TP555 - Inteligência Artificial e Machine Learning: *Classificação Linear*

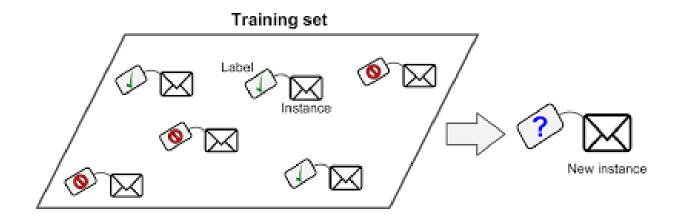


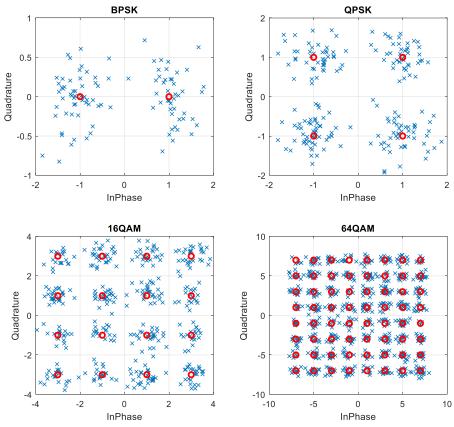
Felipe Augusto Pereira de Figueiredo felipe.figueiredo@inatel.br

Tópicos abordados

- Abordagens para classificação linear:
 - Classificação Bayesiana
 - Regressão logística
- Métricas para avaliação de classificadores.

Motivação





- Classificação de emails entre SPAM e pessoal (HAM).
- Detecção de símbolos (classificação de símbolos).

Motivação



- Reconhecimento de dígitos escritos à mão.
- Classificação de texto.

Definição do problema

Problema: atribuir a cada exemplo de entrada o *rótulo* correspondente a uma das Q classes existentes, C_q , q=1,...Q, à qual o exemplo pertence.

- o Este tipo de desafio é característico de problemas conhecidos como *classificação*.
- Semelhante ao problema da regressão linear, existe um conjunto de treinamento $\{x(i);y(i)\}_{i=0}^{N-1}$ que é utilizado para treinar um **classificador**, onde
 - $x(i) = [x_1(i) \cdots x_K(i)]^T \in \mathbb{R}^{K \times 1}$ representa o *i*-ésimo vetor exemplo de entrada, o qual é caraterizado por K atributos, x_1, \dots, x_K
 - e $y(i) \in \mathbb{R}$ representa o *i*-ésimo *rótulo*. Como veremos à seguir, y pode ser um escalar \mathbb{R}^1 ou um vetor $\mathbb{R}^{Q \times 1}$.

Representação da saída desejada

- A saída desejada para o exemplo de entrada deve ser o *rótulo* da classe à qual ele pertence.
- Sendo assim, a saída y de um *classificador*, é uma variável categórica (ou seja, discreta).
- Portanto, para realizarmos o treinamento do modelo, é necessário escolher uma representação numérica para a saída desejada, ou seja, y.
- Assim, como veremos a seguir, duas opções podem ser adotadas, dependendo do tipo de classificação a ser feita.

Representação da saída desejada

• Classificação binária: existem apenas duas classes possíveis, C_1 e C_2 . Portanto, neste caso, podemos utilizar *uma única saída escalar binária* para indicar a classe correspondente ao exemplo de entrada:

$$y(i) = \begin{cases} 0, & x(i) \in C_1 \\ 1, & x(i) \in C_2 \end{cases}$$

- Assim, $y(i) \in \mathbb{R}^1$, de maneira que o classificador realiza um mapeamento $\mathbb{R}^K \to \mathbb{R}^1$
- Também é possível utilizar y(i) = -1 para $x(i) \in C_1$.

Representação da saída desejada

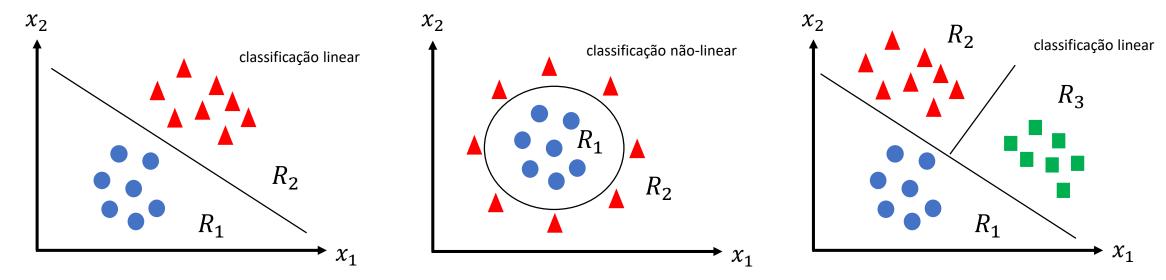
- Classificação multi-classes: existem mais de 2 classes possíveis (Q > 2).
- Uma estratégia bastante utilizada para representar estas classes é conhecida como *one-hot encoding*.
- one-hot encoding: utiliza uma representação binária para cada uma das variáveis categóricas.
- Neste caso, o *classificador* produz múltiplas saídas, cada uma representando a *possibilidade* (ou probabilidade) do padrão pertencer a uma classe específica.
- Exemplo: imaginemos um classificador de texto com quatro classes possíveis: esporte, política, ciências e variedades. Como vocês as representariam com o one-hot encoding?

