

# Métricas de Avaliação e Divisão de Dados

Advanced Institute for Artificial Intelligence – Al2

https://advancedinstitute.ai

## Métricas de Avaliação

**Métricas** são medidas quantificáveis empregadas para analisar resultados de um processo, ação ou estratégia específica.

Ao trazemos a definição para o mundo de ML, as métricas são essenciais para informar o desempenho de um determinado modelo em uma dada aplicação. Desta forma, a escolha da métrica avaliativa precisa, necessariamente, ser representativa e concordante, com o problema tratado.

Para problemas de classificação, a literatura nos fornece algumas métricas bem estabelecidas e concisas que auxiliam no acompanhamento de desempenho dos modelos de ML, tanto em etapa de treinamento quanto de teste.

Tomemos como base para o desenvolvimento do tema, um problema de classificação binária cujo objetivo é separar pregos de parafusos em uma esteira industrial.

Dentre as diversas métricas na literatura algumas são mais empregadas, tais como:

- Accuracy Acurácia;
- Precision Precisão;
- Recall Revocação;
- F-Measure;

As predições do modelo de ML geram a chamada matriz de confusão (ou contingência):

		Predicted condition	
	Total population = P + N	Positive (PP)	Negative (PN)
condition	Positive (P)	True positive (TP)	False negative (FN)
Actual co	Negative (N)	False positive (FP)	True negative (TN)

<sup>\*\*</sup>FP -> superestimativa (alarme falso) - erro tipo I;

<sup>\*\*</sup>FN - > subestimativa (erro grave) - erro tipo II;

Accuracy - Representa a medida de acerto do modelo de ML, ou seja, quantos exemplos foram preditos corretamente frente à população de dados avaliada:

$$ACC = \frac{TP + TN}{P + N}$$
$$= \frac{TP + TN}{TP + TN + FP + FN}$$

		Predicted condition	
	Total population = P + N	Positive (PP)	Negative (PN)
Actual condition	Positive (P)	True positive (TP)	False negative (FN)
	Negative (N)	False positive (FP)	True negative (TN)

Pecision - Representa a fração de instâncias rotuladas corretamente (TP) dentre todas as que foram classificadas como corretas, ou seja, verdadeiras positivas e falsas positivas:

$$PR = \frac{TP}{TP + FP}$$

		Predicted condition	
	Total population = P + N	Positive (PP)	Negative (PN)
Actual condition	Positive (P)	True positive (TP)	False negative (FN)
	Negative (N)	False positive (FP)	True negative (TN)

Recall - Representa a fração de instâncias rotuladas corretamente (TP) dentre todas as positivas da população de dados:

$$RC = \frac{TP}{P}$$
$$= \frac{TP}{TP + FN}$$

		Predicted condition	
	Total population = P + N	Positive (PP)	Negative (PN)
Actual condition	Positive (P)	True positive (TP)	False negative (FN)
	Negative (N)	False positive (FP)	True negative (TN)

**Exemplo:** Considere um modelo de ML para reconhecer cães (elemento relevante) em uma imagem. Ao processar uma imagem que contém dez gatos e doze cães, o modelo identifica oito cães.

Dos oito elementos identificados como cães, apenas cinco são realmente cães (TP), enquanto os outros três são gatos (FP).

Sete cães foram perdidos (FN) e sete gatos foram excluídos corretamente (TN).

A precision do modelo é então 5/8 (TP/elementos selecionados) enquanto sua recall é 5/12 (TP/elementos relevantes).

Em resumo: A precision pode ser vista como uma medida de qualidade e a recall como uma medida de quantidade.

Maior *precision* significa que um algoritmo retorna resultados mais relevantes do que irrelevantes, e alta *recall* significa que um algoritmo retorna a maioria dos resultados relevantes (sejam ou não irrelevantes também são retornados).

*F-Measure* - Combina *precision* e *recall* em uma média harmônica entre eles, sendo representada por:

$$F1 = 2 * \frac{precision * recall}{precision + recall}$$
$$= 2 * \frac{TP}{TP + FP + FN}$$

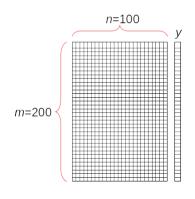
		Predicted condition	
	Total population = P + N	Positive (PP)	Negative (PN)
Actual condition	Positive (P)	True positive (TP)	False negative (FN)
	Negative (N)	False positive (FP)	True negative (TN)

