,
   color = colfun(20)
)</pre>
```



# Comment ajouter des informations "qualitatives"?

#### Cinquième essai

```
colfun <- colorRampPalette(</pre>
  c("darkorchid",
    "white",
    "limegreen"))
fruitsDF <- data.frame(</pre>
  fruits[,-1],
  row.names = make.unique(fruits$nom))
annotLignes <- fruitsDF[, "groupe",</pre>
                         drop = FALSE]
pheatmap(
  fruitsDF[, -1],
  cluster rows = FALSE,
  scale = "column",
  show rownames = FALSE,
  cellwidth = 10,
  color = colfun(20),
  annotation row = annotLignes
```



#### A vous!

Changez la commande suivante pour obtenir un joli graphe.

```
pheatmap(
  t(fruits),
  scale = "row",
  color = c("black", "black"),
  legend_breaks = c(-6, 0, +6),
  border_color = "pink",
  cellheight = 100,
  cellwidth = 0.1,
  show_colnames = "FALSE"
)
```