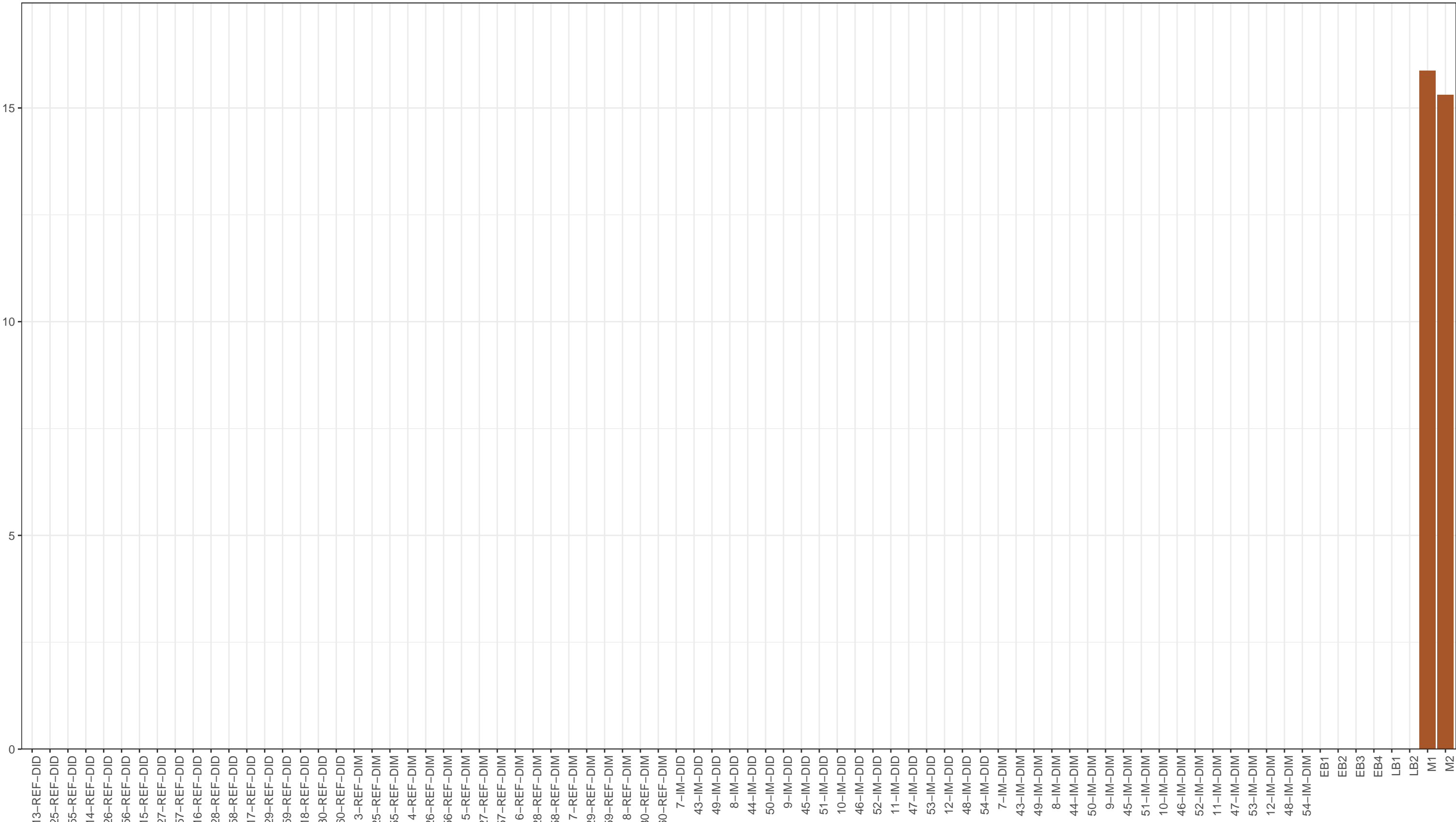


k__Bacteria; p__Proteobacteria; c__Gammaproteobacteria; o__Enterobacteriales; f__Enterobacteriaceae; g__Salmonella; NA

Relative abundance (%)



SampleType REF-DID REF-DIM IM-DID IM-DIM Extraction-blank Library-blank Mock

k__Bacteria; p__Proteobacteria; c__Gammaproteobacteria; o__Enterobacteriales; f__Enterobacteriaceae; g__Escherichia-Shigella; NA

Relative abundance (%)

10.0
7.5
5.0
2.5
0.0

13-REF-DID 25-REF-DID 55-REF-DID 14-REF-DID 26-REF-DID 56-REF-DID 15-REF-DID 27-REF-DID 57-REF-DID 16-REF-DID 28-REF-DID 58-REF-DID 17-REF-DID 29-REF-DID 59-REF-DID 18-REF-DID 30-REF-DID 60-REF-DID 13-REF-DIM 25-REF-DIM 55-REF-DIM 14-REF-DIM 26-REF-DIM 56-REF-DIM 15-REF-DIM 27-REF-DIM 57-REF-DIM 16-REF-DIM 28-REF-DIM 58-REF-DIM 17-REF-DIM 29-REF-DIM 59-REF-DIM 18-REF-DIM 30-REF-DIM 60-REF-DIM 7-IM-DID 43-IM-DID 49-IM-DID 8-IM-DID 44-IM-DID 50-IM-DID 9-IM-DID 45-IM-DID 51-IM-DID 10-IM-DID 46-IM-DID 52-IM-DID 11-IM-DID 47-IM-DID 53-IM-DID 12-IM-DID 48-IM-DID 54-IM-DID 7-IM-DIM 43-IM-DIM 49-IM-DIM 8-IM-DIM 44-IM-DIM 50-IM-DIM 9-IM-DIM 45-IM-DIM 51-IM-DIM 10-IM-DIM 46-IM-DIM 52-IM-DIM 11-IM-DIM 47-IM-DIM 53-IM-DIM 12-IM-DIM 48-IM-DIM 54-IM-DIM EB1 EB2 EB3 EB4 LB1 LB2 M1 M2

SampleType REF-DID REF-DIM IM-DID IM-DIM Extraction-blank Library-blank Mock

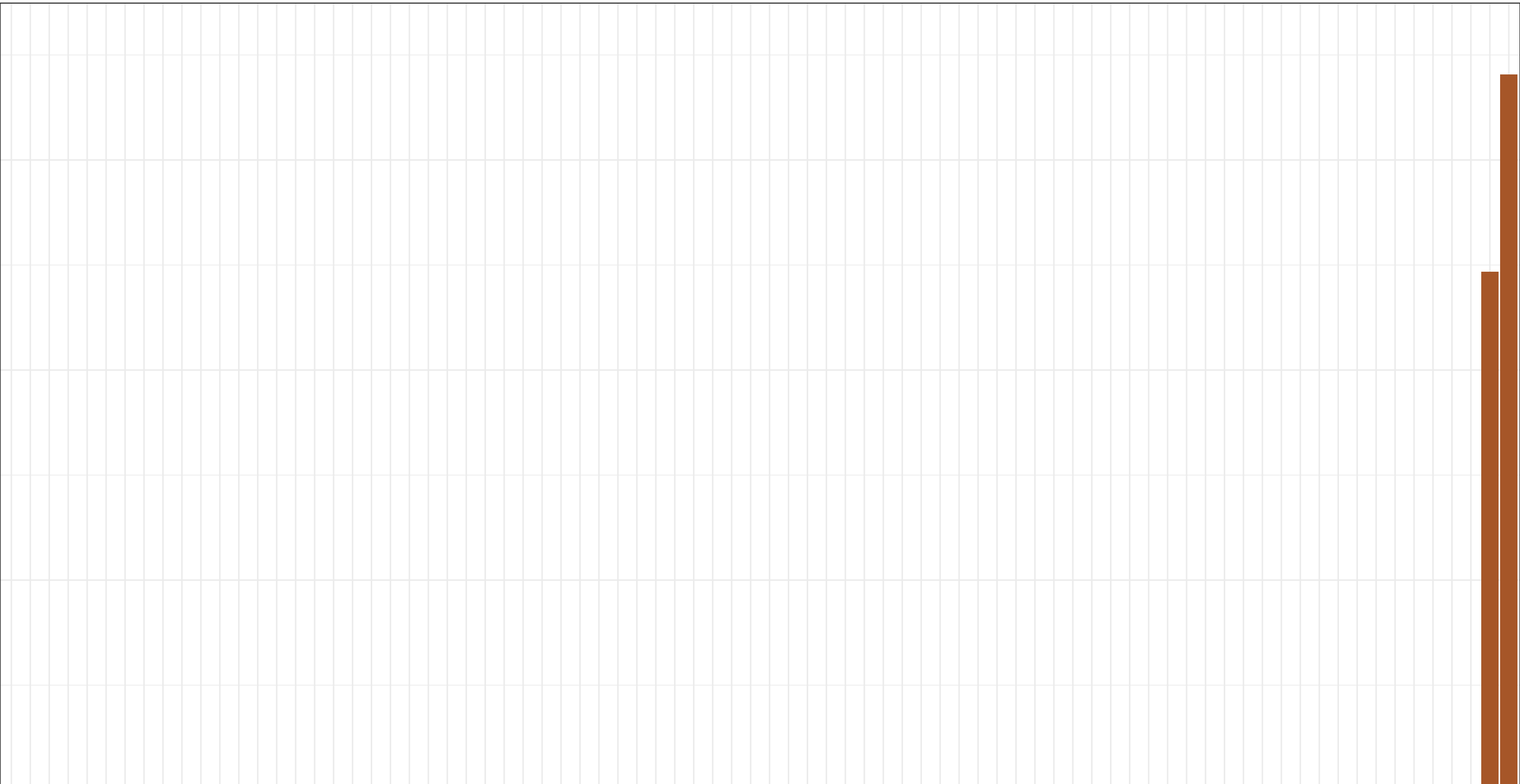


k__Bacteria; p__Firmicutes; c__Bacilli; o__Bacillales; f__Bacillaceae; g__Bacillus; NA

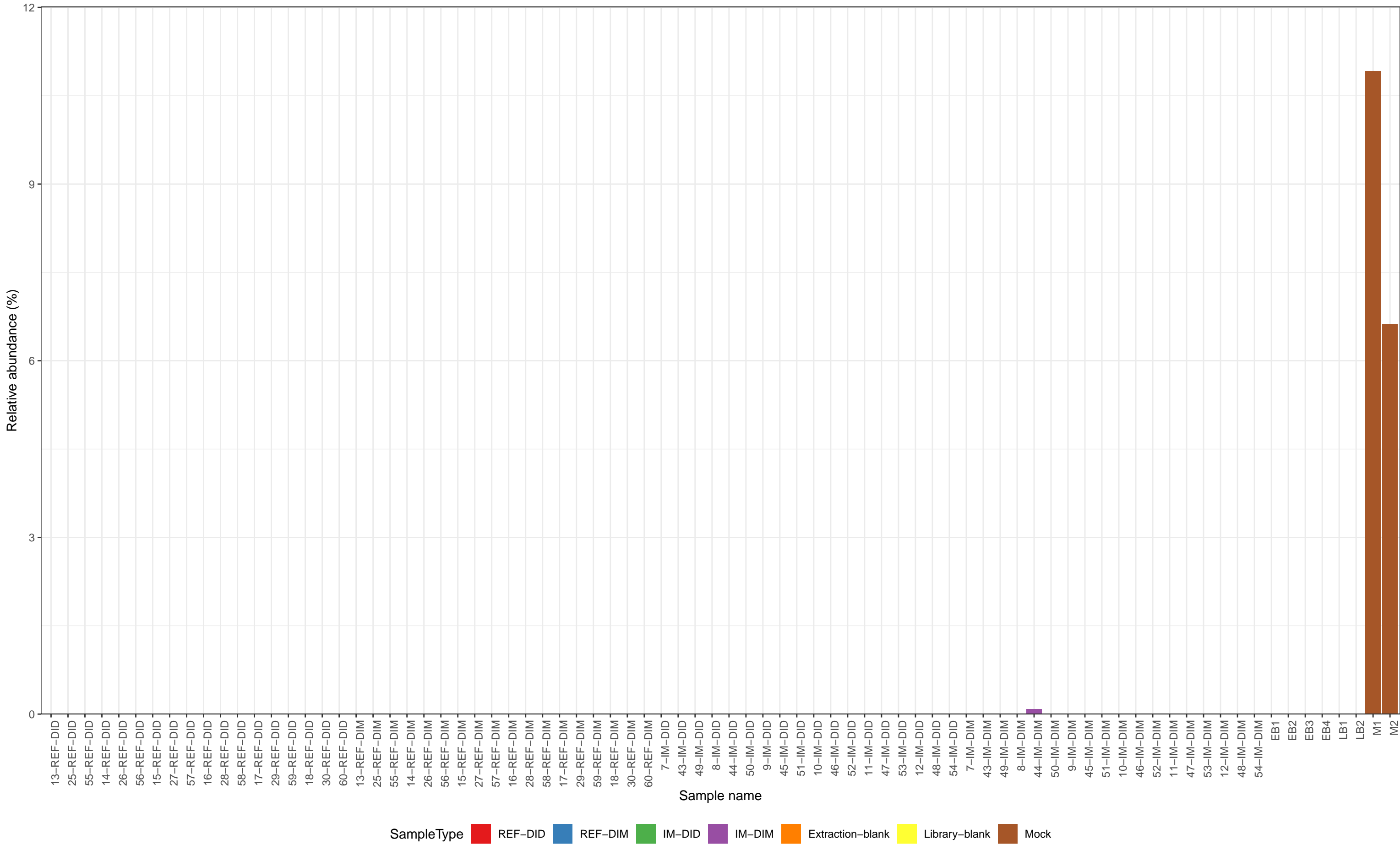
Relative abundance (%)

13-REF-DID 25-REF-DID 55-REF-DID 14-REF-DID 26-REF-DID 56-REF-DID 15-REF-DID 27-REF-DID 57-REF-DID 16-REF-DID 28-REF-DID 58-REF-DID 17-REF-DID 29-REF-DID 59-REF-DID 18-REF-DID 30-REF-DID 60-REF-DID 13-REF-DIM 25-REF-DIM 55-REF-DIM 14-REF-DIM 26-REF-DIM 56-REF-DIM 15-REF-DIM 27-REF-DIM 57-REF-DIM 16-REF-DIM 28-REF-DIM 58-REF-DIM 17-REF-DIM 29-REF-DIM 59-REF-DIM 18-REF-DIM 30-REF-DIM 60-REF-DIM 7-IM-DID 43-IM-DID 49-IM-DID 8-IM-DID 44-IM-DID 50-IM-DID 9-IM-DID 45-IM-DID 51-IM-DID 10-IM-DID 46-IM-DID 52-IM-DID 11-IM-DID 47-IM-DID 53-IM-DID 12-IM-DID 48-IM-DID 54-IM-DID 7-IM-DIM 43-IM-DIM 49-IM-DIM 8-IM-DIM 44-IM-DIM 50-IM-DIM 9-IM-DIM 45-IM-DIM 51-IM-DIM 10-IM-DIM 46-IM-DIM 52-IM-DIM 11-IM-DIM 47-IM-DIM 53-IM-DIM 12-IM-DIM 48-IM-DIM 54-IM-DIM EB1 EB2 EB3 EB4 LB1 LB2 M1 M2

SampleType REF-DID REF-DIM IM-DID IM-DIM Extraction-blank Library-blank Mock



k__Bacteria; p__Proteobacteria; c__Gammaproteobacteria; o__Pseudomonadales; f__Pseudomonadaceae; g__Pseudomonas; NA

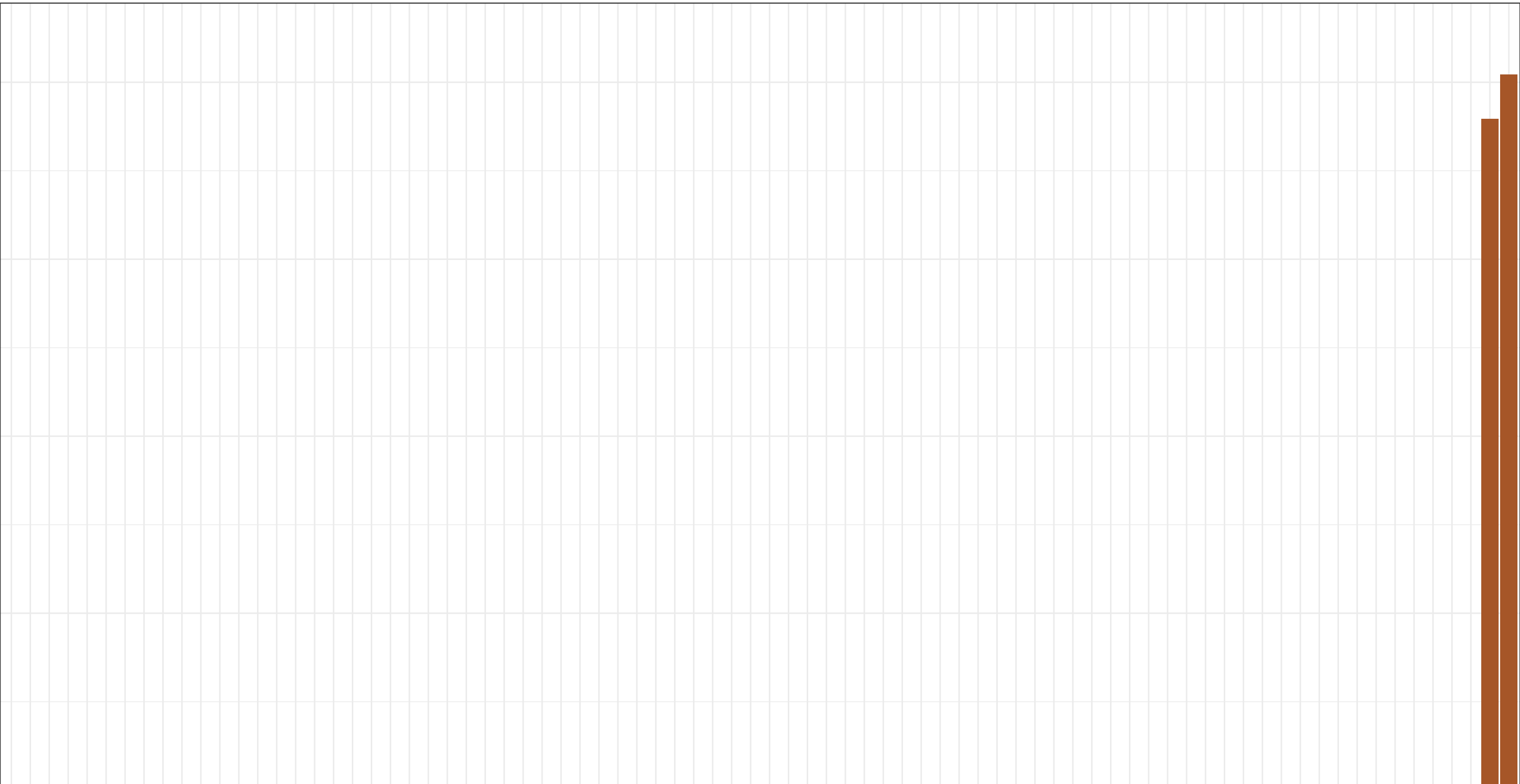


k__Bacteria; p__Firmicutes; c__Bacilli; o__Lactobacillales; f__Lactobacillaceae; g__Lactobacillus; s__Lactobacillus fermentum

Relative abundance (%)