esporte:	[1	0	0	$[0]^T$
política:	[0	1	0	$0]^T$
ciências:	[0	0	1	$[0]^T$
variedades	: [0	0	0	$1]^T$

Assim, $y(i) \in \mathbb{R}^{Q \times 1}$, de maneira que o classificador realiza um mapeamento $\mathbb{R}^K \to \mathbb{R}^Q$.

Fronteiras de decisão de um classificador

- O espaço de entrada \mathbb{R}^K é dividido em *regiões de decisão* R_i , i=1,...,Q, as quais são delimitadas ou separadas pelas *fonteiras de decisão*, que correspondem a *superfícies* (ou *superfícies de decisão*) no espaço dos atributos onde ocorre uma indeterminação, ou, analogamente, um empate entre diferentes classes possíveis.
- As *fronteiras de decisão* podem ser *lineares* (e.g., retas e planos) ou *não-lineares* (e.g., círculos e esferas).



Regiões de decisão em problemas de classificação binária e multi-classes.

Classificação linear

- Como vimos anteriormente, o objetivo da *classificação* é usar as características (i.e., atributos) de, por exemplo, um objeto para identificar a qual classe (ou grupo) ele pertence.
- Um *classificador linear* atinge esse objetivo tomando uma decisão de classificação com base no valor de uma *combinação linear* dos atributos.
- A saída de um classificador linear é dada por

$$y = f(\sum_{k=1}^K a_k x_k) = f(\boldsymbol{a}^T \boldsymbol{x}),$$

onde $\mathbf{x} = [1, x_1, ..., x_K]^T$ e f(.) é a **função de limiar**, que é uma função que converte o produto escalar dos dois vetores, $\mathbf{a}^T \mathbf{x}$, na saída desejada, ou seja, na classe C_q do objeto.

- Classificadores lineares sãos frequentemente usados em situações em que a velocidade da classificação é um problema, pois ele geralmente é o classificador mais rápido.
- Além disso, os *classificadores lineares* geralmente funcionam muito bem quando o número de atributos é grande, como no caso da classificação de documentos.

Teoria bayesiana de decisão

- A teoria bayesiana de decisão é uma abordagem estatística para o problema de classificação.
- Ela explora o conhecimento de probabilidades ligadas às classes e aos atributos, bem como dos *custos* associados a cada decisão, para realizar a classificação de cada novo exemplo.
- **Definições**: Considere que um exemplo (conjunto de atributos) a ser classificado seja descrito por um vetor de atributos $x \in \mathbb{R}^{K \times 1}$. Cada exemplo pertence a uma, e somente uma, classe C_q , sendo que existem ao todo Q classes possíveis.
 - $P(C_q)$ denota a probabilidade **a priori** associada à classe C_q .
 - Em outras palavras, $P(C_q)$ indica a probabilidade de um exemplo arbitrário (e desconhecido) pertencer à classe C_q .

Teoria Bayesiana de decisão

- Agora suponha, que um exemplo x seja observado. De posse do conhecimento das características deste exemplo, qual deve ser a decisão quanto à classe a que ele pertence?
 - Uma opção intuitiva e bastante poderosa é escolher a classe que se mostre a mais provável tendo em vista os atributos específicos do exemplo, x.
 - Ou seja, a decisão é tomada em favor da classe cuja probabilidade a posteriori (ou seja, já levando em consideração o conhecimento do vetor de atributos) seja máxima.
 - \circ A probabilidade *a posteriori* corresponde à probabilidade condicional $P(C_a|x)$.
 - \circ Como calculamos $P(C_a|x)$?
- Teorema de Bayes

$$P(C_q|\mathbf{x}) = \frac{P(\mathbf{x}|C_q)P(C_q)}{P(\mathbf{x})}$$

onde o termo $P(x|C_q)$ é denominado de *verossimilhança* (*likelihood*) e o termo P(x) é normalmente chamado de *evidência*.

Máxima probabilidade a posteriori (MAP)

• A opção intuitiva sugerida anteriormente é conhecida como o critério ou decisor da *máxima probabilidade a posteriori* (MAP, do inglês *maximum a posteriori probability*), cuja decisão para o padrão x é dada pela classe C_a que maximiza $P(C_i|x)$, ou seja, em forma matemática:

MAP:
$$C_q = \arg \max_{C_i, i=1,...,Q} P(C_i|\mathbf{x})$$
.

