2023 年 4 月 28 日 自然计算 强基数学 002 吴天阳 2204210460

第一次作业

题目 1. 使用简单遗传算法 (Simple Genetic Algorithm, SGA) 求解以下一元函数的最大值:

$$f(x) = x \sin(4\pi x) + x^2, \quad x \in [-1, 2]$$

结果精确到小数点后 6 位. 并绘制最优解及种群均值变换曲线,实验分析参数 M, p_c, p_m 等参数 改变对算法性能的影响.

解答. 首先对 SGA 算法进行简单描述, 总共分为以下 7步:

1. **二进制编码(染色体、个体)**假设自变量为实数,取值范围为 $[x_{\min}, x_{\max}]$,编码精度为 δ ,编码长度为L,则可通过下式求解L:

$$2^L - 1 = \frac{x_{\text{max}} - x_{\text{min}}}{\delta}$$

设 $x \in [x_{\min}, x_{\max}]$, y 为 x 对应的二进制数,理解了十进制与二进制相互映射的原理,x 与 y 的关系式(解码):

$$Decode(y) = x = x_{min} + \frac{x_{max} - x_{min}}{2^L - 1}Dec(y)$$

其中 Dec(y) 表示二进制数 y 对应的十进制数,并用 Binary(x) 表示十进制数 x 对应的二进制数,求解上式的反函数即可得到编码方法:

$$\operatorname{Encode}(x) = y = \operatorname{Binary}\left(\left\lfloor (2^L - 1) \frac{x - x_{\min}}{x_{\max} - x_{\min}} \right\rfloor\right)$$

其中 |x| 表示对 x 向下取整.

def decode(self, y):

return self.xmin + (self.xmax - self.xmin) / ((1<<self.L) - 1) * y

(1<<n) = 2**n 表示在二进制中将 1 左移 n 位

2. 随机产生初始群体

记初始群体中个体数目(种群规模)为 M ($50 \sim 100$),可以在 $[0,2^L)$ 中随机采样 M 得到初始群体.

y = np.random.randint(0, 1<<self.L, size=self.M) # 二进制编号后的群体 y

3. 适应度函数

根据问题需要,设计关于个体的适应度函数(打分函数)f(x),得分越高说明个体越能适应环境. 本题中适应度函数就是 $f(x) = x \sin(4\pi x) + x^2$.

4. 选择操作

根据适应度函数得到每个个体的适应值 f_i ,由于适应度越大的个体更有可能存活下来,所以选择概率就是适应度的占比:

$$p_i = \frac{f_i}{\sum_{i=1}^{M} f_i}$$

- p = (s s.min() + 1e-8) / np.sum(s s.min() + 1e-8) # 每个个体的选择概率,为避免 → 除 0, 所以加上 1e-8
- 2 y = y[np.random.choice(self.M, self.M, p=p)] # 选择新一代个体

5. 交叉操作

记交叉概率为 p_c (0.5~1),则交换个体数目为 $M_c = \lfloor M \cdot p_c \rfloor$,从选择后的群体中随机选择 $M_c/2$ 对个体 $\{(P_1^i, P_2^i)\}_{i=1}^{M_c/2}$ (M_c 为奇数则减少一个或再增加一个个体,使得最终的 M_c 为偶数),对于每一对个体 (P_1, P_2) 在 [1, L) 中随机选择交叉位点 q_c ,进行如下图所示的交换操作:

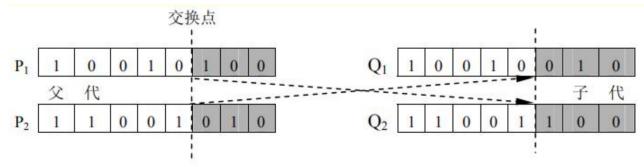


图 1: 交叉操作

```
idxs = np.random.choice(self.M, int(self.M * self.pc // 2 * 2)) # 选出交换个体下标 for i in range(int(self.M * self.pc // 2)):
    a, b = y[idxs[i<<1]], y[idxs[i<<1|1]] # 抽取两个个体 qc = np.random.randint(0, self.L) + 1 # 交换前 qc 位 c, d = a.copy(), b.copy() # 先保存在 c,d 上 a = ((a >> qc) << qc) + (d & ((1<<qc) - 1)) # 交换 b = ((b >> qc) << qc) + (c & ((1<<qc) - 1)) # 交换 y[idxs[i<<1]], y[idxs[i<<1|1]] = a, b
```

6. 变异操作

设变异概率为 p_m (0.005~0.01), 对于每个交叉后的个体, 在 [1, L] 上的每一位都有 p_m 的概率发生变异 (0 和 1 的互换, 异或操作: $0 \leftarrow 1, 1 \leftarrow 0$), 给定变异概率 p_m 后,总共期望发生的变异位数为 $B = M \cdot L \cdot p_m$;