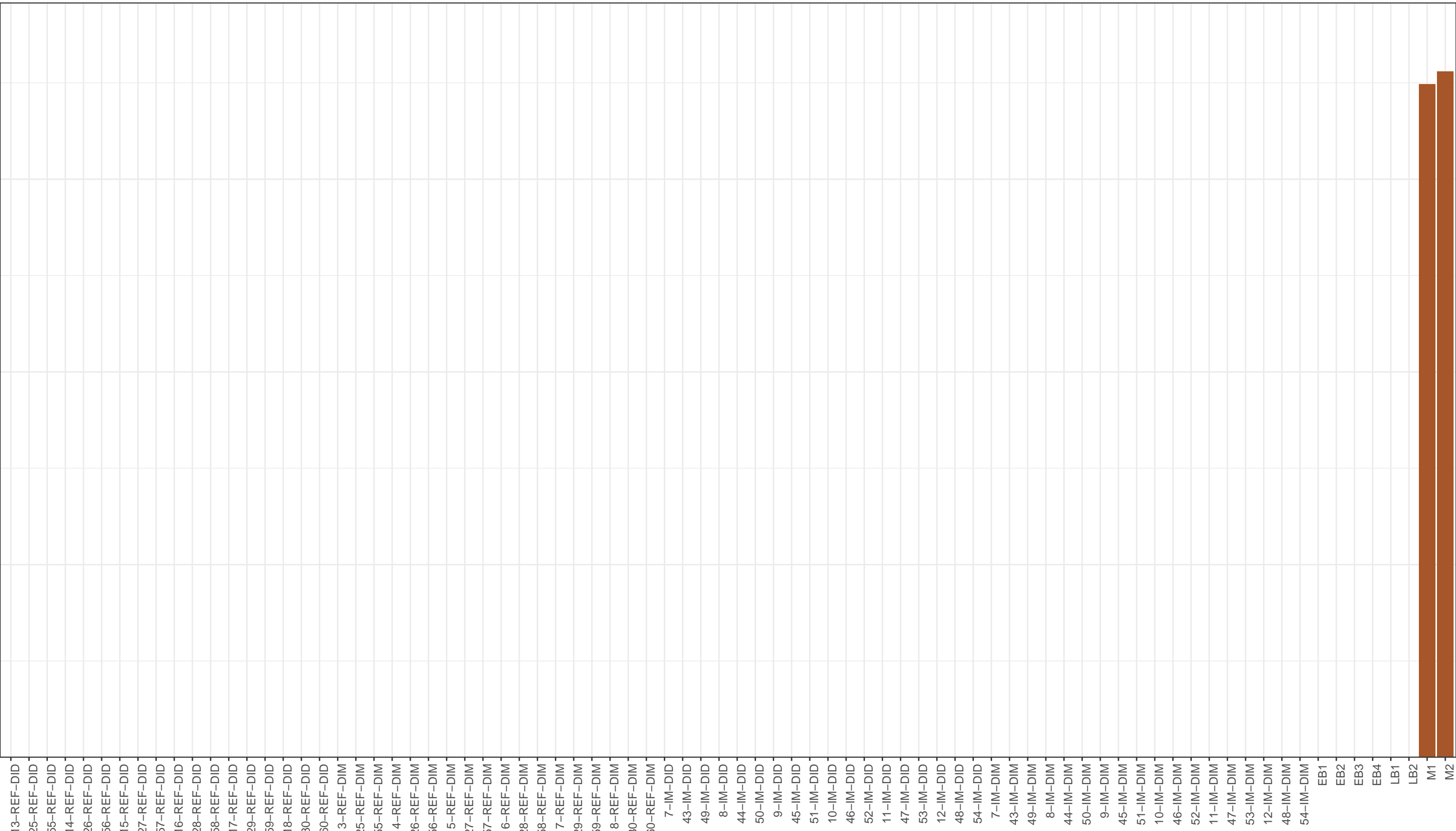
13-REF-DID 25-REF-DID 55-REF-DID 14-REF-DID 26-REF-DID 56-REF-DID 15-REF-DID 27-REF-DID 57-REF-DID 16-REF-DID 28-REF-DID 58-REF-DID 17-REF-DID 29-REF-DID 59-REF-DID 18-REF-DID 30-REF-DID 60-REF-DID 13-REF-DIM 25-REF-DIM 55-REF-DIM 14-REF-DIM 26-REF-DIM 56-REF-DIM 15-REF-DIM 27-REF-DIM 57-REF-DIM 16-REF-DIM 28-REF-DIM 58-REF-DIM 17-REF-DIM 29-REF-DIM 59-REF-DIM 18-REF-DIM 30-REF-DIM 60-REF-DIM 7-IM-DID 43-IM-DID 49-IM-DID 8-IM-DID 44-IM-DID 50-IM-DID 9-IM-DID 45-IM-DID 51-IM-DID 10-IM-DID 46-IM-DID 52-IM-DID 11-IM-DID 47-IM-DID 53-IM-DID 12-IM-DID 48-IM-DID 54-IM-DID 7-IM-DIM 43-IM-DIM 49-IM-DIM 8-IM-DIM 44-IM-DIM 50-IM-DIM 9-IM-DIM 45-IM-DIM 51-IM-DIM 10-IM-DIM 46-IM-DIM 52-IM-DIM 11-IM-DIM 47-IM-DIM 53-IM-DIM 12-IM-DIM 48-IM-DIM 54-IM-DIM EB1 EB2 EB3 EB4 LB1 LB2 M1 M2

SampleType REF-DID REF-DIM IM-DID IM-DIM Extraction-blank Library-blank Mock



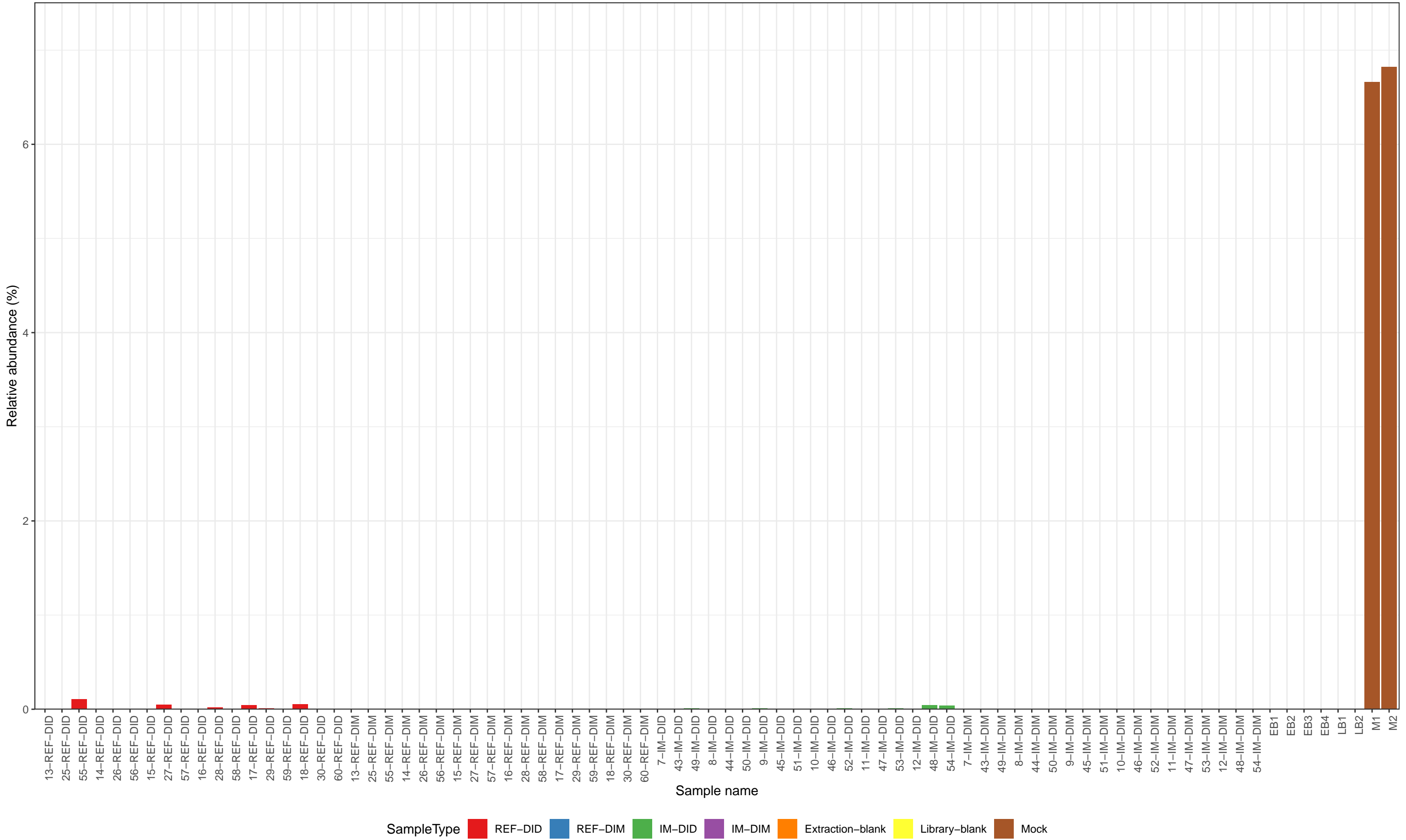
k__Bacteria; p__Proteobacteria; c__Gammaproteobacteria; o__Enterobacteriales; f__Enterobacteriaceae; g__Escherichia–Shigella; NA

Relative abundance (%)

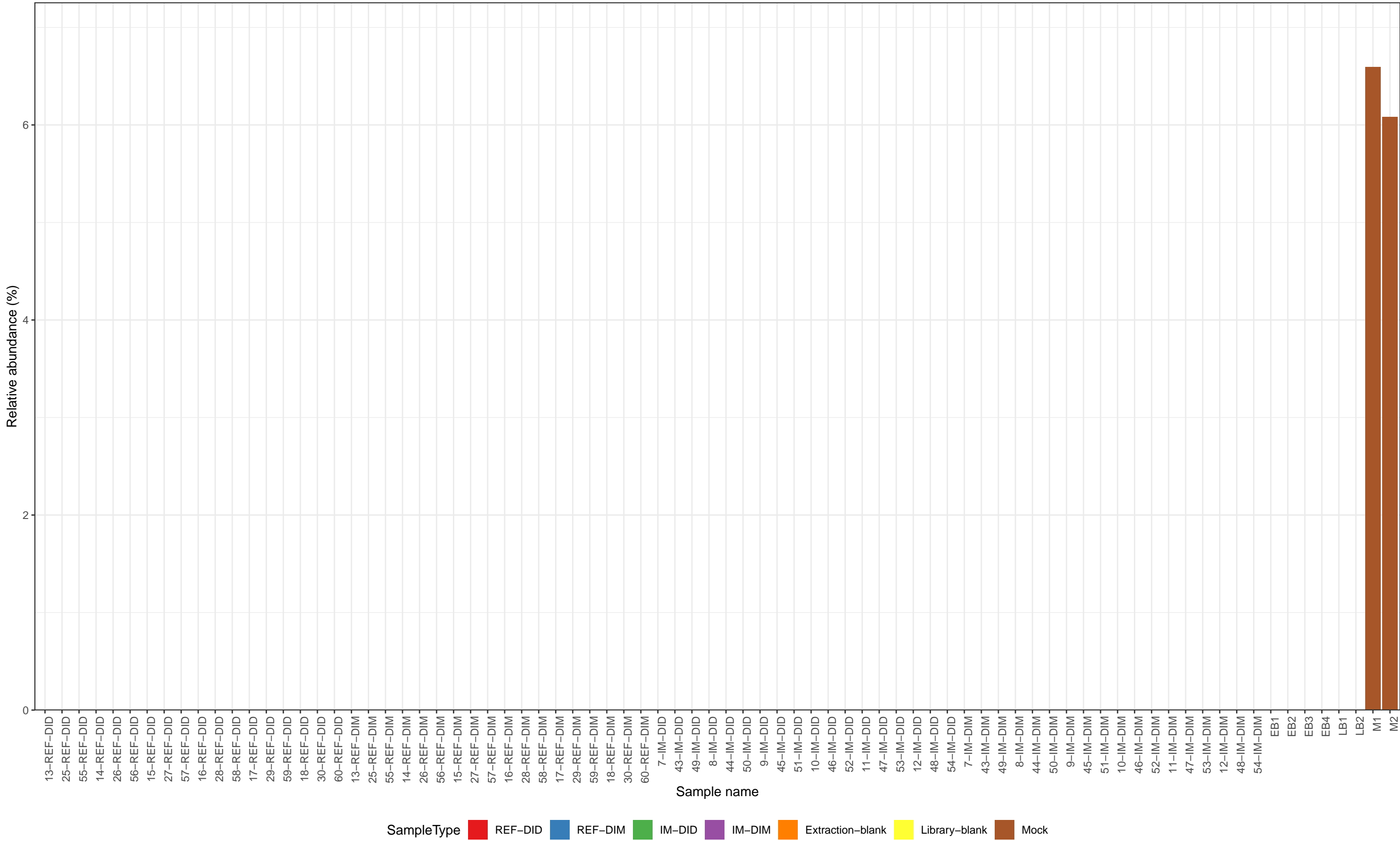


SampleType REF-DID REF-DIM IM-DID IM-DIM Extraction-blank Library-blank Mock

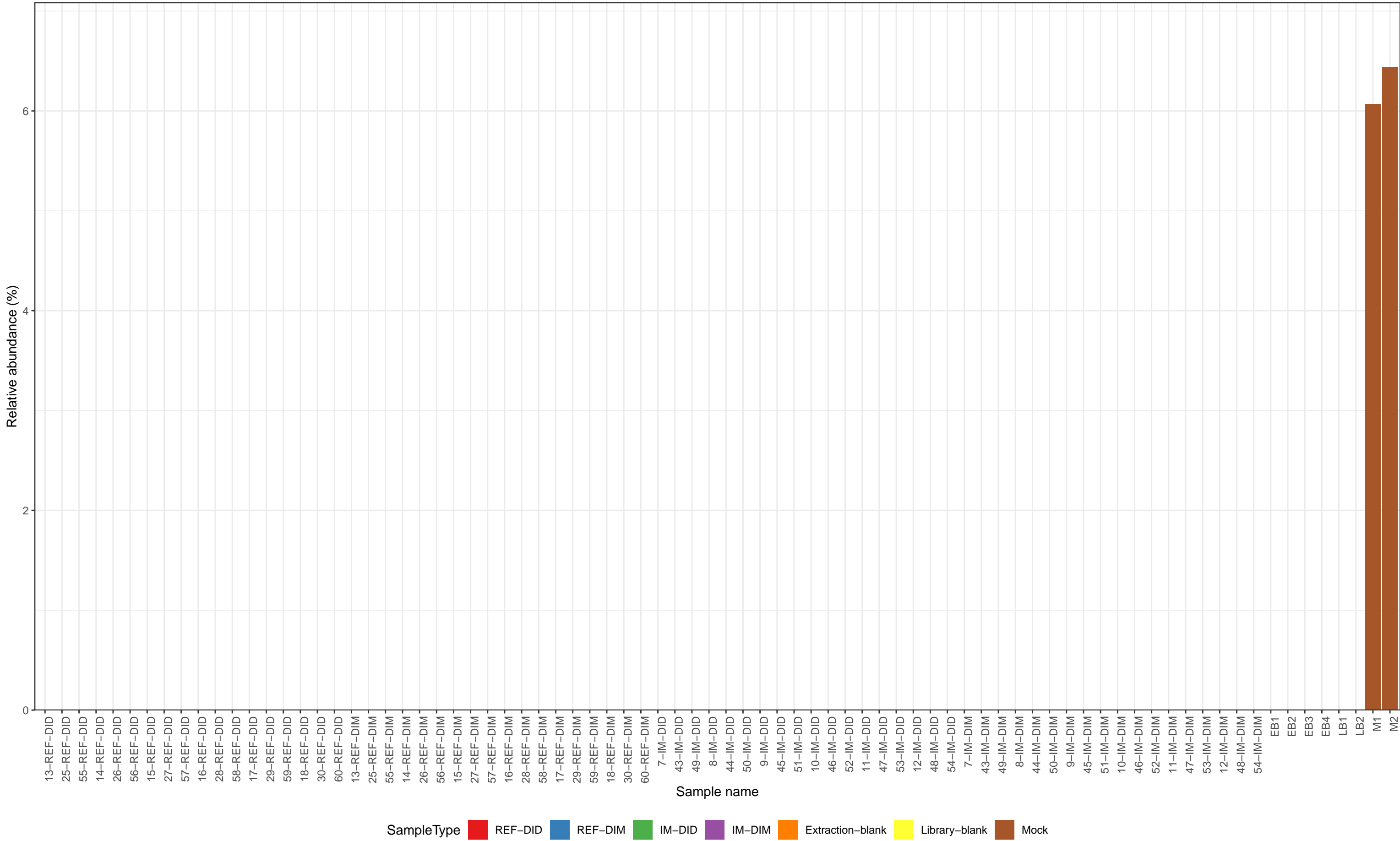
k__Bacteria; p__Firmicutes; c__Bacilli; o__Lactobacillales; f__Lactobacillaceae; g__Lactobacillus; s__Lactobacillus fermentum



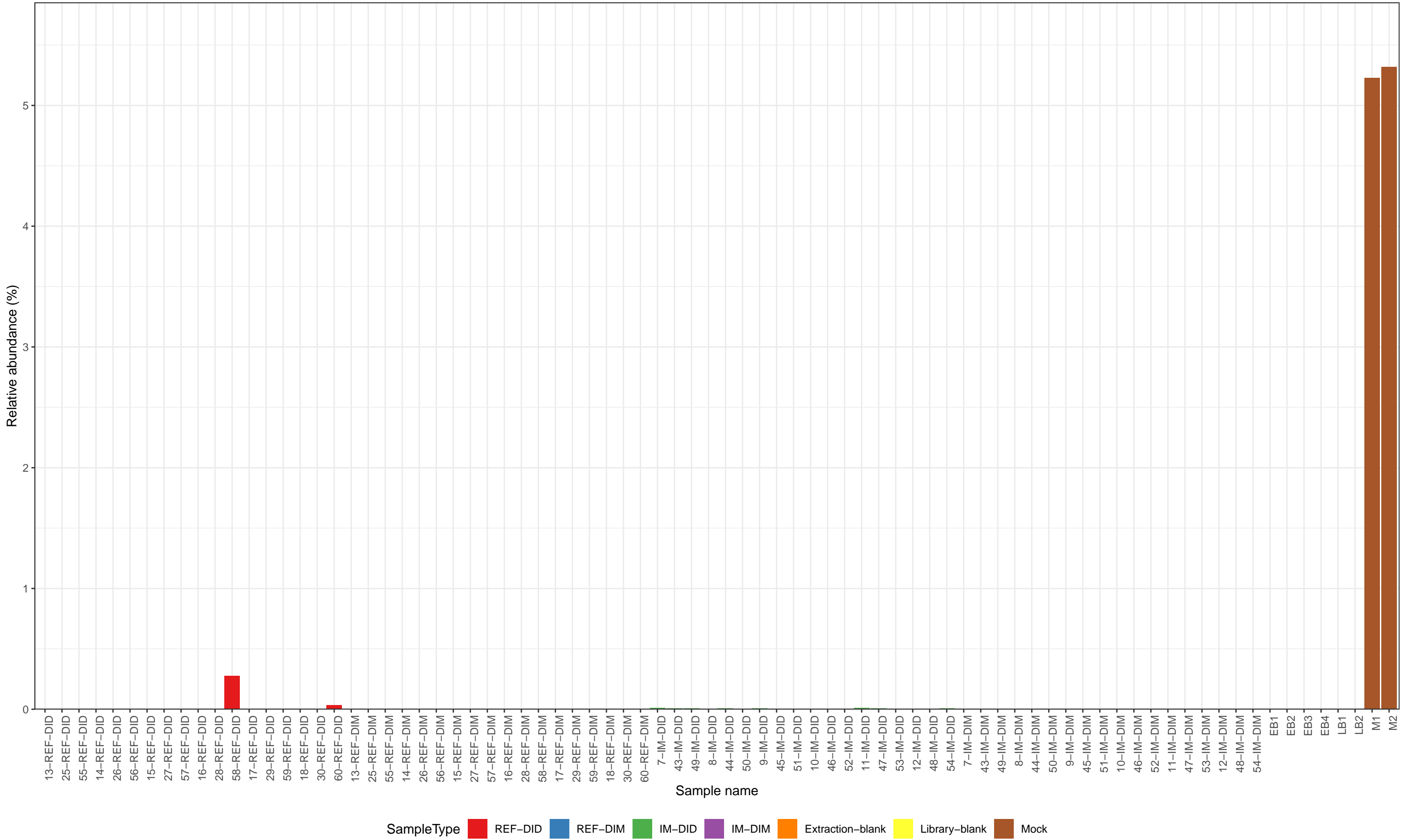
k__Bacteria; p__Firmicutes; c__Bacilli; o__Lactobacillales; f__Lactobacillaceae; g__Lactobacillus; s__Lactobacillus fermentum