## Divisão de Dados

No desenvolvimento de um modelo de *Machine Learning* levamos em consideração basicamente duas etapas, treinamento e teste. A primeira diz respeito ao processo de aprendizado do algoritmo para uma determinada tarefa, enquanto a segunda compreende a avaliação do modelo frente a dados ainda não vistos pelo mesmo. Matematicamente, o banco de dados  $\mathcal{X}$  pode ser **particionado** da seguinte forma:  $\mathcal{X} = \mathcal{X}^1 \cup \mathcal{X}^2$ , em que  $\mathcal{X}^1$  e  $\mathcal{X}^2$  denotam os conjuntos de dados de **treinamento** e **teste** 

Neste cenário, surge o problema de separação dos dados para as etapas mencionadas, ou seja, como separar os dados de forma que consigamos treinar um modelo eficientemente, e o mesmo não tenha a etapa de avaliação (teste) sub-representativa nos dados desconhecidos. Portanto, a separação deve ser cautelosa, analisando o conjunto de dados em algumas óticas, como por exemplo, o volume de dados e o balanceamento das classes, se falarmos de um problema de classificação.

Suponha um problema de classificação em que o conjunto de dados  $\mathcal X$  possui 200 instâncias (m), com 100 variáveis preditoras (n) cada, tal que  $x_i^j \in \mathbb R^n$ , e 4 classes para a variável alvo,  $y_i \in [0,3]$ .



## Como proceder se:

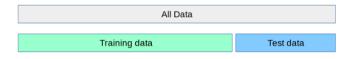
- Tivermos muitos registros com classes 0 e 1 (80% dos dados)?;
- Tivermos um banco de dados balanceado (25% para cada classe)?;
- Tivermos muitos registros com classes 0 e 1 (80% dos dados) e m = 10.000?.

## Abordagens para reamostragem de dados:

- Hold-out;
- Cross-Validation;
- Nested-Cross-Validation\*;
- Leave-One-Out Cross-Validation\*;

São utilizadas em aplicações de: estimativa de desempenho, seleção do modelo e ajuste de hiper-parâmetros.

**Hold-out** (HO) é um método simples de separação de dados empregados em modelos de Machine Learning. Utiliza um percentual fixo para separar os dados em conjuntos de treinamento e teste, como por exemplo, 70% para treinamento e o restante para teste.



O método pode ser empregado para duas situações, treinamento e avaliação de modelos, ou, treinamento, avaliação e escolha do melhor modelo. Para qualquer aplicação vale ressaltar que os dados são mutuamente exclusivos, ou seja, pertencem ao mesmo conjunto de dados mas não para a mesma finalidade.

#### Passos do método:

- Separar os dados de acordo com o percentual escolhido (geralmente 70-80% para treinamento);
- Treina o modelo com um conjunto de hyper-parâmetros escolhidos;
- Teste o modelo nos dados de teste;
- Treino um modelo final em todo conjunto de dados se necessário (deploy).

#### Drawback:

- Não usa todos os dados para treinar o modelo;
- Não garante que instâncias críticas entrem para a partição de treino;
- Limitado para pequenos volumes de dados.

## Como mitigar??

Cross-Validation (CV) é um método estatístico para avaliar e comparar algoritmos de aprendizado, utilizando a base do Hold-out (dados para treino e teste).

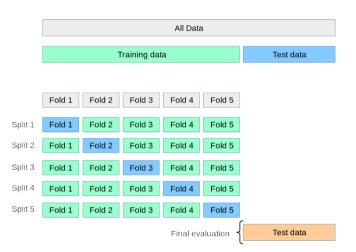
A diferença do CV para o HO está na criação de múltiplas divisões dos dados, ou seja, k partições são criadas para treinar e avaliar o modelo nos diferentes subconjuntos de dados, nomeando o método como k-fold Cross-Validation.

\*\*É interessante para avaliar bancos de dados pequenos

\*\*Para ML geralmente k = 10.

#### Passos do método:

- Aleatorizar os dados para a divisão/estratificação;
- $oldsymbol{ ilde{Q}}$  Particionar os dados igualmente (ou o mais próximo possível) em k partições;
- **1** k iterações de treinamento e validação são feitas percorrendo as respectivas partições, k-1 para treinamento e 1 para validação/teste;
- $oldsymbol{\bullet}$  O desempenho (intermediário) dos modelos treinados corresponde à média das k iterações sob o conjunto de validação.



#### Drawback:

- É computacionalmente custoso;
- Se não houver representatividade da distribuição de classes nas partições o modelo pode ter o aprendizado enviesado;
- Pode superestimar a confiança/desempenho do modelo.

Como mitigar??

**Nested-Cross-Validation** (NCV): Repete o procedimento e execução do k-fold CV dentro de cada partição k criada.

**Leave-One-Out Cross-Validation** (LOOCV): É um caso especial do k-fold CV, em que o k é igual ao número total de instâncias do banco de dados, ou seja, k=m. Uma única amostra é utilizada para testar o desempenho do modelo.