种群规模为 M=3,编码长度为 L=4,变异概率为 $p_m=0.005$ 的一次变异操作例子如下:

个体编号	个体	随机数				新个体
1	1100	0.835	0.421	0.763	0.123	
2	0101	0.451	0.101	0.035	0.074	
3	1010	0.542	0.763	0.024	0.001	1011

图 2: 变异操作

对每个个体的每一位生成一个 [0,1) 之间的随机数 r,如果 $r \leq p_m$,则对该位置进行一次 异或操作,例如个体编号为 1,2 的每一位的随机数都大于 0.005,所以不进行变异操作;而编号 为 3 的个体的第四位随机数 $0.001 \leq 0.005$,所以只对第四位进行异或操作 $0 \leftarrow 1$,于是变异结果为 1011.

```
for i in range(len(y)):
for j in range(self.L): # 枚举 y[i] 的第 j 位
if np.random.rand() <= self.pm: # 如果发生变异
y[i] ^= (1<<j) # 对第 j 位进行异或
```

7. 终止条件

执行上述步骤 1,2 之后,循环执行自然选择过程: 3,4,5,6,直到达到终止条退出循环,终止条件常用有两种:

- 1. 最大迭代次数 N(200~500)
- 2. 如果已知问题最优解 f^* ,则可设置终止条件为 $|f_{\max}^{(i)} f^*| \le \delta$ (其中 $f_{\max}^{(i)}$ 表示 $1 \sim i$ 次迭代中所有个体的最优适应度)

完整代码实现:

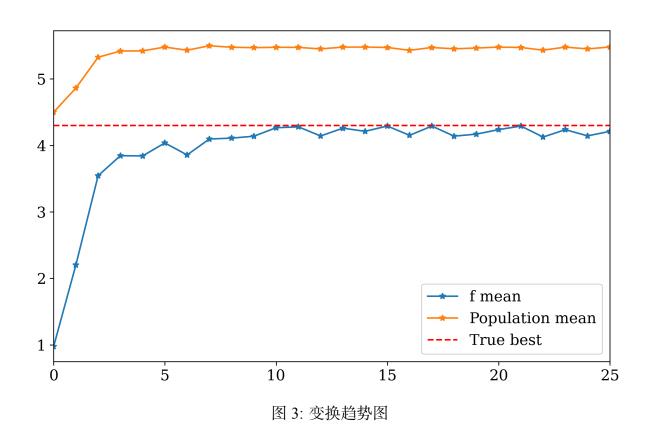
```
# -*- coding: utf-8 -*-
2
   @File
           : sga.py
3
  @Time
            : 2023/04/28 11:29:27
  @Author : wty-yy
   @Version: 1.0
   @Blog
            : https://wty-yy.space/
            : 简单遗传算法 SGA 在 [-1,2] 上最大化 f(x)=x*sin(4*pi*x)+x**2, 精确 6 位小数
   @Desc
   1 \cdot 1 \cdot 1
9
   import numpy as np
10
   import matplotlib.pyplot as plt
11
   from scipy.optimize import differential_evolution # 比较结果误差
12
   from pathlib import Path
13
   PATH_FIGURES = Path(__file__).parent # 当前代码文件夹作为图片路径
14
15
   def show_scipy_min():
16
       g = lambda x: -1 * f(x)
17
       res = differential_evolution(g, bounds=[(-1, 2)], tol=1e-6)
18
       print(f"scipy: 最优值 f({res.x[0]:.6f}) = {-res.fun:.6f}")
19
       return -res.fun
20
21
   class SGA:
22
       def __init__(self, xmin, xmax, func, delta=1e-6, M=30, pc=0.8, pm=0.005,
23
        \rightarrow N=200):
           self.xmin, self.xmax, self.func, self.delta = xmin, xmax, func, delta
24
           self.M, self.pc, self.pm, self.N = M, pc, pm, N # 超参数
25
           self.best = {'f': -np.inf, 'x': 0}
26
           self.logs = {'p_means': [], 'f_means': []}
           # 1. 计算编码长度 L
28
           self.L = np.ceil(np.log2((self.xmax-self.xmin) / self.delta +
29
            → 1)).astype(int)
30
       def decode(self, y):
31
           return self.xmin + (self.xmax - self.xmin) / ((1<<self.L) - 1) * y
32
33
       def solve(self):
34
```

```
# 2. 随机产生初始群体
35
           v = np.random.randint(0, 1<<self.L, size=self.M)</pre>
36
           for _ in range(self.N):
37
                # 3. 计算适应度值(得分)
38
                s = self.func(self.decode(y))
39
                if np.max(s) > self.best['f']:
40
                    self.best['f'] = np.max(s)
41
                    self.best['x'] = self.decode(y[np.argmax(s)])
42
                self.logs['p_means'].append(np.mean(y))
43
                self.logs['f_means'].append(np.mean(s))
44
                # 4. 每个个体的选择概率 (概率分布) 加上 1e-8 是避免除 0
45
               p = (s - s.min() + 1e-8) / np.sum(s - s.min() + 1e-8)
46
               y = y[np.random.choice(self.M, self.M, p=p)]
47
                # 5. 交叉操作
48
                idxs = np.random.choice(self.M, int(self.M * self.pc // 2 * 2))
49
                for i in range(int(self.M * self.pc // 2)):
50
                    a, b = y[idxs[i<<1]], y[idxs[i<<1|1]]
51
                    qc = np.random.randint(0, self.L) + 1 # 交换前 qc 位
52
                    c, d = a.copy(), b.copy()
53
                    a = ((a >> qc) << qc) + (d & ((1 << qc) - 1))
54
                    b = ((b >> qc) << qc) + (c & ((1 << qc) - 1))
55
                    y[idxs[i<<1]], y[idxs[i<<1|1]] = a, b
56
                # 6. 变异操作
57
               for i in range(len(y)):
                    for j in range(self.L):
                        if np.random.rand() <= self.pm:</pre>
60
                            y[i] ^= (1<<j)
61
           print(f"SGA: 最优值 f({self.best['x']:.6f}) = {self.best['f']:.6f}")
62
           return self.best['f']
63
64
   def f(x): return x * np.sin(4 * np.pi * x) + x ** 2
65
66
   if __name__ == '__main__':
67
       sga = SGA(-1, 2, func=f)
68
       sga_best = sga.solve()
69
       true_best = show_scipy_min()
70
       print(f" 误差: {np.abs(sga_best - true_best)}")
71
72
       logs = sga.logs
73
       fig, ax = plt.subplots(figsize=(8, 5))
74
       means = np.array(logs['p_means'])
75
       means = (means - means.min()) / (means.max() - means.min())
76
       ax.plot(logs['f_means'], '-*', label='f mean')
77
       ax.plot(means + 4.5, '-*', label='Population mean')
78
       ax.plot([0, 500], [4.300863, 4.300863], '--r', label='True best')
79
       ax.set_xlim(0, 25)
80
       ax.legend()
81
       fig.tight_layout()
82
       fig.savefig(PATH_FIGURES.joinpath("plot_sga.png"), dpi=300)
83
       plt.show()
```