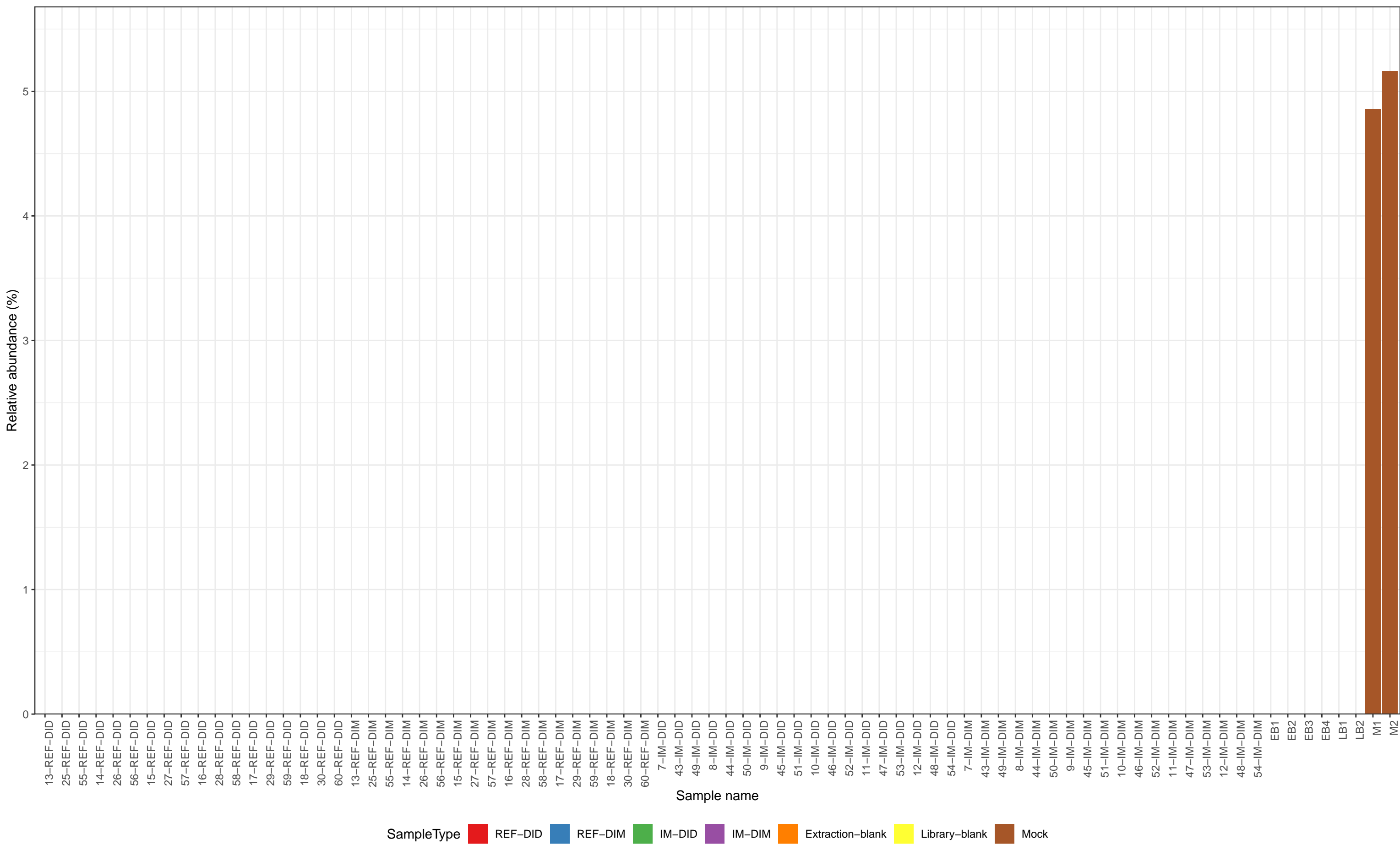
k__Bacteria; p__Firmicutes; c__Bacilli; o__Bacillales; f__Staphylococcaceae; g__Staphylococcus; s__Staphylococcus aureus



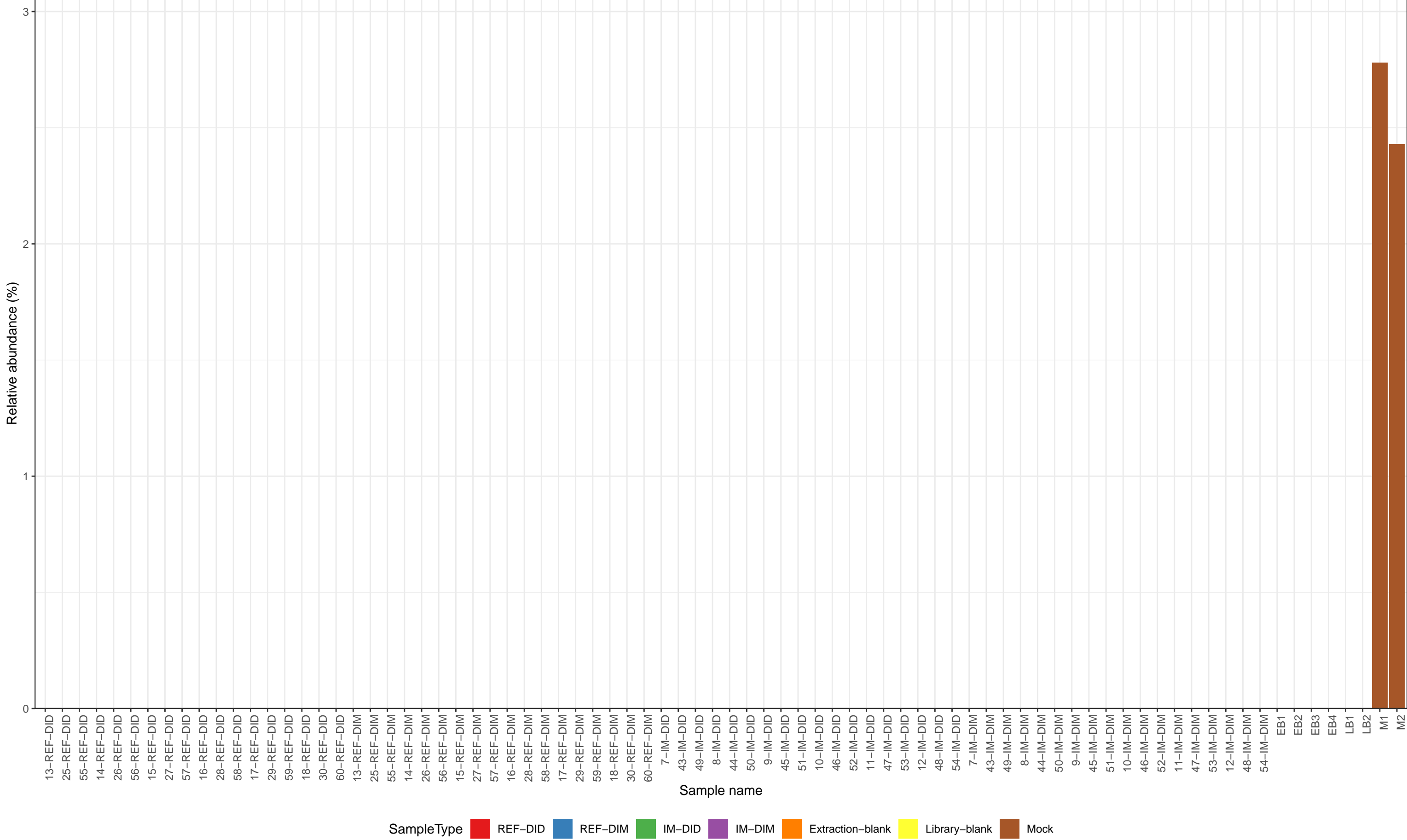
k__Bacteria; p__Firmicutes; c__Bacilli; o__Lactobacillales; f__Lactobacillaceae; g__Lactobacillus; s__Lactobacillus fermentum



k__Bacteria; p__Firmicutes; c__Bacilli; o__Lactobacillales; f__Lactobacillaceae; g__Lactobacillus; s__Lactobacillus fermentum



k__Bacteria; p__Proteobacteria; c__Gammaproteobacteria; o__Enterobacteriales; f__Enterobacteriaceae; g__Salmonella; NA



k__Bacteria; p__Firmicutes; c__Bacilli; o__Bacillales; f__Staphylococcaceae; g__Staphylococcus; s__Staphylococcus aureus

Relative abundance (%)

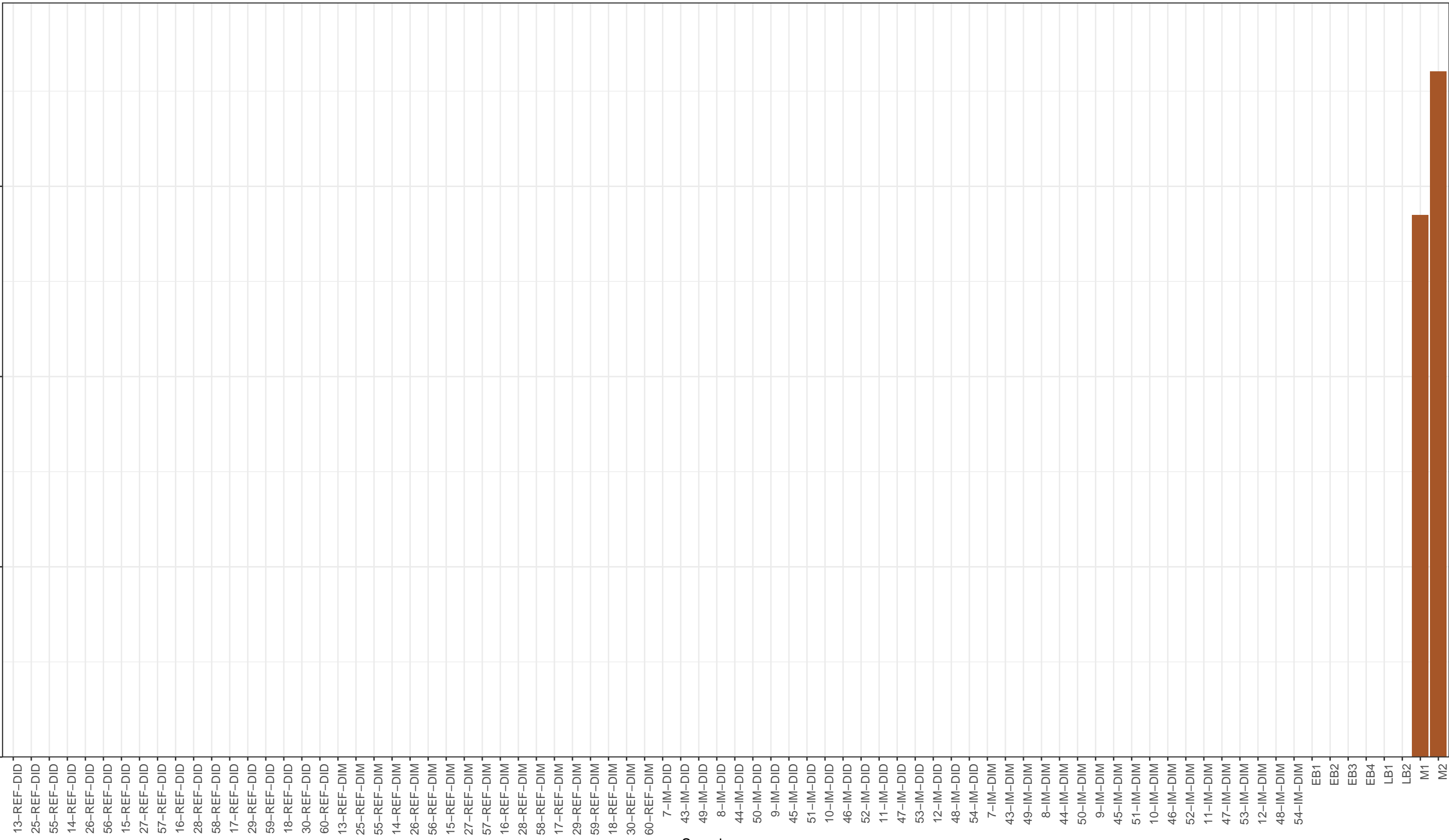
13-REF-DID
25-REF-DID
55-REF-DID
14-REF-DID
26-REF-DID
56-REF-DID
15-REF-DID
27-REF-DID
57-REF-DID
16-REF-DID
28-REF-DID
58-REF-DID
17-REF-DID
29-REF-DID
59-REF-DID
18-REF-DID
30-REF-DID
60-REF-DID
13-REF-DIM
25-REF-DIM
55-REF-DIM
14-REF-DIM
26-REF-DIM
56-REF-DIM
15-REF-DIM
27-REF-DIM
57-REF-DIM
16-REF-DIM
28-REF-DIM
58-REF-DIM
17-REF-DIM
29-REF-DIM
59-REF-DIM
18-REF-DIM
30-REF-DIM
60-REF-DIM
7-IM-DID
43-IM-DID
49-IM-DID
8-IM-DID
44-IM-DID
50-IM-DID
9-IM-DID
45-IM-DID
51-IM-DID
10-IM-DID
46-IM-DID
52-IM-DID
11-IM-DID
47-IM-DID
53-IM-DID
12-IM-DID
48-IM-DID
54-IM-DID
7-IM-DIM
43-IM-DIM
49-IM-DIM
8-IM-DIM
44-IM-DIM
50-IM-DIM
9-IM-DIM
45-IM-DIM
51-IM-DIM
10-IM-DIM
46-IM-DIM
52-IM-DIM
11-IM-DIM
47-IM-DIM
53-IM-DIM
12-IM-DIM
48-IM-DIM
54-IM-DIM
EB1
EB2
EB3
EB4
LB1
LB2
M1
M2

SampleType REF-DID REF-DIM IM-DID IM-DIM Extraction-blank Library-blank Mock

1.5
1.0
0.5
0.0

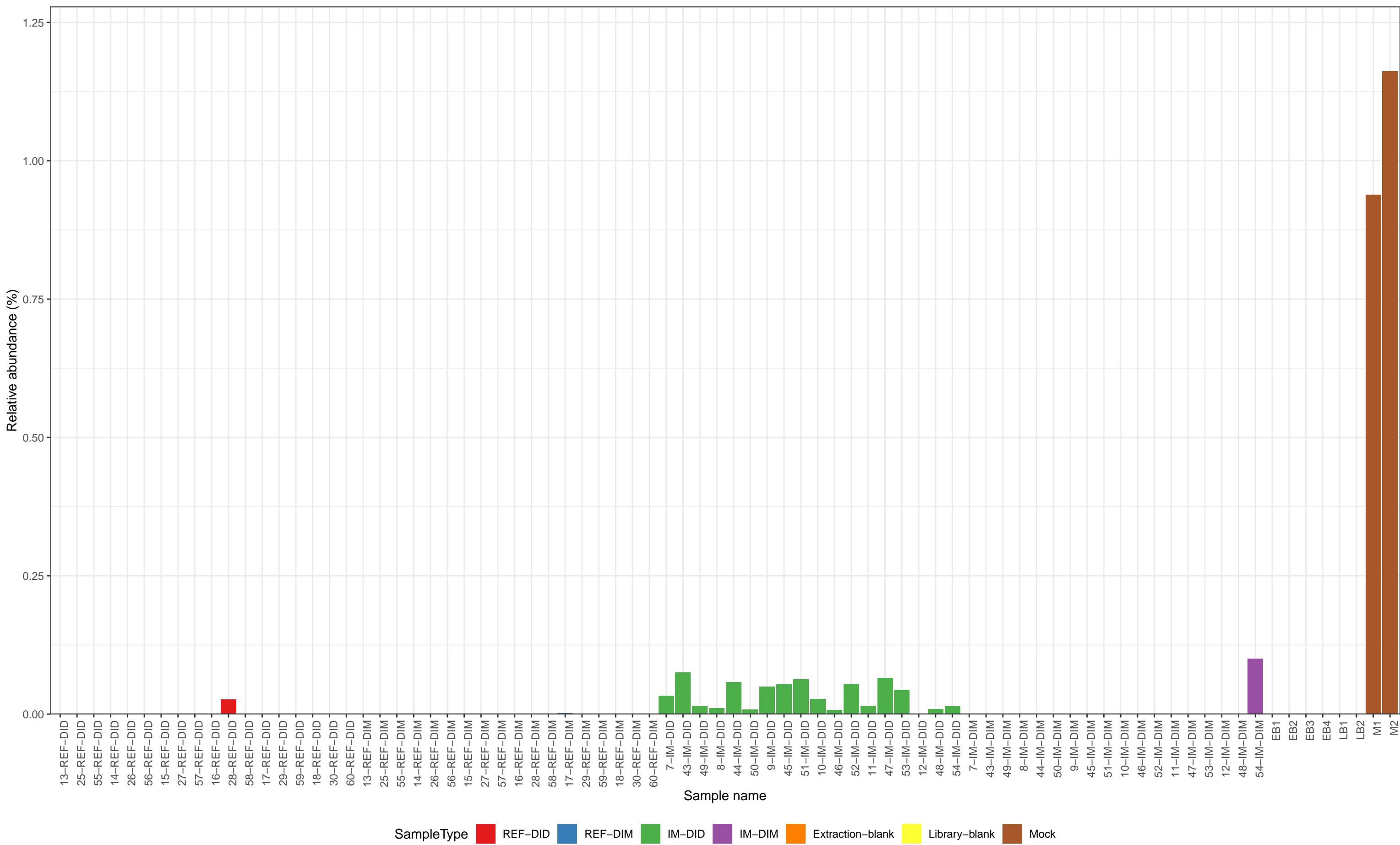
k__Bacteria; p__Firmicutes; c__Bacilli; o__Bacillales; f__Staphylococcaceae; g__Staphylococcus; s__Staphylococcus aureus

Relative abundance (%)



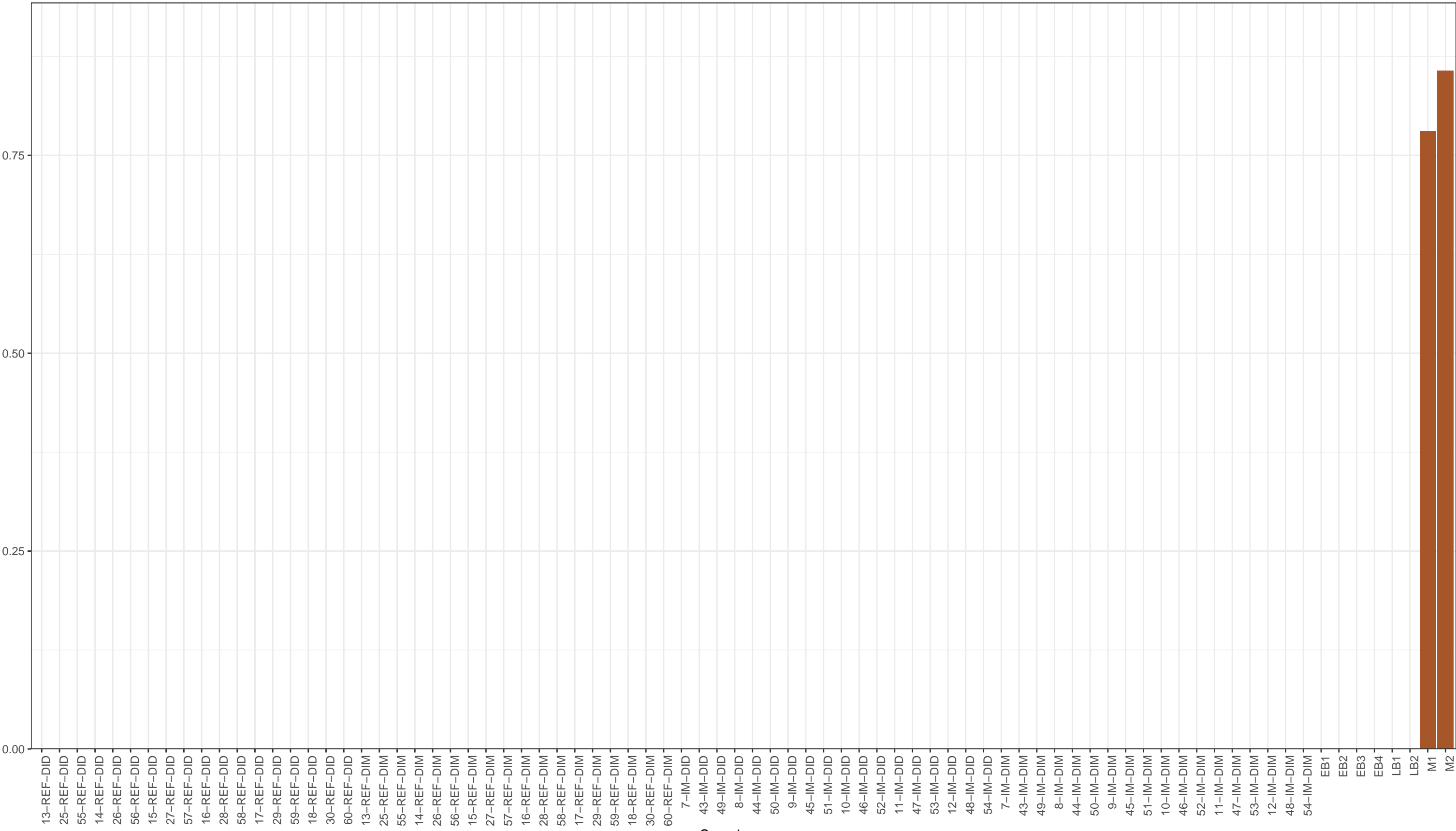
SampleType REF-DID REF-DIM IM-DID IM-DIM Extraction-blank Library-blank Mock

k__Bacteria; p__Firmicutes; c__Bacilli; o__Lactobacillales; f__Enterococcaceae; g__Enterococcus; s__Enterococcus faecalis



k__Bacteria; p__Firmicutes; c__Bacilli; o__Bacillales; f__Listeriaceae; g__Listeria; s__Listeria monocytogenes

Relative abundance (%)



SampleType REF-DID REF-DIM IM-DID IM-DIM Extraction-blank Library-blank Mock

k__Bacteria; p__Firmicutes; c__Bacilli; o__Lactobacillales; f__Enterococcaceae; g__Enterococcus; s__Enterococcus faecalis

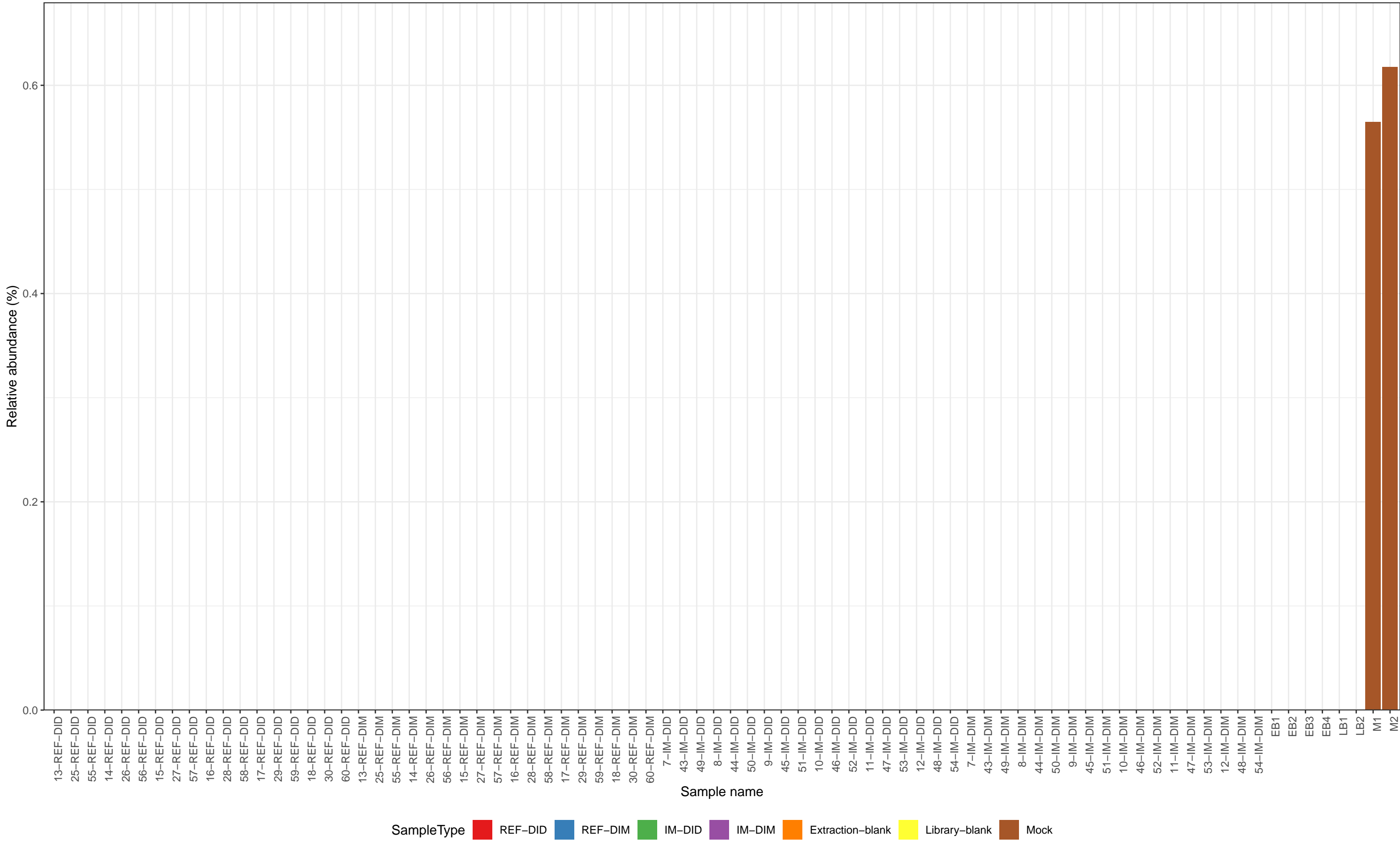
Relative abundance (%)

13-REF-DID
25-REF-DID
55-REF-DID
14-REF-DID
26-REF-DID
56-REF-DID
15-REF-DID
27-REF-DID
57-REF-DID
16-REF-DID
28-REF-DID
58-REF-DID
17-REF-DID
29-REF-DID
59-REF-DID
18-REF-DID
30-REF-DID
60-REF-DID
13-REF-DIM
25-REF-DIM
55-REF-DIM
14-REF-DIM
26-REF-DIM
56-REF-DIM
15-REF-DIM
27-REF-DIM
57-REF-DIM
16-REF-DIM
28-REF-DIM
58-REF-DIM
17-REF-DIM
29-REF-DIM
59-REF-DIM
18-REF-DIM
30-REF-DIM
60-REF-DIM
7-IM-DID
43-IM-DID
49-IM-DID
8-IM-DID
44-IM-DID
50-IM-DID
9-IM-DID
45-IM-DID
51-IM-DID
10-IM-DID
46-IM-DID
52-IM-DID
11-IM-DID
47-IM-DID
53-IM-DID
12-IM-DID
48-IM-DID
54-IM-DID
7-IM-DIM
43-IM-DIM
49-IM-DIM
8-IM-DIM
44-IM-DIM
50-IM-DIM
9-IM-DIM
45-IM-DIM
51-IM-DIM
10-IM-DIM
46-IM-DIM
52-IM-DIM
11-IM-DIM
47-IM-DIM
53-IM-DIM
12-IM-DIM
48-IM-DIM
54-IM-DIM
EB1
EB2
EB3
EB4
LB1
LB2
M1
M2

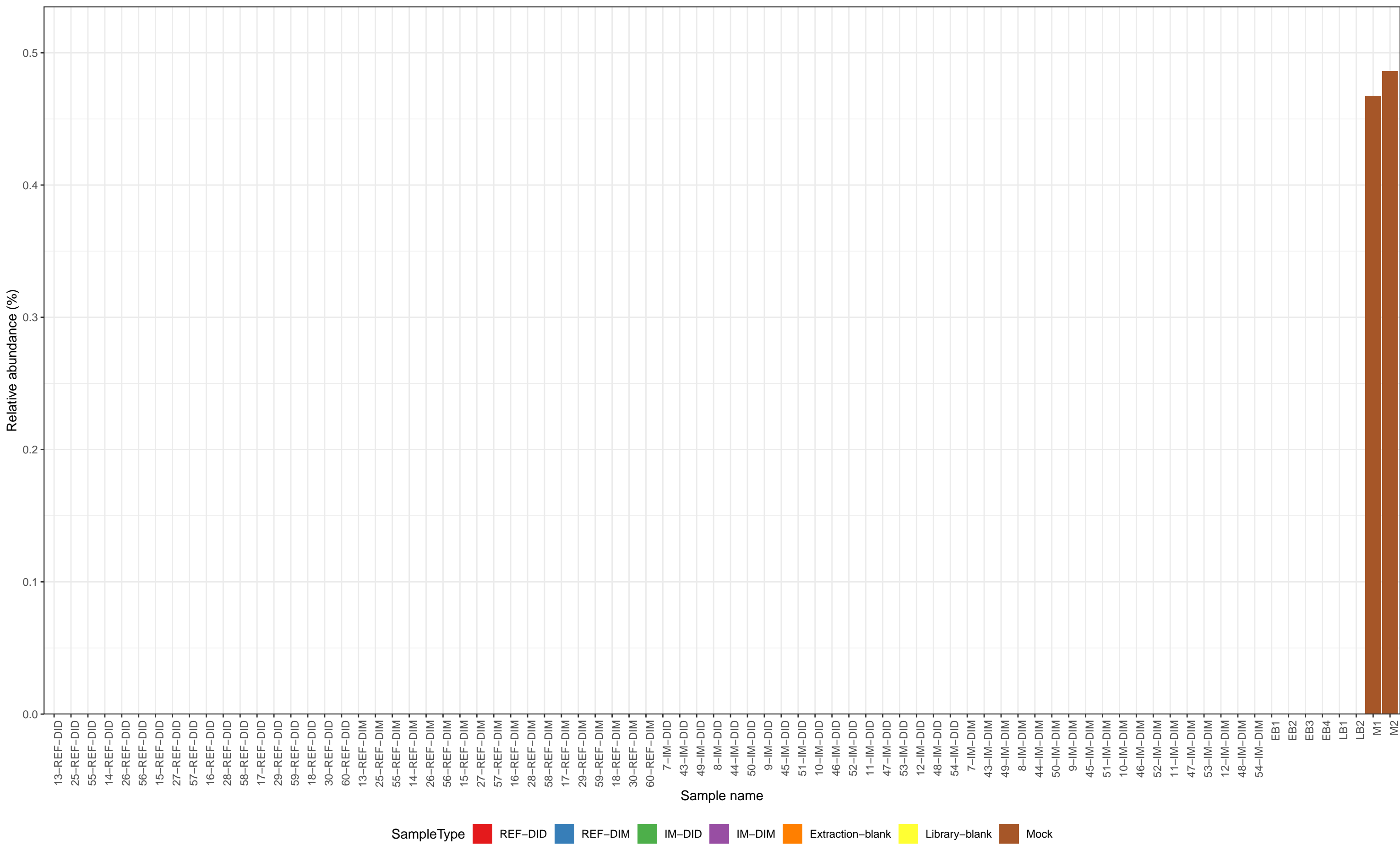
SampleType REF-DID REF-DIM IM-DID IM-DIM Extraction-blank Library-blank Mock

M2

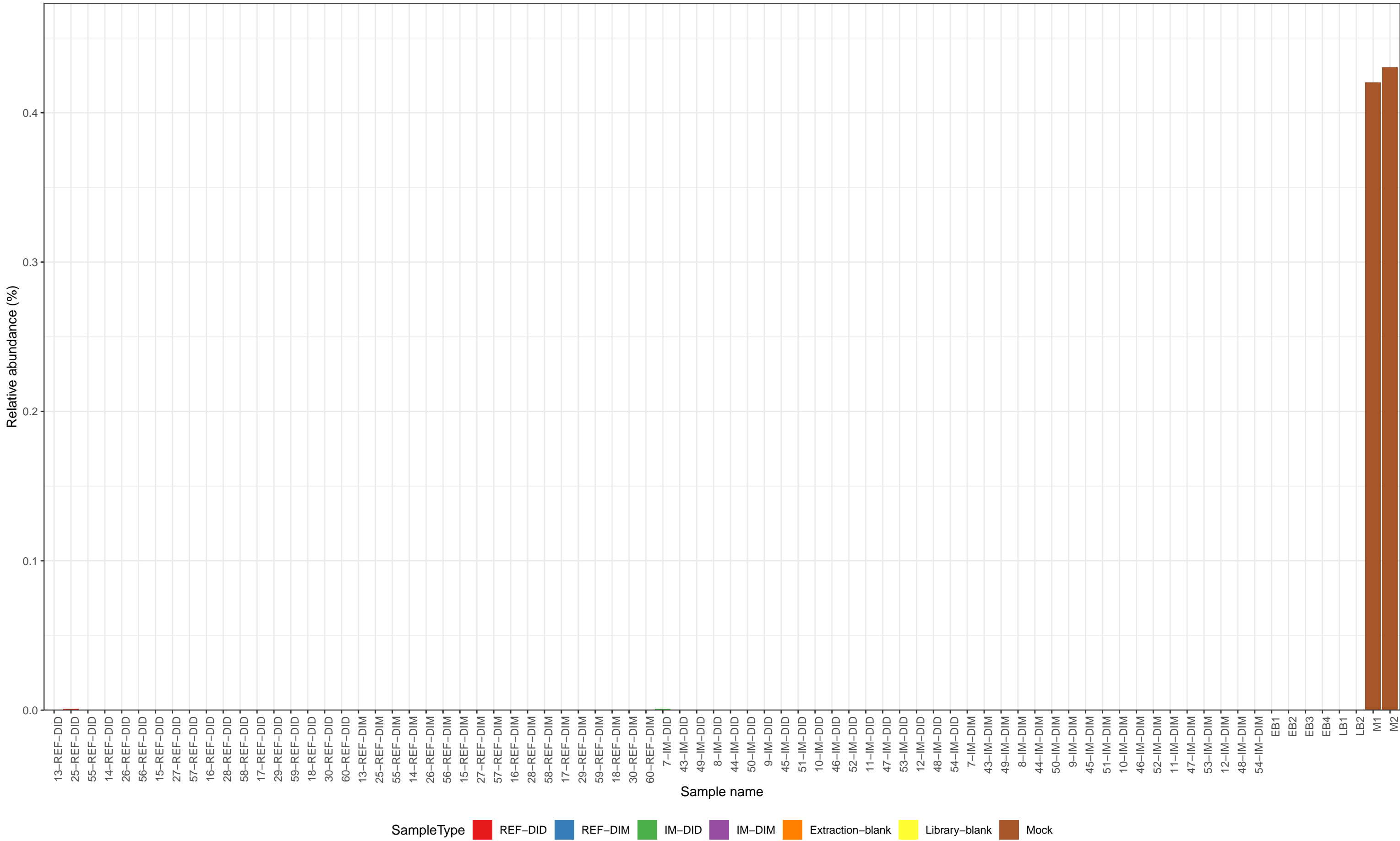
k__Bacteria; p__Firmicutes; c__Bacilli; o__Bacillales; f__Listeriaceae; g__Listeria; s__Listeria monocytogenes



k__Bacteria; p__Firmicutes; c__Bacilli; o__Lactobacillales; f__Enterococcaceae; g__Enterococcus; s__Enterococcus faecalis

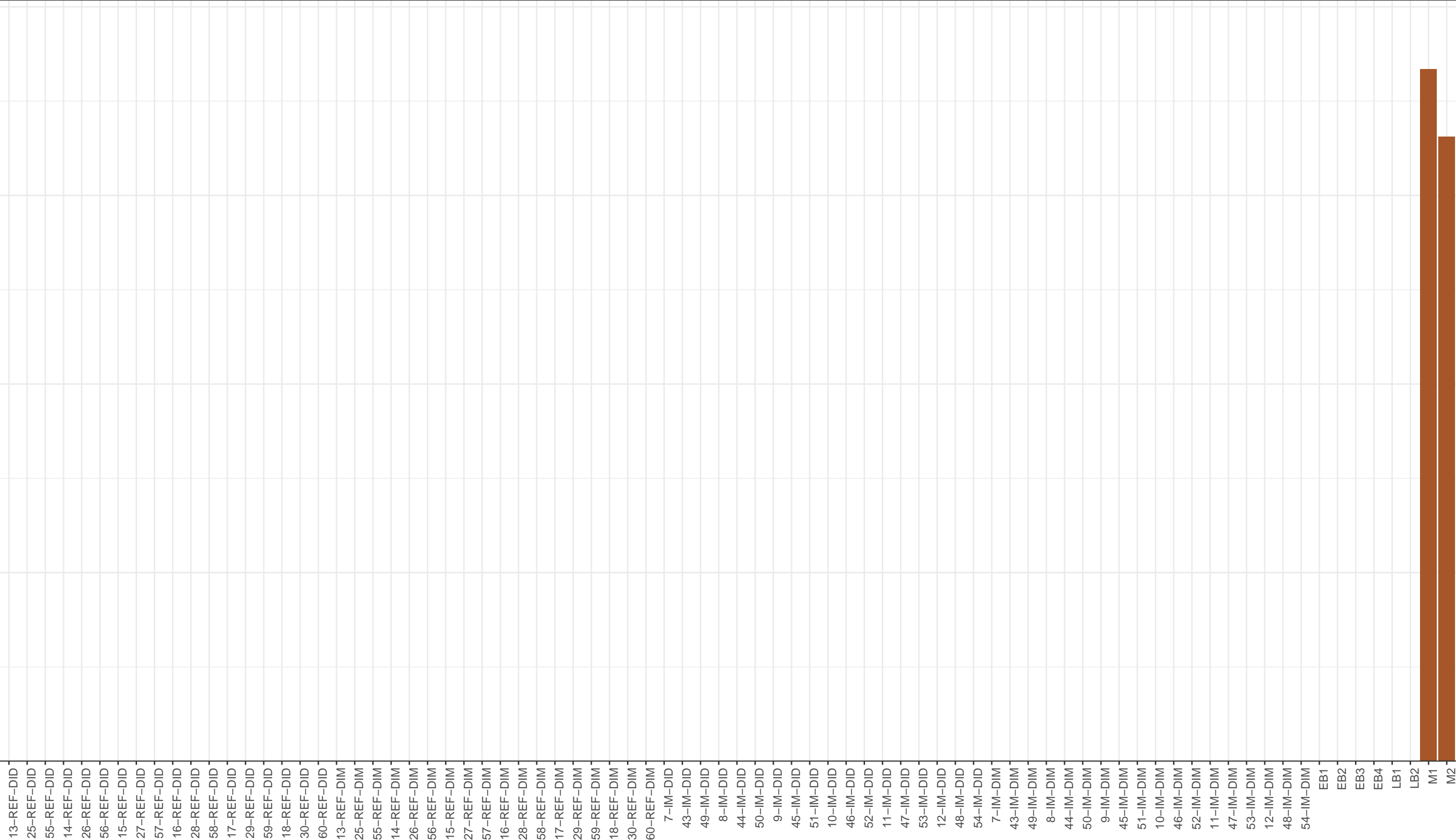


k__Bacteria; p__Firmicutes; c__Bacilli; o__Lactobacillales; f__Lactobacillaceae; g__Lactobacillus; s__Lactobacillus fermentum



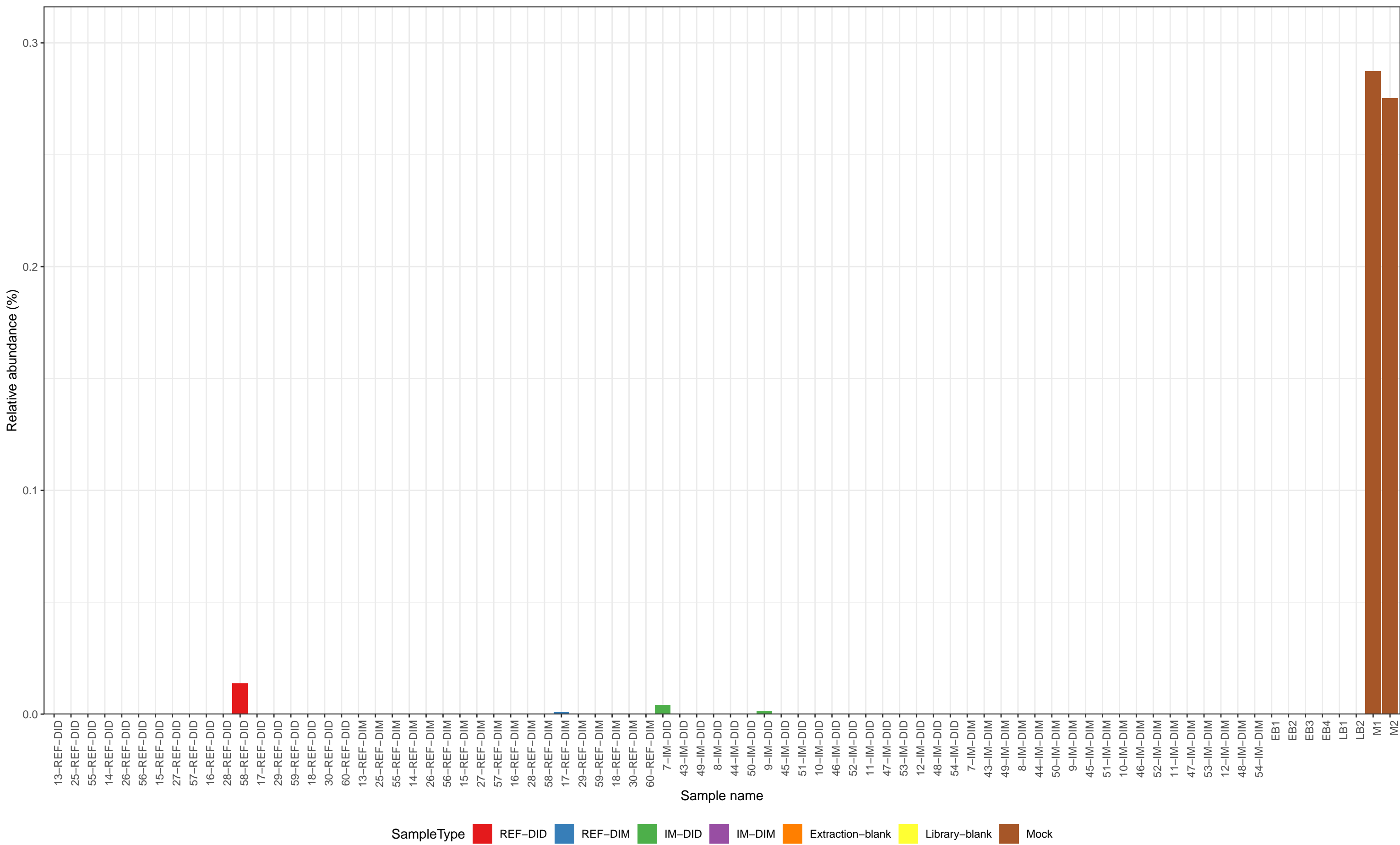
k__Bacteria; p__Firmicutes; c__Bacilli; o__Lactobacillales; f__Lactobacillaceae; g__Lactobacillus; s__Lactobacillus fermentum

Relative abundance (%)