下面是一次程序的输出结果:

SGA: 最优值 f(1.641580) = 4.300863 scipy: 最优值 f(1.641559) = 4.300863

3 误差: 5.509082079413474e-08



我进一步对不同的超参数进行比较,得到下图 4:(完整代码见我的GitHub - code_SGA) 不难发现种群大小 M 不宜太大 30 的效果就比 100 要好,可能是我取得是 f(x) 均值缘故;交叉率 p_c 值在最终状态基本一直相同,只是在开始时 $p_c=0.5$ 要更优;变异率 p_m 值有明显的区别,对于该问题,变异率为 0.005 效果更好,可能因为问题较为简单.

Mean of f(x) (default: M=30,pc=0.8,pm=0.005)

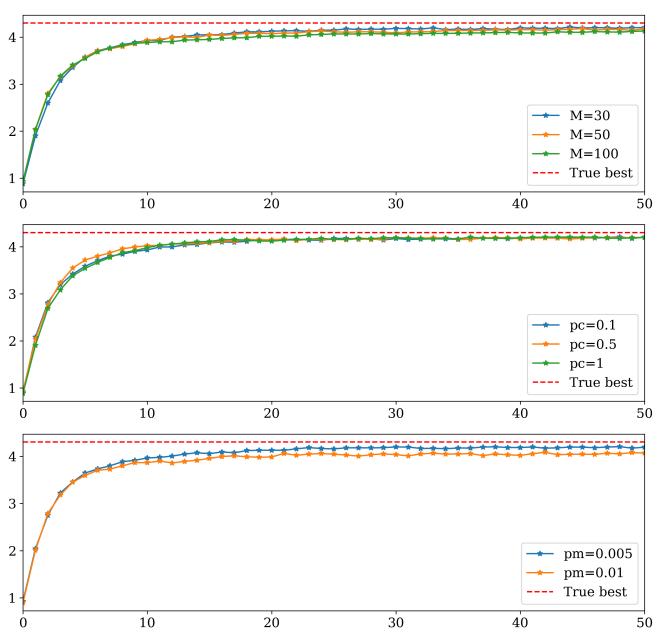


图 4: 不同超参数对比