SampleType REF-DID REF-DIM IM-DID IM-DIM Extraction-blank Library-blank Mock

k__Bacteria; p__Firmicutes; c__Bacilli; o__Lactobacillales; f__Lactobacillaceae; g__Lactobacillus; s__Lactobacillus fermentum



k__Bacteria; p__Firmicutes; c__Bacilli; o__Bacillales; f__Listeriaceae; g__Listeria; s__Listeria monocytogenes

Relative abundance (%)

13-REF-DID
25-REF-DID
55-REF-DID
14-REF-DID
26-REF-DID
56-REF-DID
15-REF-DID
27-REF-DID
57-REF-DID
16-REF-DID
28-REF-DID
58-REF-DID
17-REF-DID
29-REF-DID
59-REF-DID
18-REF-DID
30-REF-DID
60-REF-DID
13-REF-DIM
25-REF-DIM
55-REF-DIM
14-REF-DIM
26-REF-DIM
56-REF-DIM
15-REF-DIM
27-REF-DIM
57-REF-DIM
16-REF-DIM
28-REF-DIM
58-REF-DIM
17-REF-DIM
29-REF-DIM
59-REF-DIM
18-REF-DIM
30-REF-DIM
60-REF-DIM
7-IM-DID
43-IM-DID
49-IM-DID
8-IM-DID
44-IM-DID
50-IM-DID
9-IM-DID
45-IM-DID
51-IM-DID
10-IM-DID
46-IM-DID
52-IM-DID
11-IM-DID
47-IM-DID
53-IM-DID
12-IM-DID
48-IM-DID
54-IM-DID
7-IM-DIM
43-IM-DIM
49-IM-DIM
8-IM-DIM
44-IM-DIM
50-IM-DIM
9-IM-DIM
45-IM-DIM
51-IM-DIM
10-IM-DIM
46-IM-DIM
52-IM-DIM
11-IM-DIM
47-IM-DIM
53-IM-DIM
12-IM-DIM
48-IM-DIM
54-IM-DIM
EB1
EB2
EB3
EB4
LB1
LB2
M1
M2

SampleType REF-DID REF-DIM IM-DID IM-DIM Extraction-blank Library-blank Mock

M2

k__Bacteria; p__Firmicutes; c__Bacilli; o__Lactobacillales; f__Lactobacillaceae; g__Lactobacillus; s__Lactobacillus fermentum

Relative abundance (%)

0.2

0.1

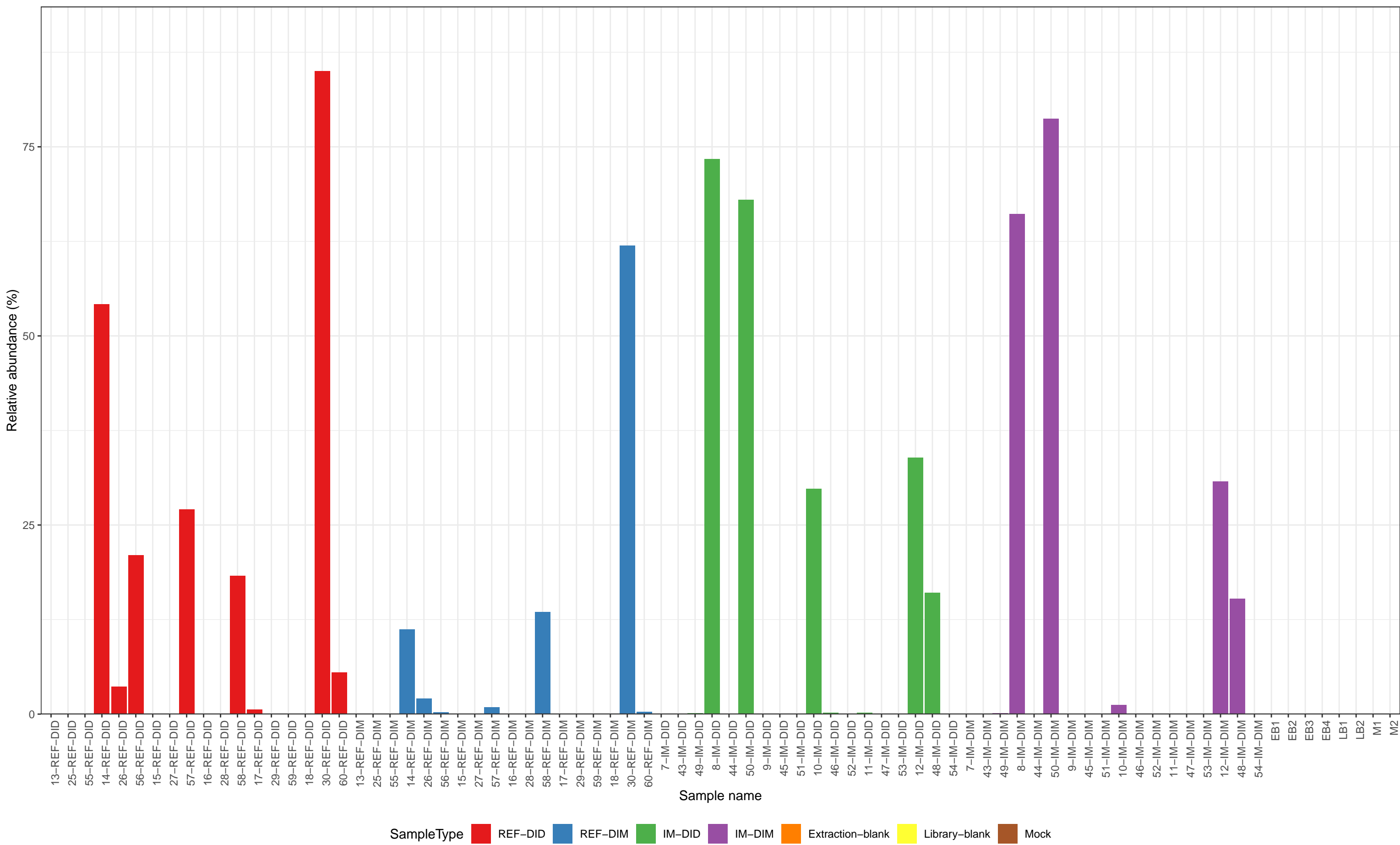
0.0

13-REF-DID
25-REF-DID
55-REF-DID
14-REF-DID
26-REF-DID
56-REF-DID
15-REF-DID
27-REF-DID
57-REF-DID
16-REF-DID
28-REF-DID
58-REF-DID
17-REF-DID
29-REF-DID
59-REF-DID
18-REF-DID
30-REF-DID
60-REF-DID
13-REF-DIM
25-REF-DIM
55-REF-DIM
14-REF-DIM
26-REF-DIM
56-REF-DIM
15-REF-DIM
27-REF-DIM
57-REF-DIM
16-REF-DIM
28-REF-DIM
58-REF-DIM
17-REF-DIM
29-REF-DIM
59-REF-DIM
18-REF-DIM
30-REF-DIM
60-REF-DIM
7-IM-DID
43-IM-DID
49-IM-DID
8-IM-DID
44-IM-DID
50-IM-DID
9-IM-DID
45-IM-DID
51-IM-DID
10-IM-DID
46-IM-DID
52-IM-DID
11-IM-DID
47-IM-DID
53-IM-DID
12-IM-DID
48-IM-DID
54-IM-DID
7-IM-DIM
43-IM-DIM
49-IM-DIM
8-IM-DIM
44-IM-DIM
50-IM-DIM
9-IM-DIM
45-IM-DIM
51-IM-DIM
10-IM-DIM
46-IM-DIM
52-IM-DIM
11-IM-DIM
47-IM-DIM
53-IM-DIM
12-IM-DIM
48-IM-DIM
54-IM-DIM
EB1
EB2
EB3
EB4
LB1
LB2
M1
M2

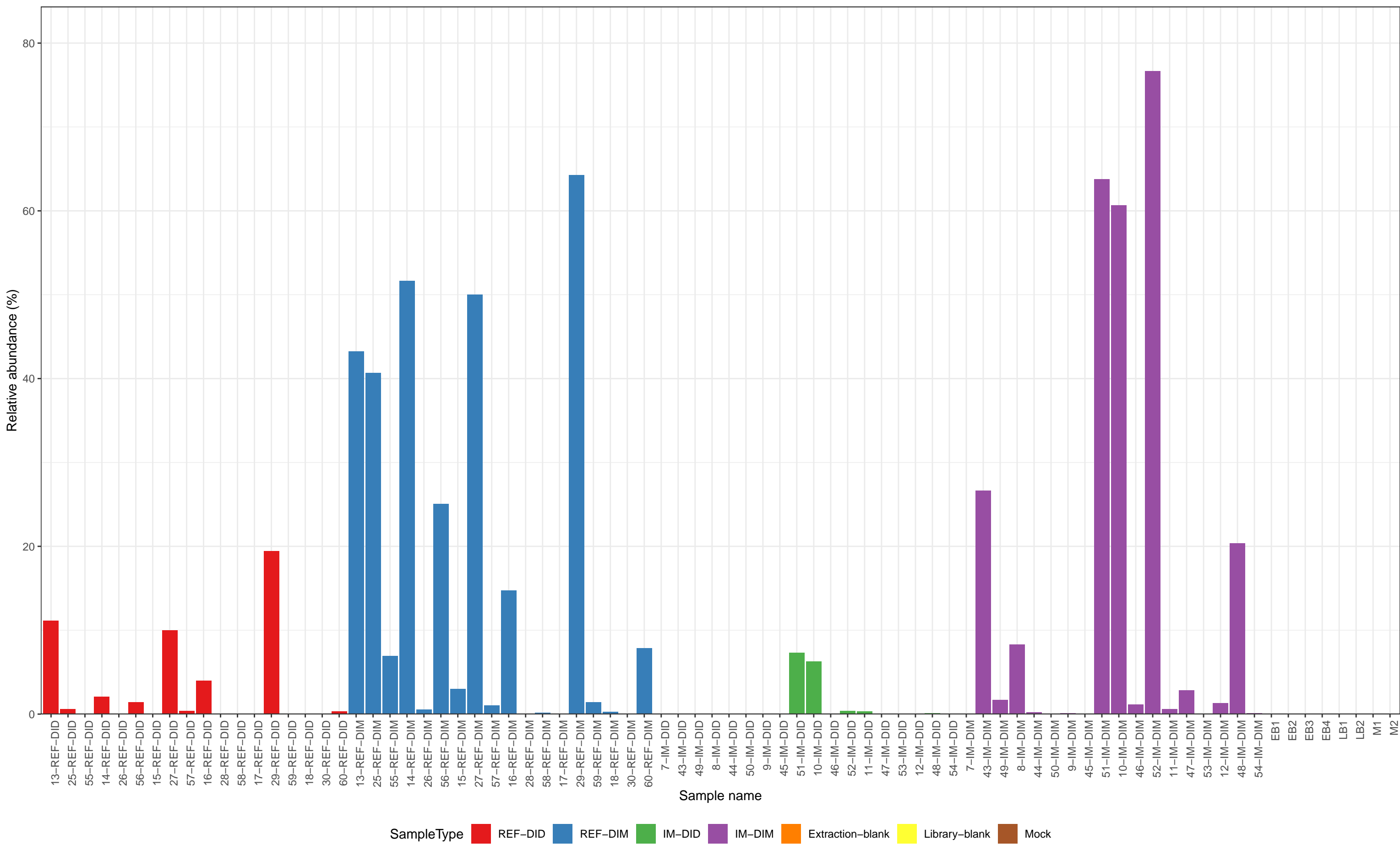
SampleType REF-DID REF-DIM IM-DID IM-DIM Extraction-blank Library-blank Mock



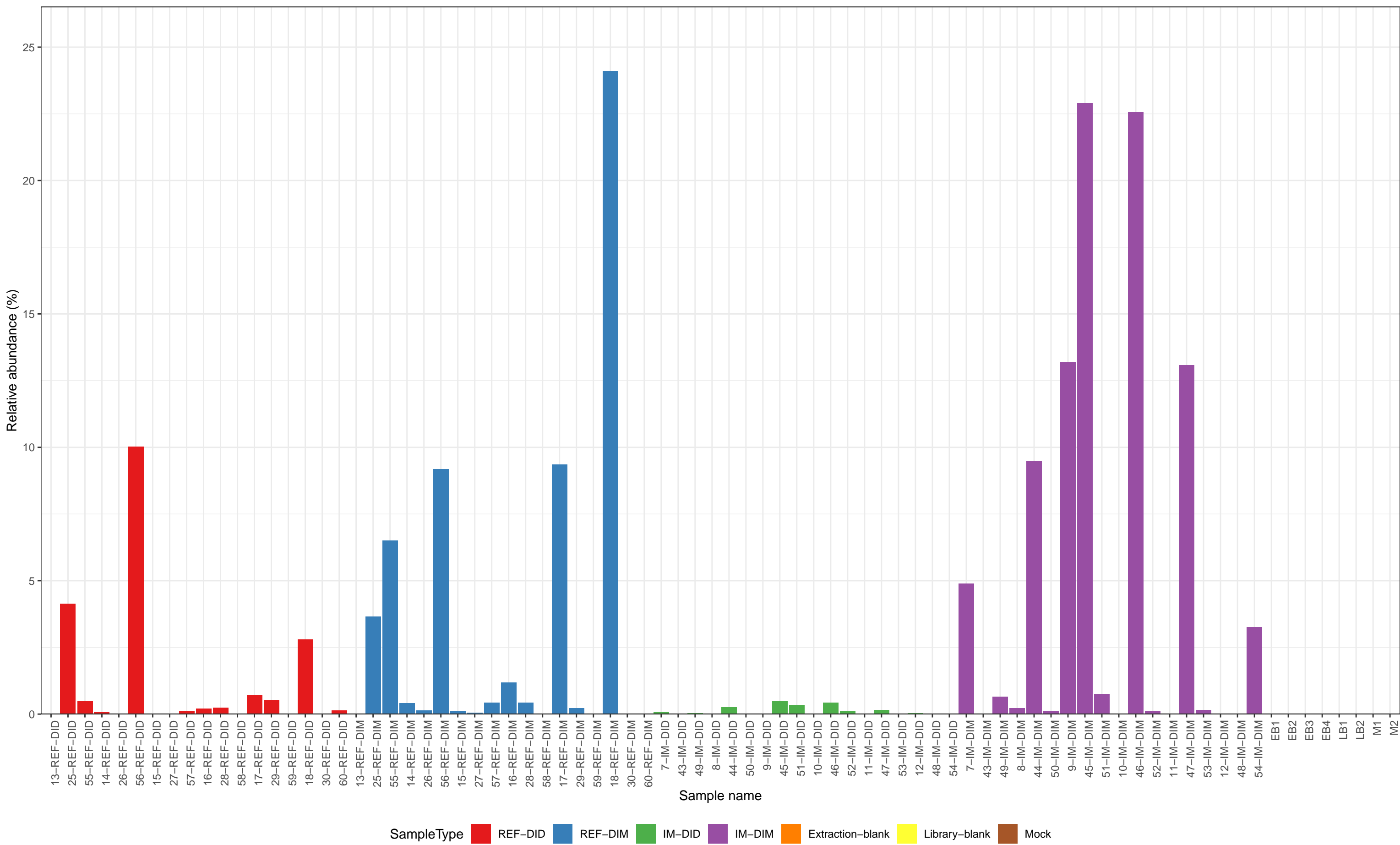
k__Bacteria; p__Proteobacteria; c__Gammaproteobacteria; o__Vibrionales; f__Vibrionaceae; g__Aliivibrio; s__uncultured bacterium



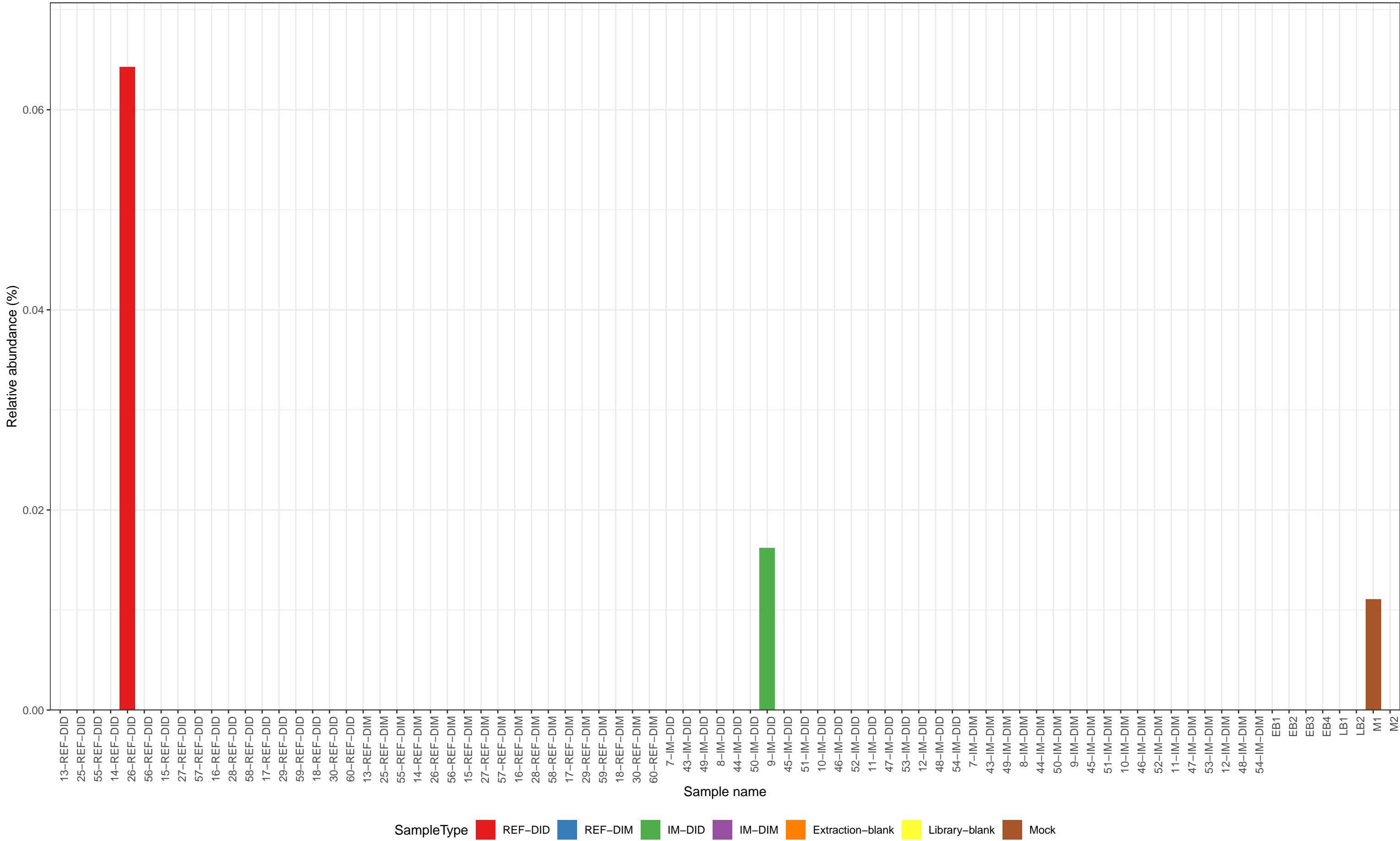
k__Bacteria; p__Spirochaetes; c__Spirochaetia; o__Brevinematales; f__Brevinemataceae; g__Brevinema; s__Brevinema andersonii



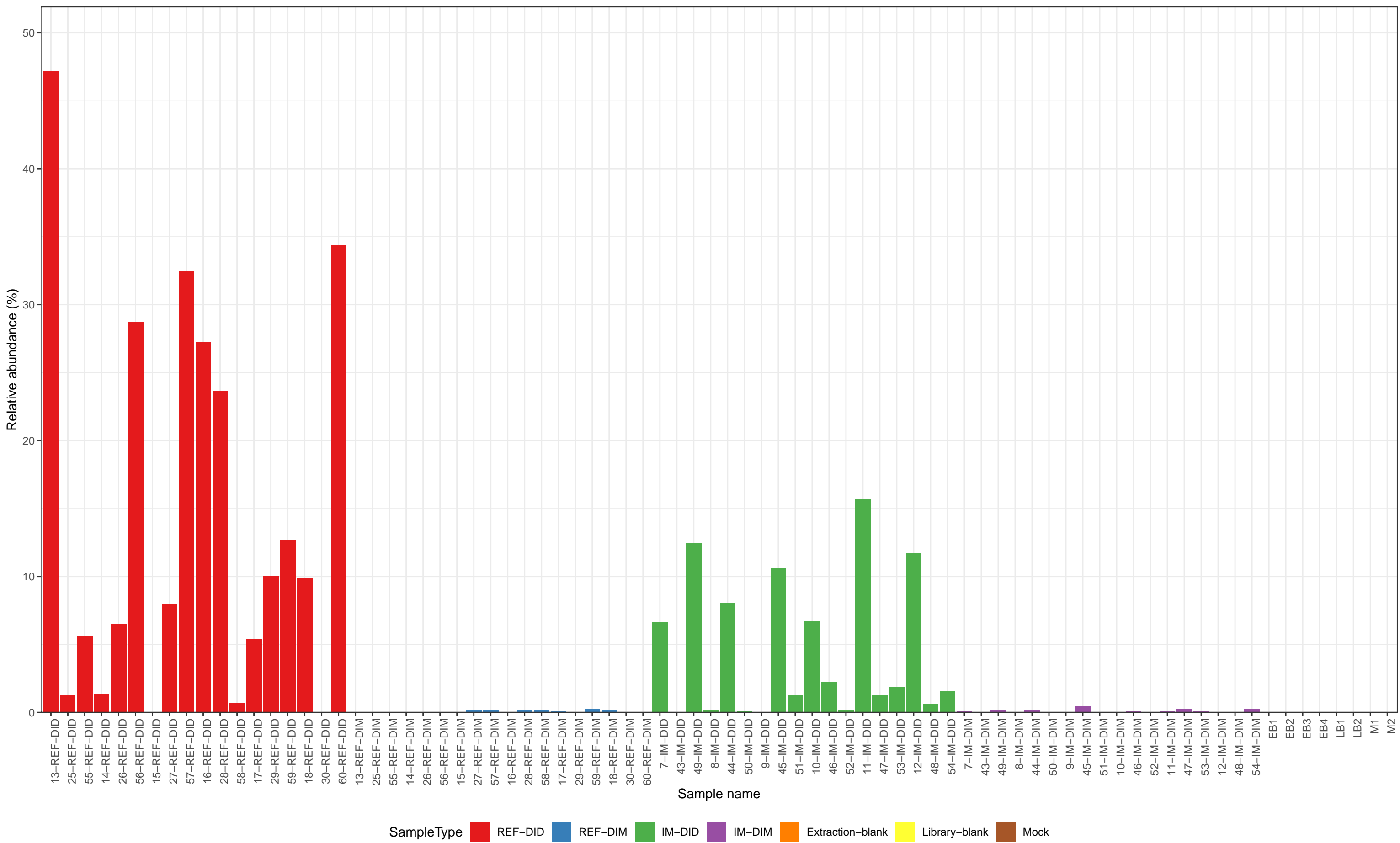
k__Bacteria; p__Spirochaetes; c__Spirochaetia; o__Spirochaetales; f__Spirochaetaceae; NA; NA



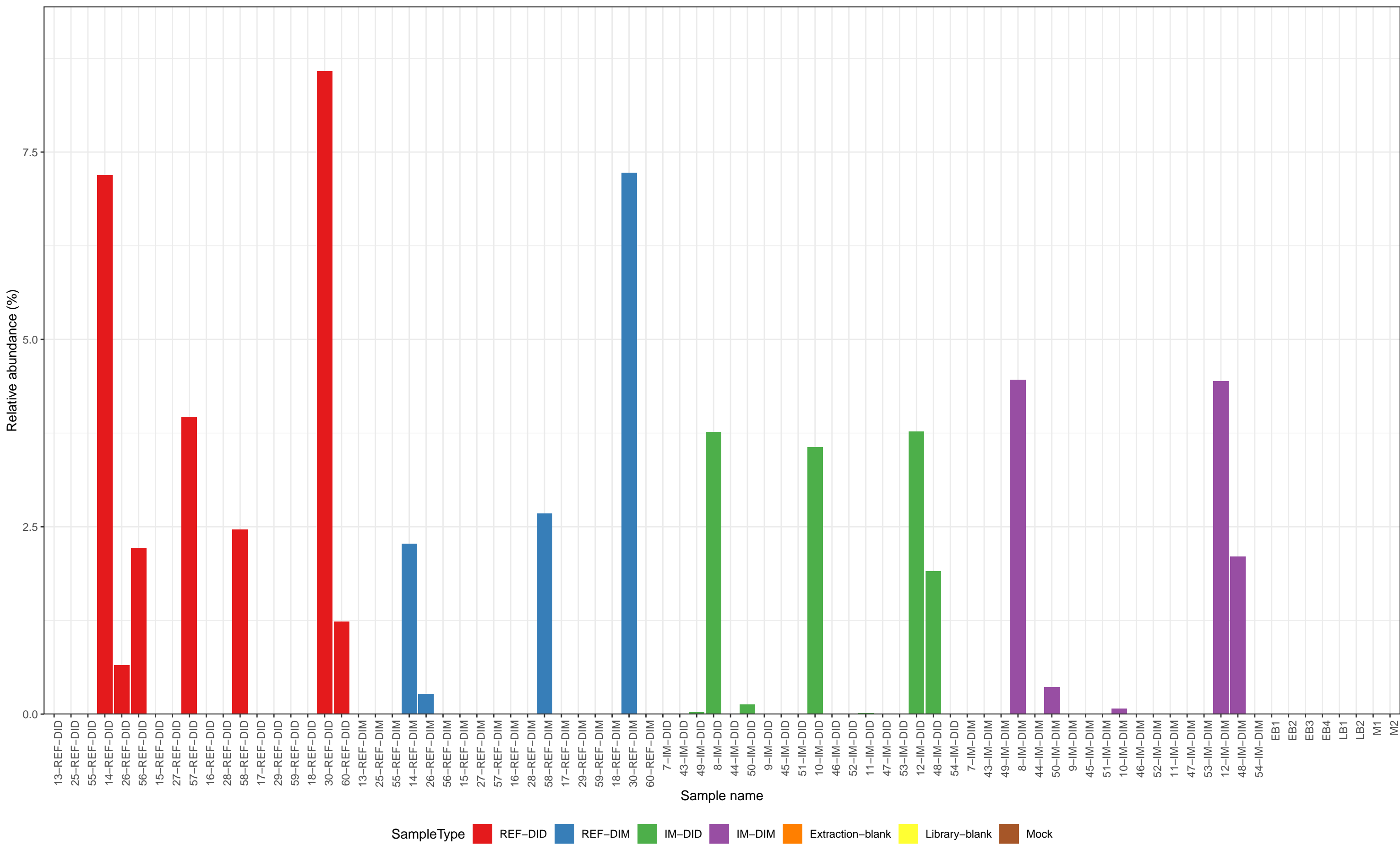
k__Bacteria; p__Firmicutes; c__Bacilli; o__Lactobacillales; f__Lactobacillaceae; g__Lactobacillus; s__Lactobacillus fermentum



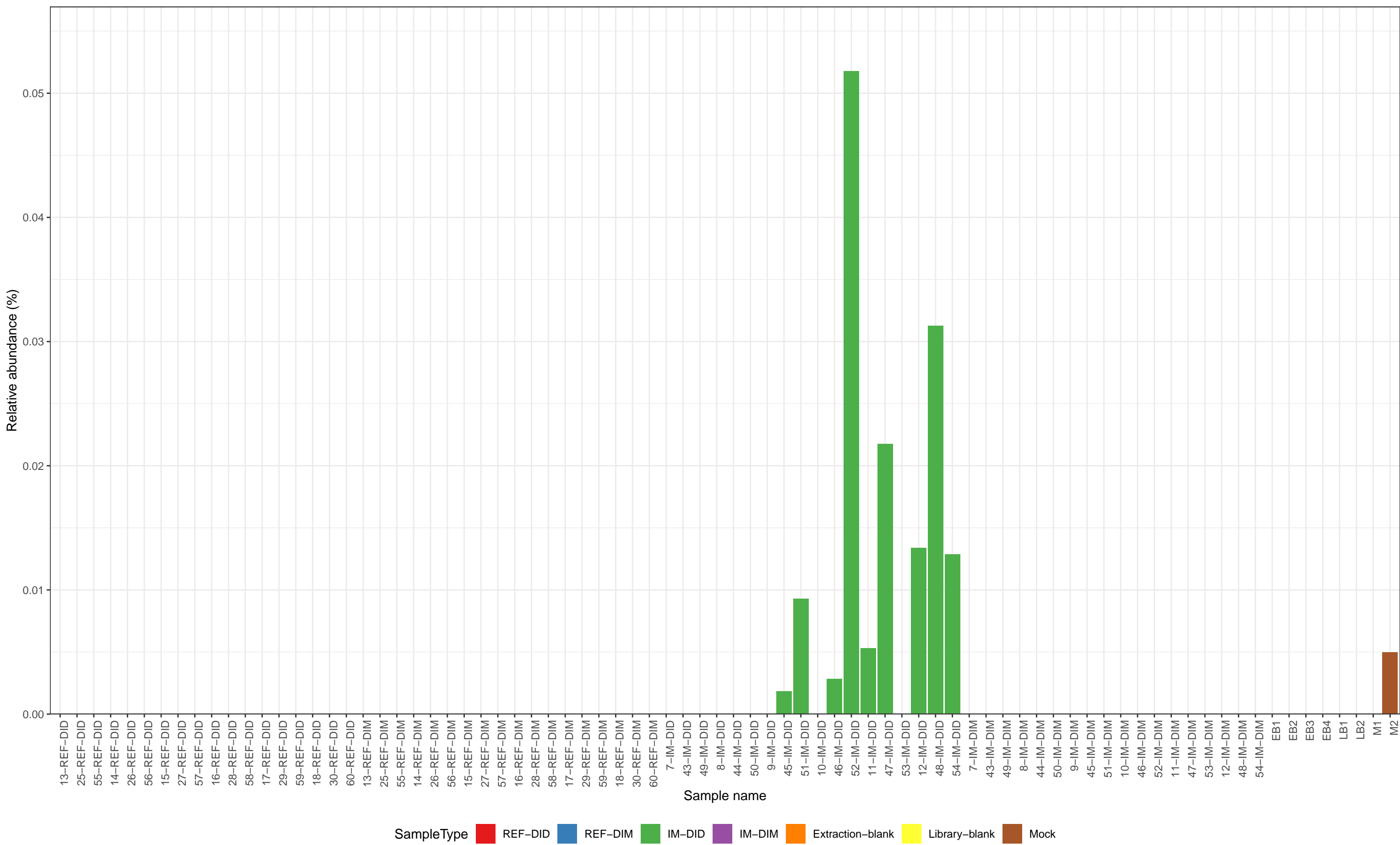
k__Bacteria; p__Tenericutes; c__Mollicutes; o__Mycoplasmatales; f__Mycoplasmataceae; g__Mycoplasma; s__uncultured bacterium



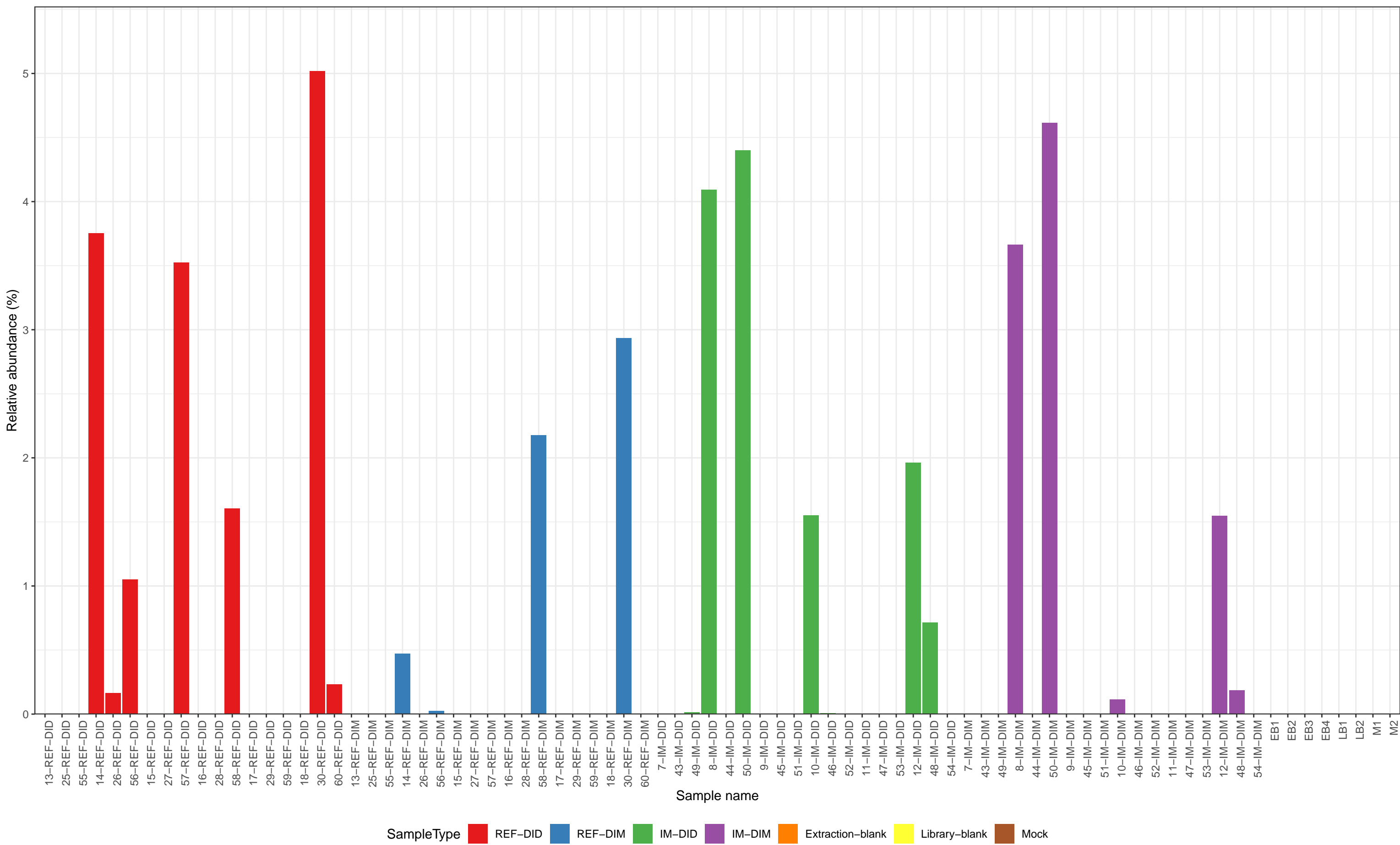
k__Bacteria; p__Proteobacteria; c__Gammaproteobacteria; o__Vibrionales; f__Vibrionaceae; g__Aliivibrio; Ambiguous_taxa



k__Bacteria; p__Proteobacteria; c__Gammaproteobacteria; o__Enterobacteriales; f__Enterobacteriaceae; g__Escherichia-Shigella; NA



k__Bacteria; p__Proteobacteria; c__Gammaproteobacteria; o__Vibrionales; f__Vibrionaceae; g__Aliivibrio; s__uncultured bacterium



k__Bacteria; p__Firmicutes; c__Bacilli; o__Lactobacillales; f__Lactobacillaceae; g__Lactobacillus; s__Lactobacillus fermentum

Relative abundance (%)

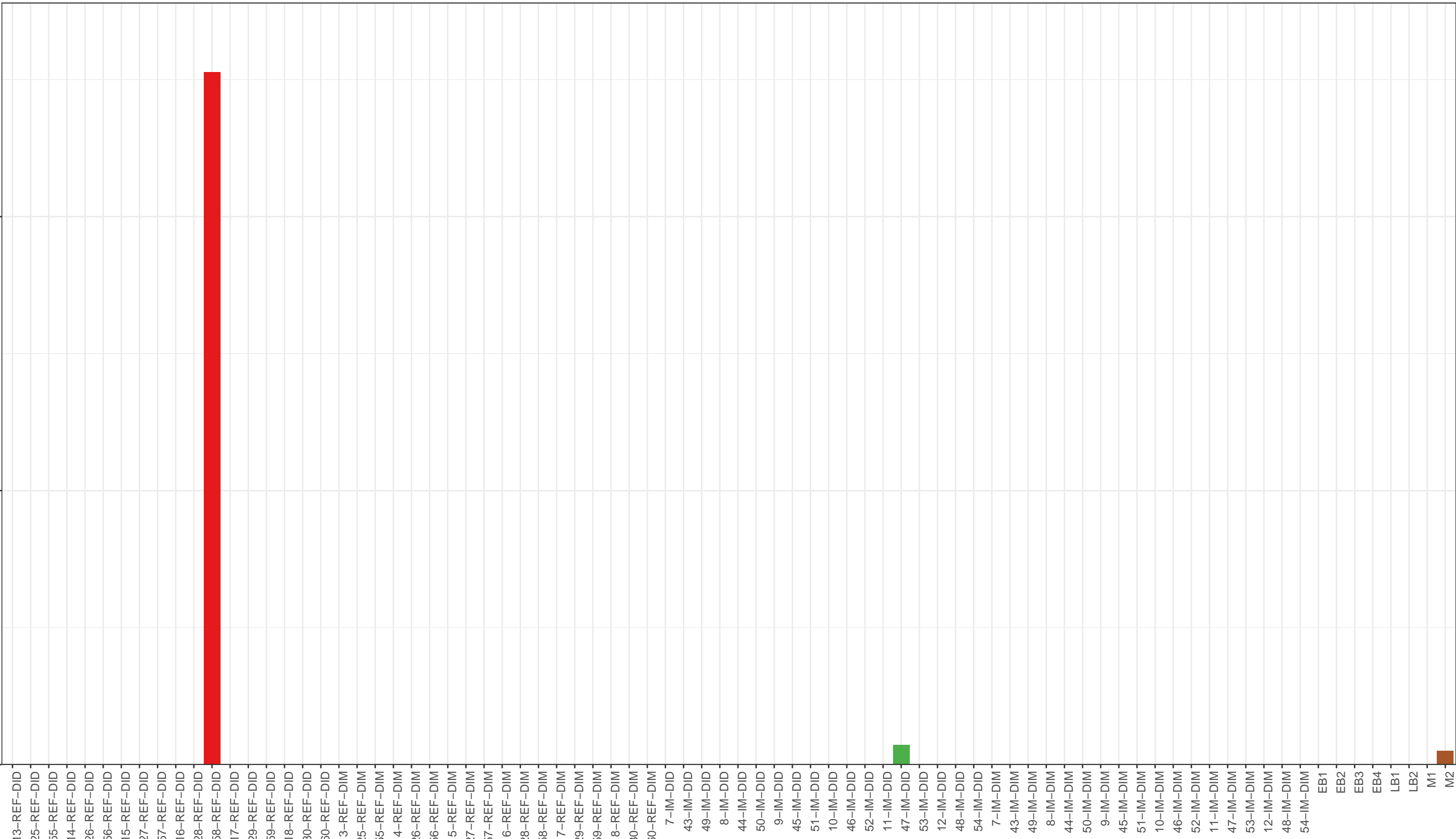
0.10

0.05

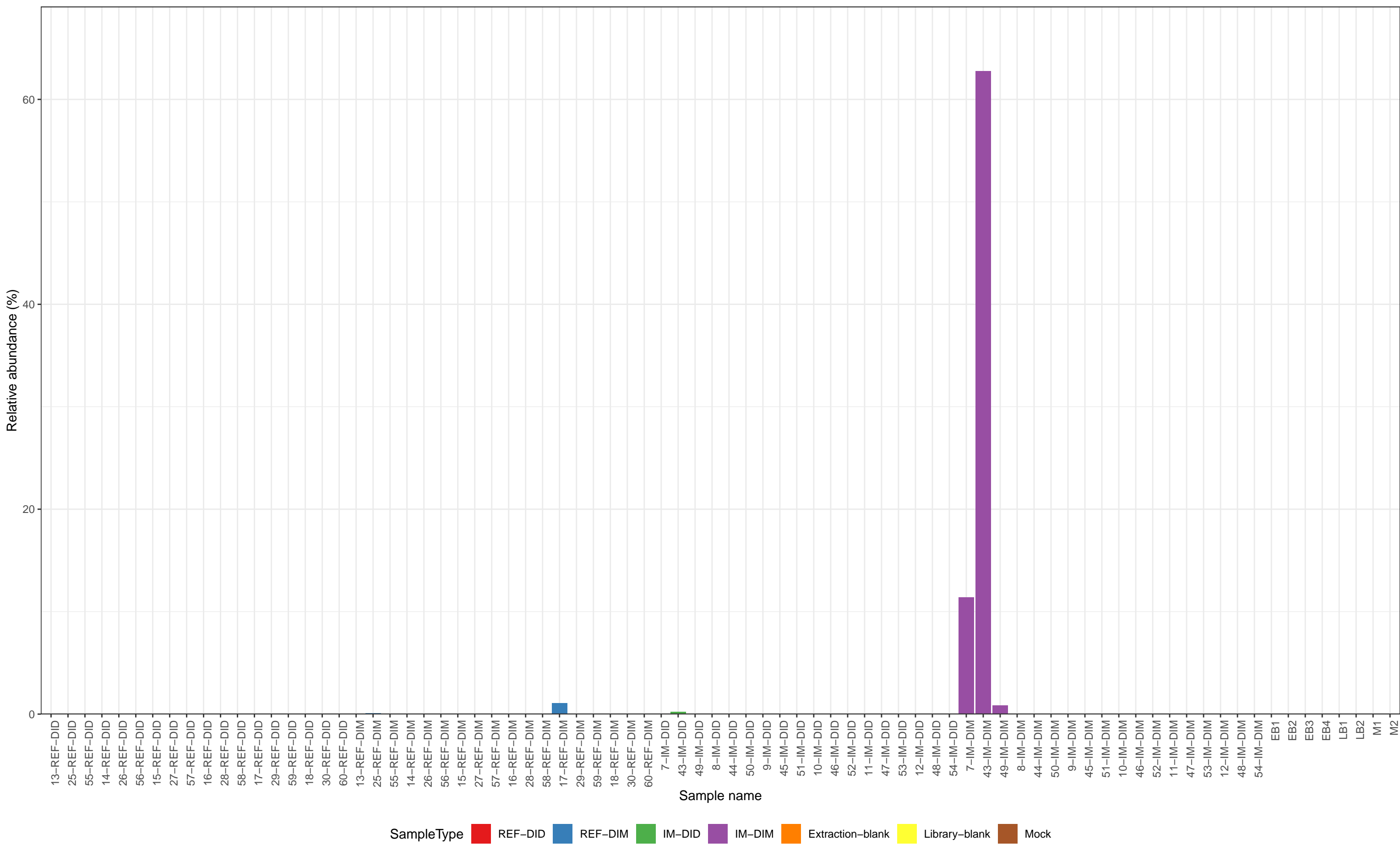
0.00

13-REF-DID 25-REF-DID 55-REF-DID 14-REF-DID 26-REF-DID 56-REF-DID 15-REF-DID 27-REF-DID 57-REF-DID 16-REF-DID 28-REF-DID 58-REF-DID 17-REF-DID 29-REF-DID 59-REF-DID 18-REF-DID 30-REF-DID 60-REF-DID 13-REF-DIM 25-REF-DIM 55-REF-DIM 14-REF-DIM 26-REF-DIM 56-REF-DIM 15-REF-DIM 27-REF-DIM 57-REF-DIM 16-REF-DIM 28-REF-DIM 58-REF-DIM 17-REF-DIM 29-REF-DIM 59-REF-DIM 18-REF-DIM 30-REF-DIM 60-REF-DIM 7-IM-DID 43-IM-DID 49-IM-DID 8-IM-DID 44-IM-DID 50-IM-DID 9-IM-DID 45-IM-DID 51-IM-DID 10-IM-DID 46-IM-DID 52-IM-DID 11-IM-DID 47-IM-DID 53-IM-DID 12-IM-DID 48-IM-DID 54-IM-DID 7-IM-DIM 43-IM-DIM 49-IM-DIM 8-IM-DIM 44-IM-DIM 50-IM-DIM 9-IM-DIM 45-IM-DIM 51-IM-DIM 10-IM-DIM 46-IM-DIM 52-IM-DIM 11-IM-DIM 47-IM-DIM 53-IM-DIM 12-IM-DIM 48-IM-DIM 54-IM-DIM EB1 EB2 EB3 EB4 LB1 LB2 M1 M2

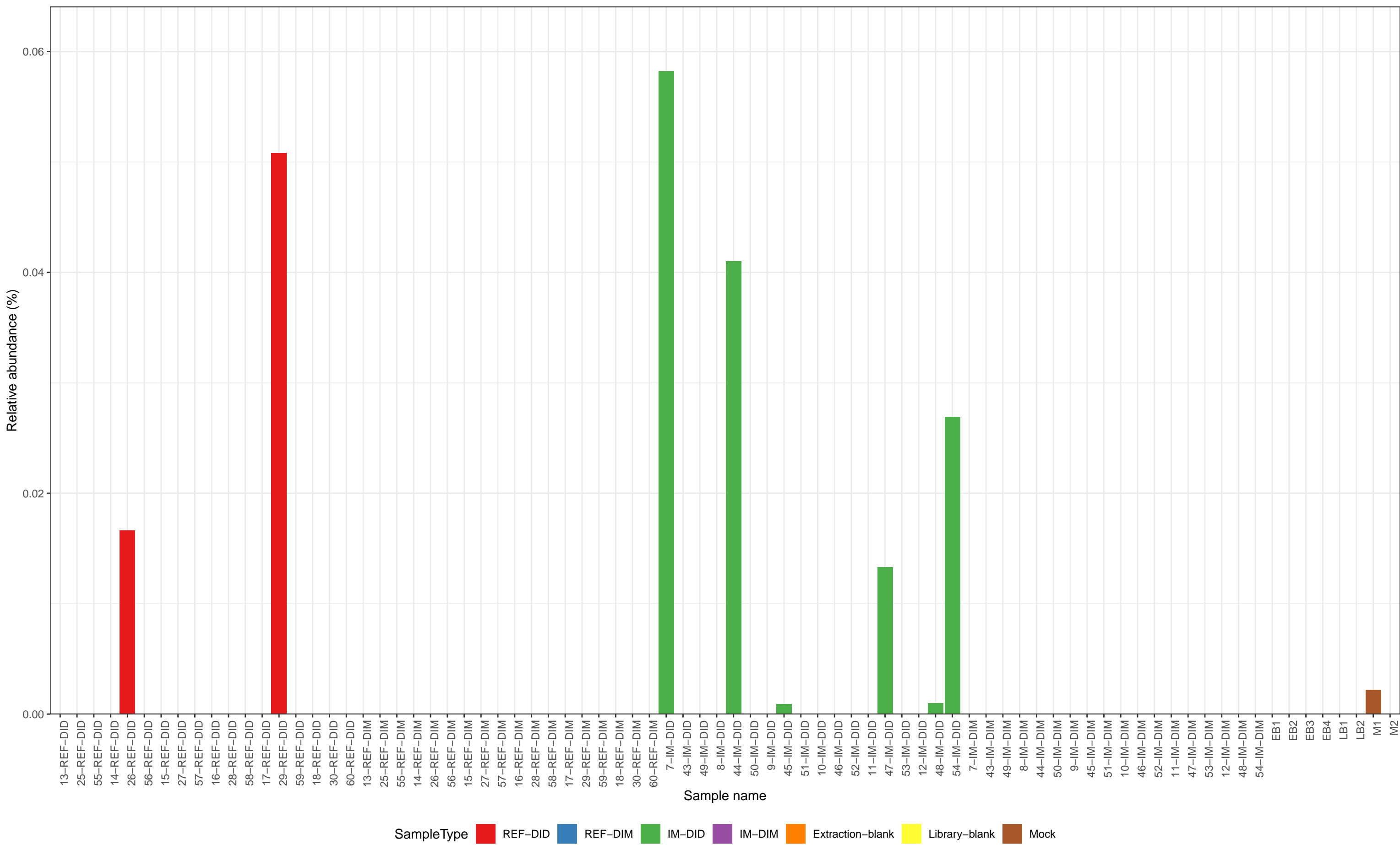
SampleType REF-DID REF-DIM IM-DID IM-DIM Extraction-blank Library-blank Mock



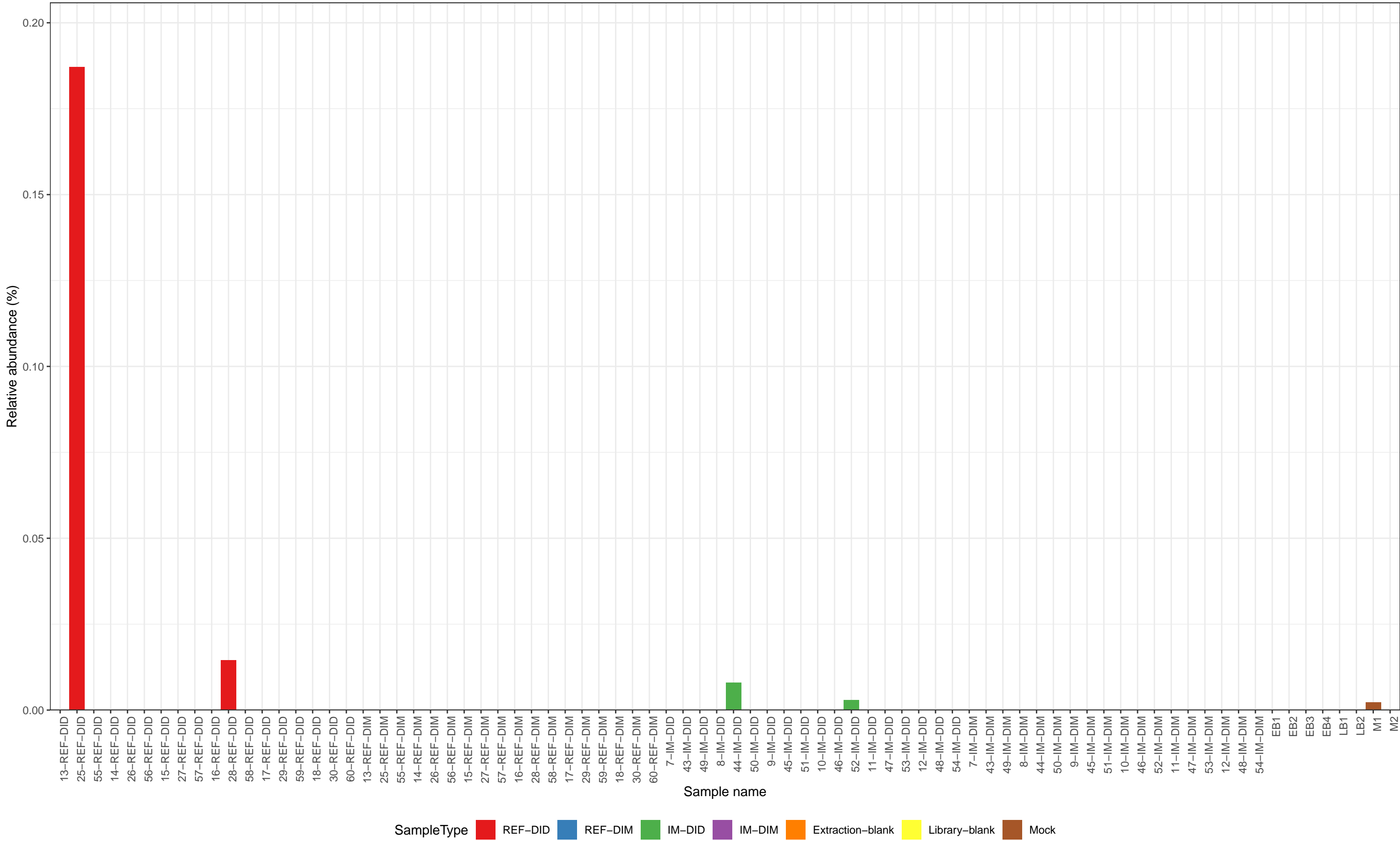
k__Bacteria; p__Tenericutes; c__Mollicutes; o__Mycoplasmatales; f__Mycoplasmataceae; g__Mycoplasma; s__uncultured Mycoplasma sp.



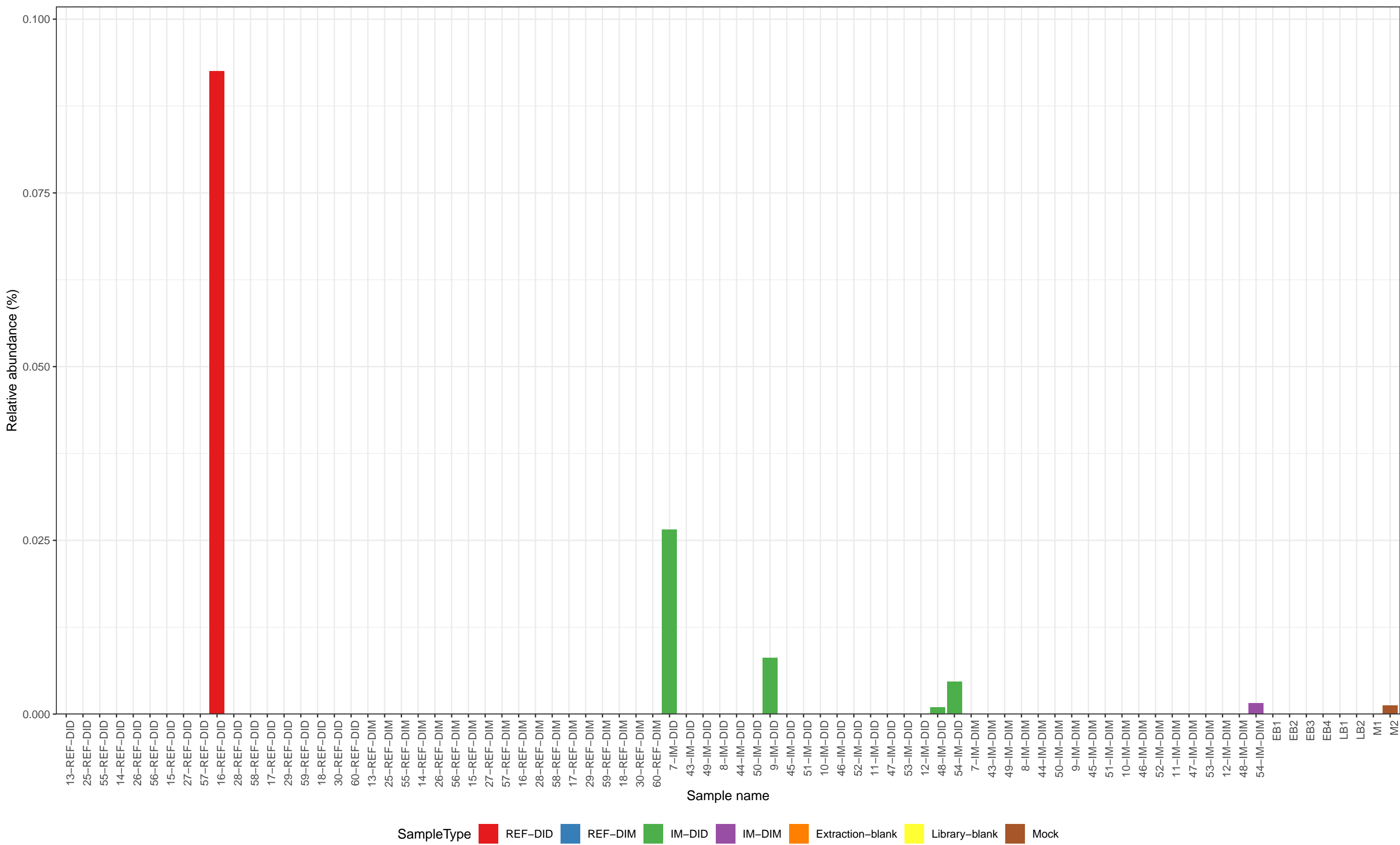
k__Bacteria; p__Firmicutes; c__Bacilli; o__Lactobacillales; f__Lactobacillaceae; g__Lactobacillus; s__Lactobacillus fermentum

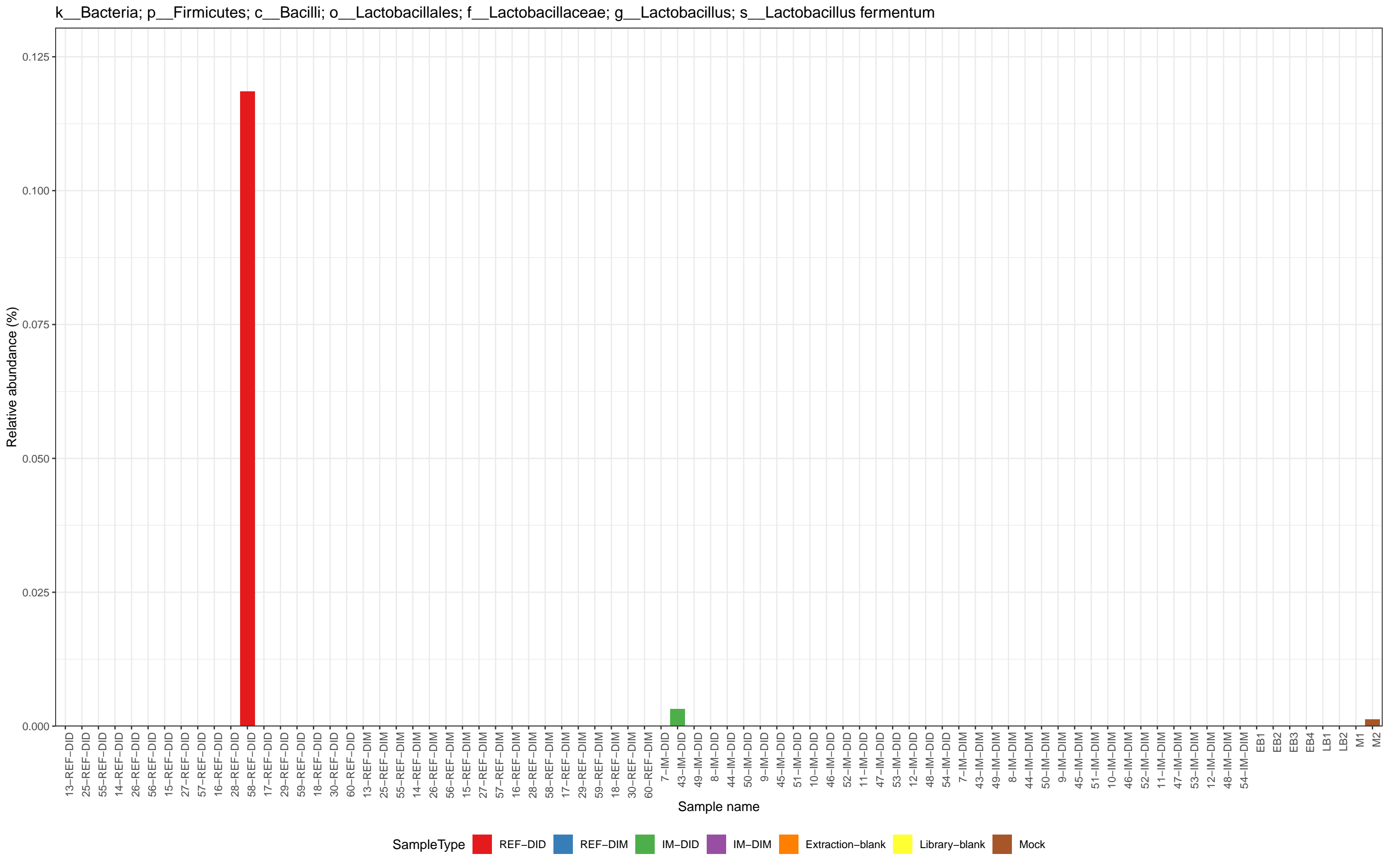


k__Bacteria; p__Firmicutes; c__Bacilli; o__Lactobacillales; f__Lactobacillaceae; g__Lactobacillus; s__Lactobacillus fermentum

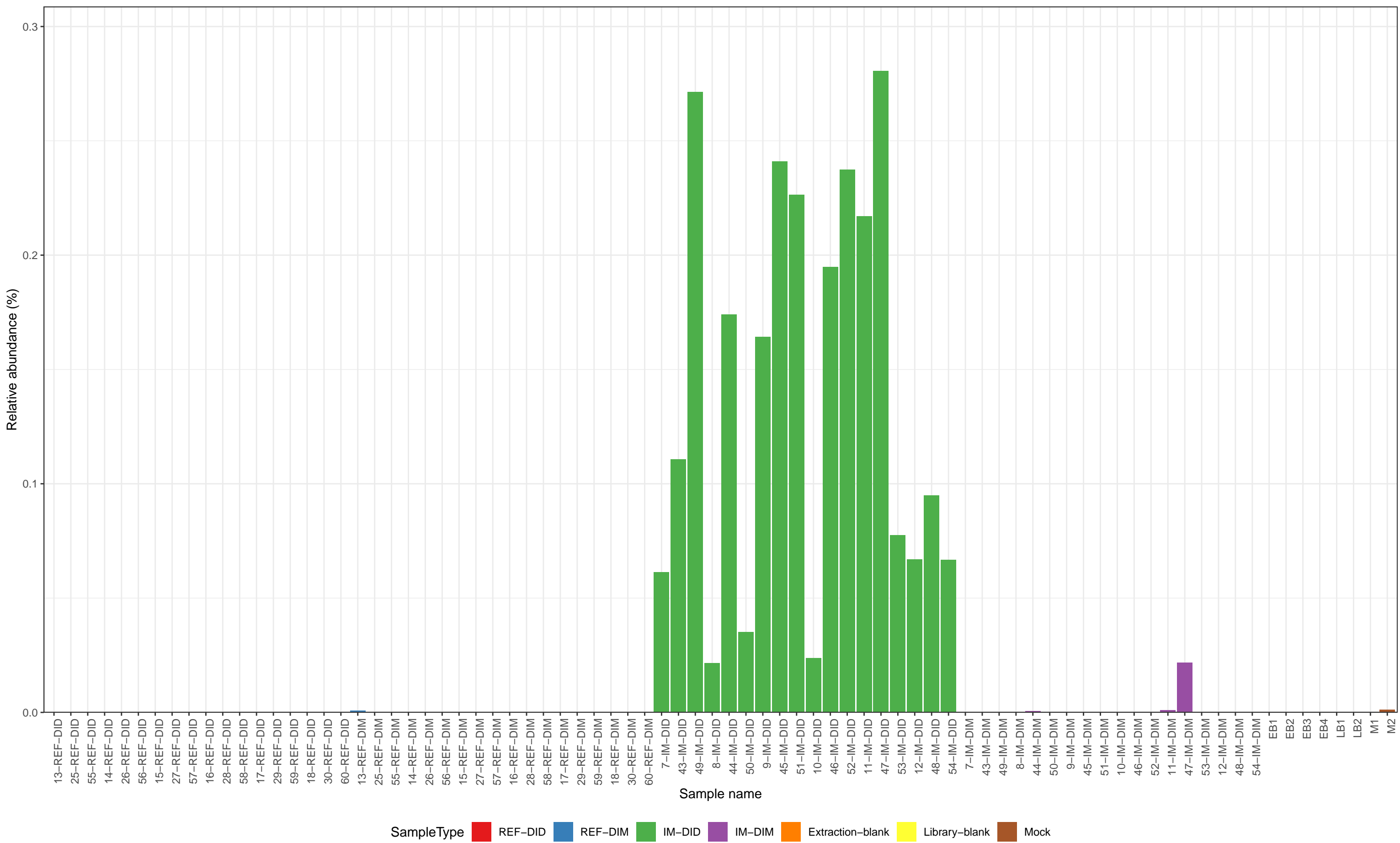


k__Bacteria; p__Firmicutes; c__Bacilli; o__Lactobacillales; f__Lactobacillaceae; g__Lactobacillus; s__Lactobacillus fermentum

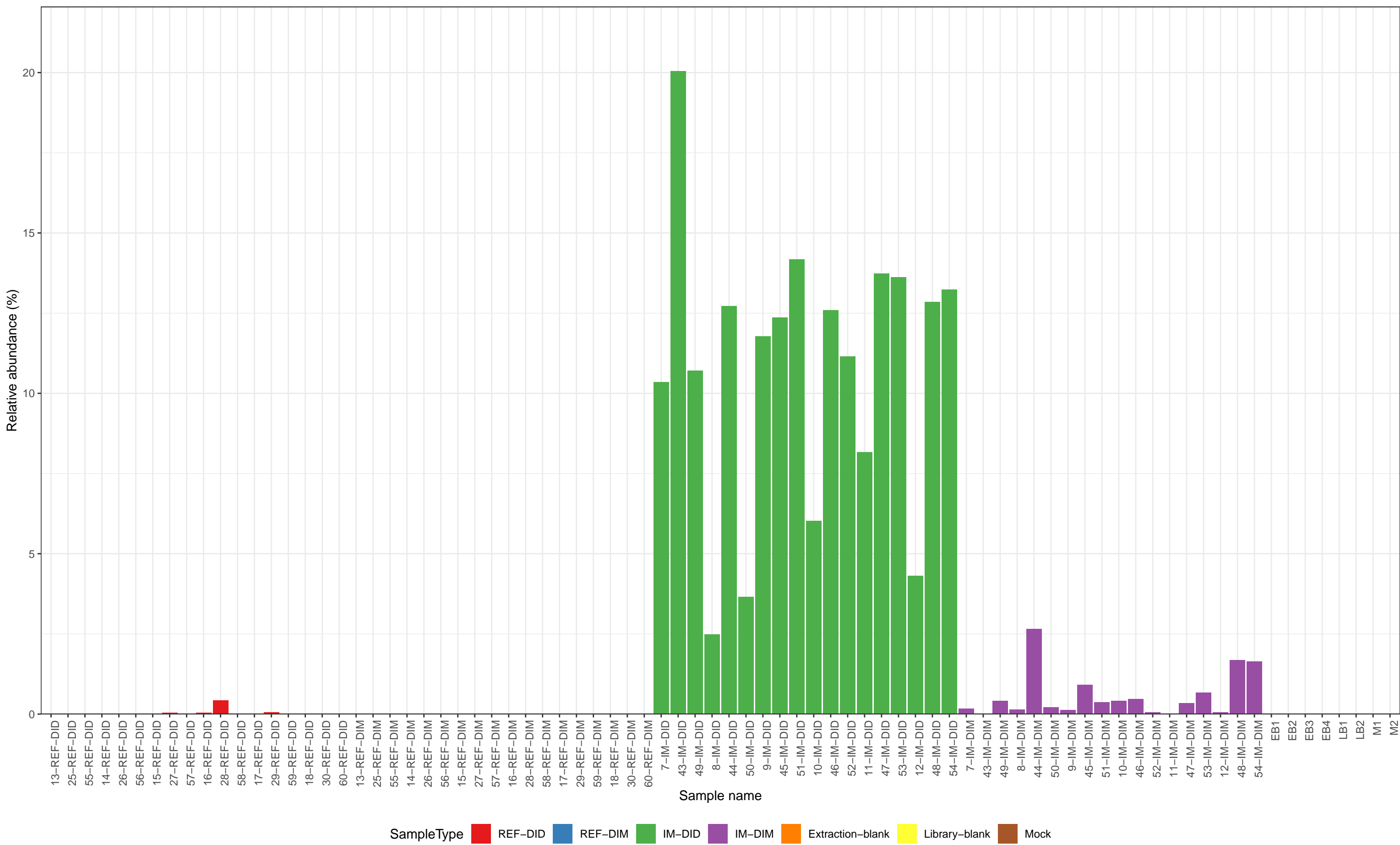




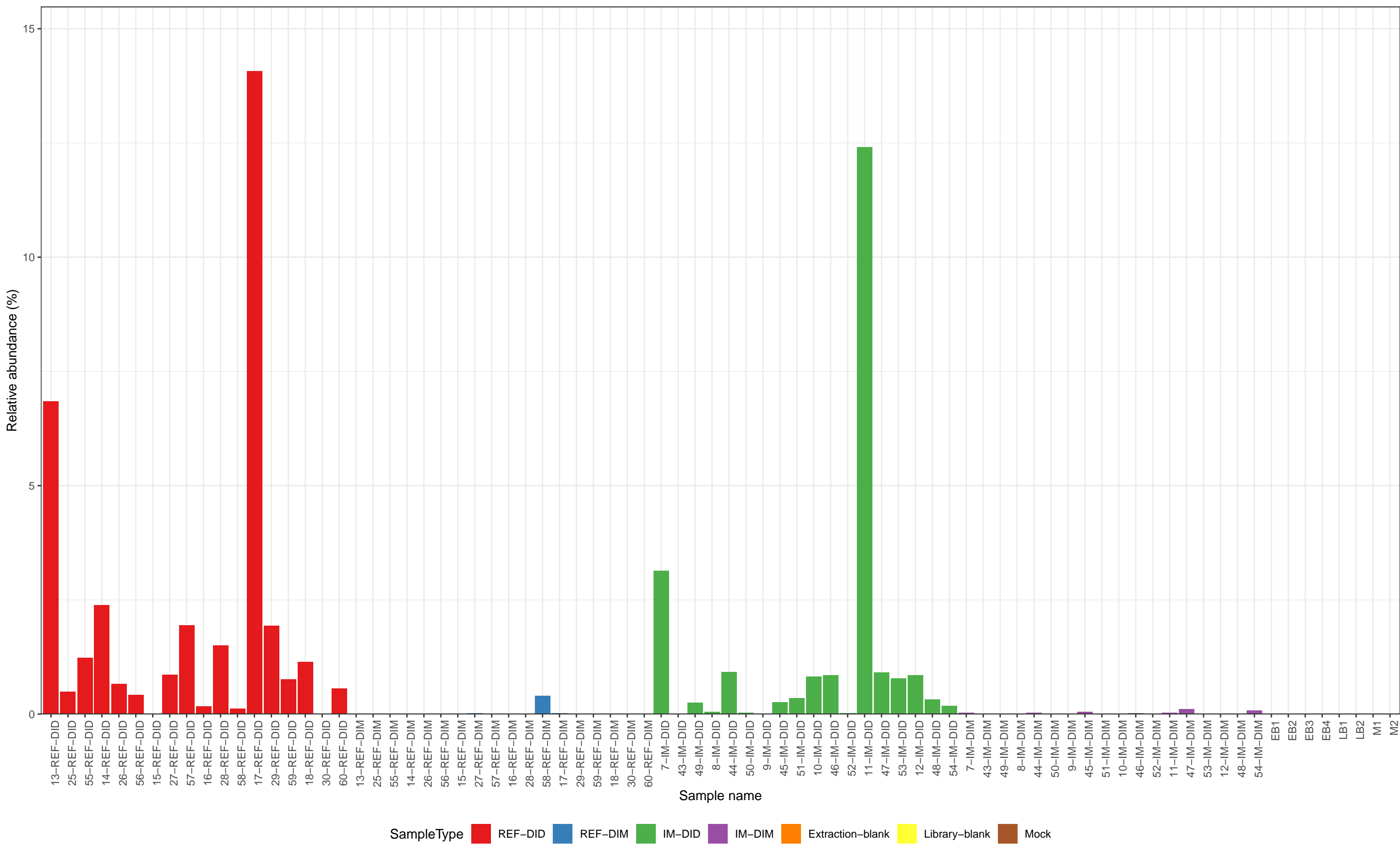
k__Bacteria; p__Bacteroidetes; c__Bacteroidia; o__Flavobacteriales; f__Flavobacteriaceae; g__Flavobacterium; NA



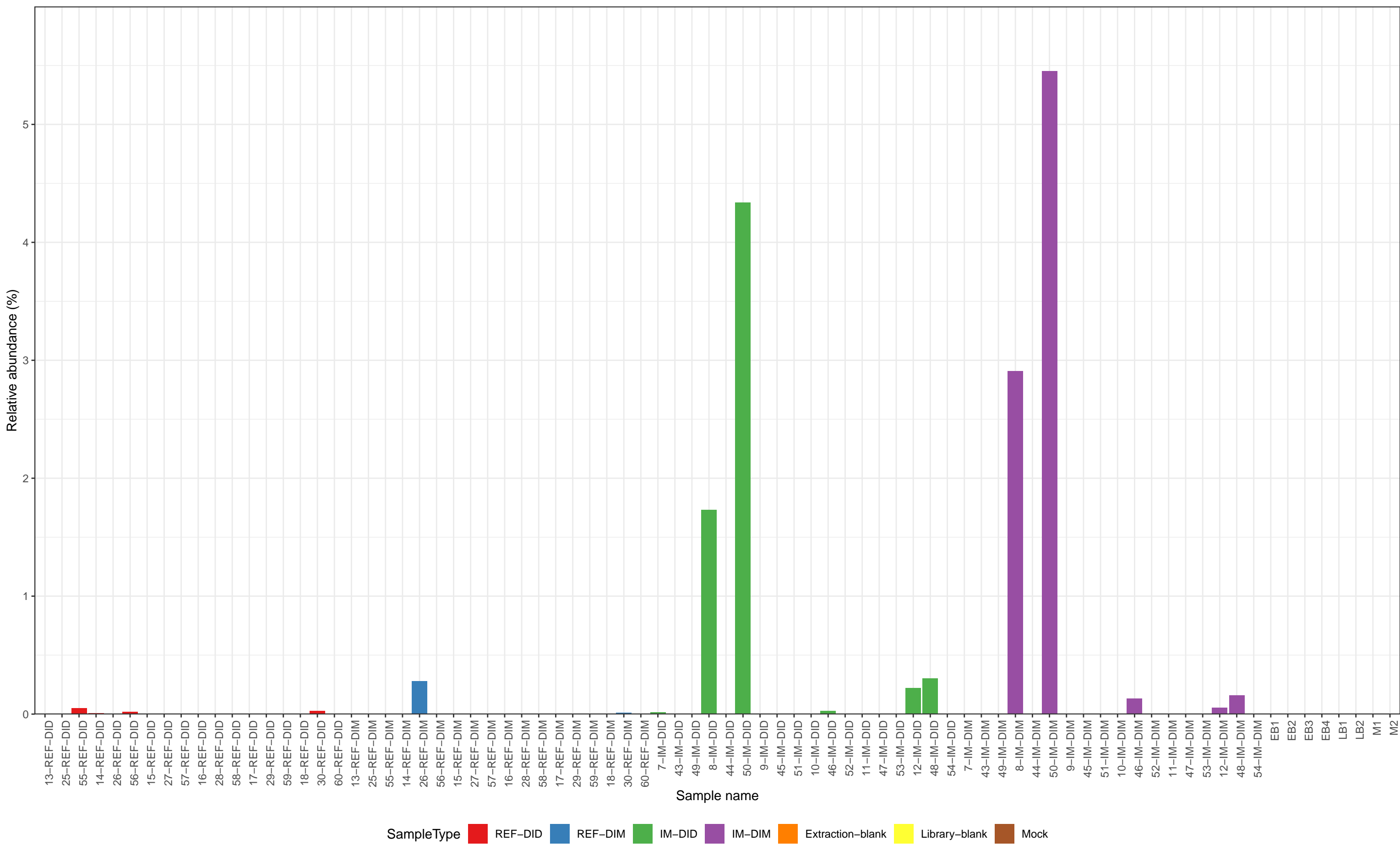
k__Bacteria; p__Firmicutes; c__Bacilli; o__Lactobacillales; NA; NA; NA



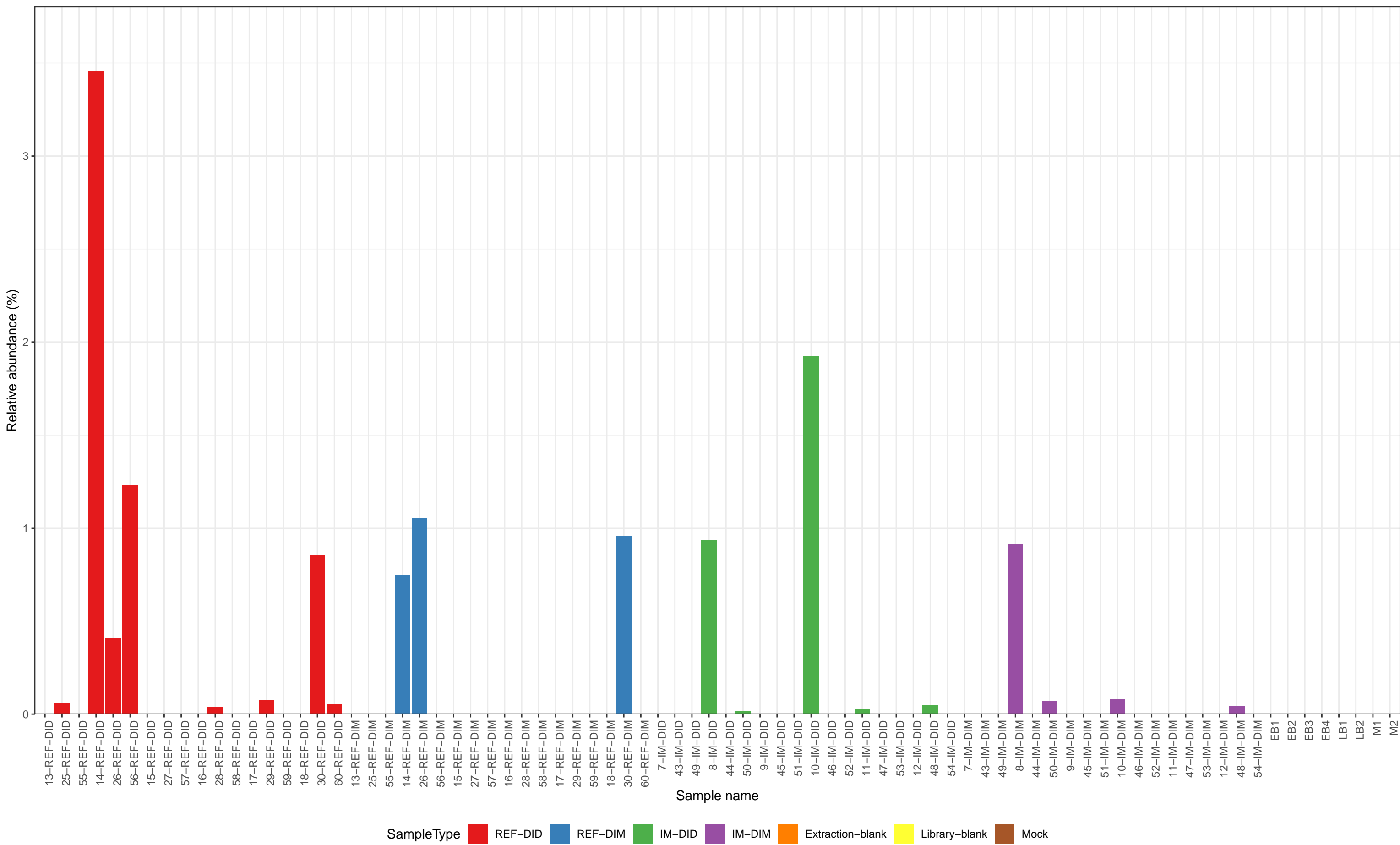
k__Bacteria; p__Tenericutes; c__Mollicutes; o__Mycoplasmatales; f__Mycoplasmataceae; g__Mycoplasma; s__uncultured bacterium



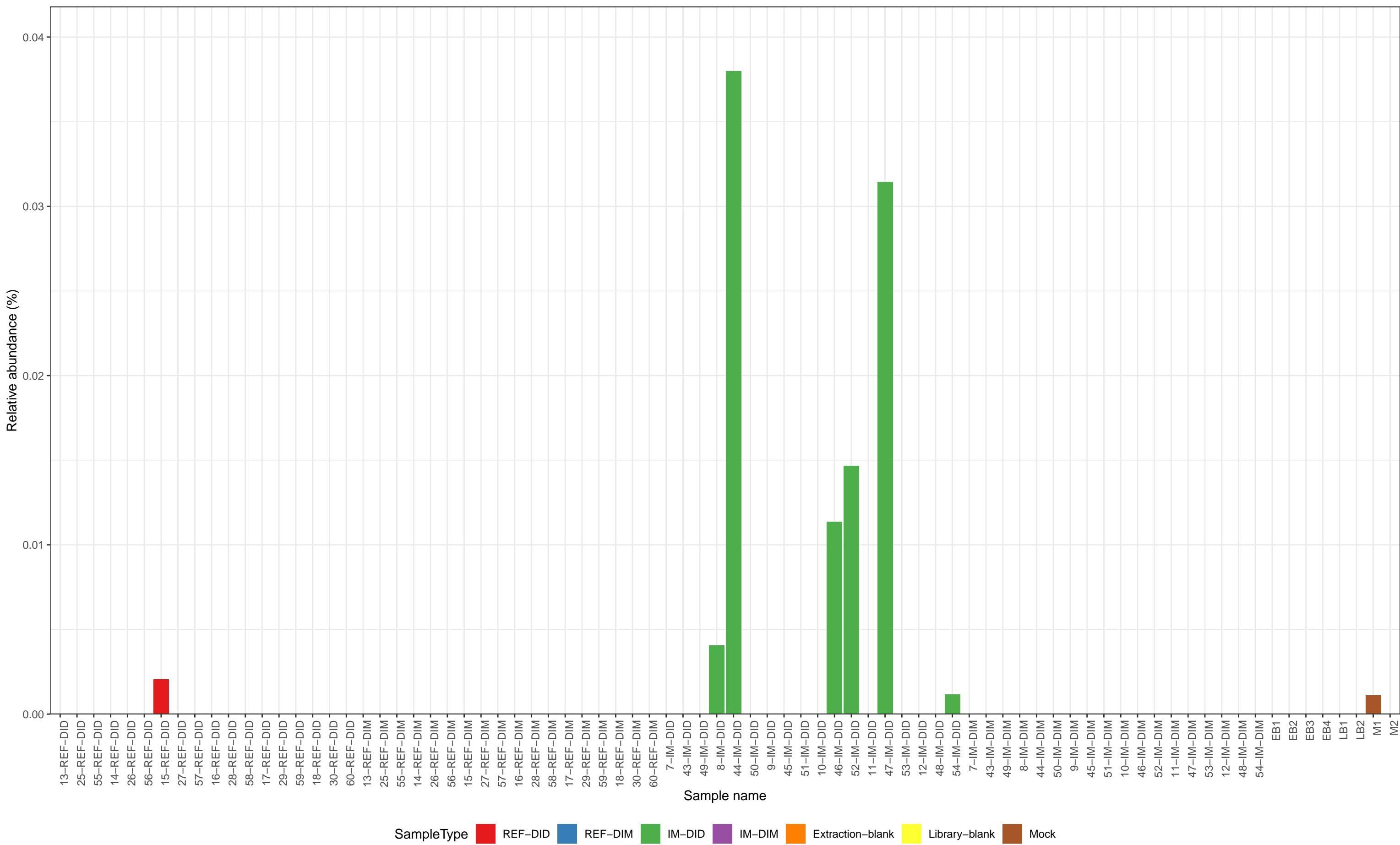
k__Bacteria; p__Proteobacteria; c__Gammaproteobacteria; o__Vibrionales; f__Vibrionaceae; g__Aliivibrio; s__uncultured bacterium



k__Bacteria; p__Proteobacteria; c__Gammaproteobacteria; o__Vibrionales; f__Vibrionaceae; g__Aliivibrio; Ambiguous_taxa



k__Bacteria; p__Firmicutes; c__Bacilli; o__Lactobacillales; f__Lactobacillaceae; g__Lactobacillus; s__Lactobacillus fermentum



k__Bacteria; p__Firmicutes; c__Bacilli; o__Lactobacillales; f__Leuconostocaceae; g__Weissella; s__uncultured bacterium