• Observe que, com base no teorema de Bayes, a solução para a equação acima é equivalente àquela que maximiza o numerador, $P(x|C_i)P(C_i)$, de forma que:

MAP:
$$C_q = \arg \max_{C_i, i=1,...,Q} P(\boldsymbol{x}|C_i)P(C_i),$$

já que o denominador P(x) não depende das classes testadas, servindo apenas como fator de escala no critério.

Máxima verossimilhança (ML)

- O decisor de máxima verossimilhança (ML, do inglês maximum likelihood) parte do pressuposto de que não há informação estatística consistente sobre as classes, i.e., sobre $P(C_i)$.
- Portanto, o critério ML toma a decisão em favor da classe que apresenta o maior valor para a probabilidade $P(x|C_i)$. Neste sentido, o ML escolhe a classe C_a mais plausível ou mais verossímil em relação ao padrão observado:

$$ML: C_q = \arg \max_{C_i, i=1,...,Q} P(\boldsymbol{x}|C_i)$$

• **OBS**.: se compararmos as expressões associadas aos critérios MAP e ML, percebemos que a diferença fundamental entre eles reside no fato de o MAP explicitamente incorporar o conhecimento das **probabilidades a priori**, i.e., $P(C_i)$. Curiosamente, quando temos um cenário em que as classes são equiprováveis, i.e., $P(C_i) = 1/Q$ e independentes do índice, i. Então, maximizar a **probabilidade a posteriori** fornecerá a mesma solução que o ML.

Exemplo: diagnóstico de doenças

Vamos supor que estamos trabalhando no diagnóstico de uma nova doença, e que fizemos testes em 100 indivíduos distintos. Após coletarmos os resultados, descobrimos que 20 deles possuíam a doença (20%) e 80 estavam saudáveis (80%), sendo que dos indivíduos que possuíam a doença, 90% receberam positivo no teste da doença, e 30% deles que não possuíam a doença também receberam o teste positivo.

• **Pergunta**: Se uma novo indivíduo realizar o teste e receber um resultado positivo, qual a probabilidade de ele realmente possuir a doença?

Exemplo: diagnóstico de doenças (Solução)

Informações que possuímos:

2 classes: possui doença e não possui doença	1 atributo: resultado do teste: + ou –
--	--

- Pergunta em forma probabilistica: P(doença|+), ou seja, probabilidade do indivíduo ter a doença dado que o resultado observado é positivo?
- Probabilidades:

P(+ doença) = 0.9	P(+ sem_doença) = 0.3	
<i>P</i> (doença) = 0.2	P(sem_doença) = 0.8	
$P(+) = P(+ \text{doença})P(\text{doença}) + P(+ \text{sem_doença})P(\text{sem_doença}) = 0.42$		

A probabilidade dele não ter a doença mesmo tendo

Usando o teorema de Bayes

$$P(\text{doença}|+) = \frac{P(+|\text{doença})P(\text{doença})}{P(+)} = 0.429$$
 seu teste positivo é de aproximadamente 57%, ou seja, a probabilidade de **falsos positivos** é alta. Portanto, este não é um teste confiável. $P(\text{sem_doença}|+) = \frac{P(+|\text{sem_doença})P(\text{sem_doença})}{P(+)} = 0.571$

Classificador naïve Bayes

- São classificadores que assumem que os *atributos* são *estatisticamente independentes* uns dos outros.
- Ou seja, a alteração do valor de um atributo, não influencia diretamente ou altera o valor de qualquer um dos outros atributos.
- Assim a probabilidade da classe C_q dado o vetor de atributos $oldsymbol{x}$ pode ser reescrita como

$$P(C_q | \mathbf{x} = [x_1 \quad \cdots \quad x_K]^T) = \frac{P(\mathbf{x} | C_q) P(C_q)}{P(\mathbf{x})} = \frac{P(x_1 | C_q) \dots P(x_K | C_q) P(C_q)}{P(x_1) \dots P(x_K)}$$

• Com a independência dos atributos, os decisores MAP e ML são dados por

MAP:
$$C_q = \arg \max_{C_i, i=1,...,Q} P(x_1|C_i) ... P(x_K|C_i) P(C_i),$$

ML: $C_q = \arg \max_{C_i, i=1,...,Q} P(x_1|C_i) ... P(x_K|C_i).$

 Aplicações típicas do classificador naive Bayes incluem filtragem de spam, classificação de documentos e previsão de sentimentos.

Classificador naïve Bayes

Vantagens

- Fácil de ser implementado e altamente escalável.
- Funciona bem mesmo com poucos dados.
- Rápido para realizar as classificações, e portanto, pode ser utilizado em aplicações de tempo-real.
- Além de simples, ele é conhecido por apresentar performance melhor do que métodos de classificação altamente sofisticados em algumas aplicações.

Desvantagens

- Assume que todos os atributos são independentes, o que muitas vezes não é verdade na prática.
- Não consegue classificar caso uma das probabilidades condicionais seja igual a zero, mas existem formas de se driblar esse problema (e.g., técnica da suavização de Laplace).
- É necessário se conhecer ou se assumir as probabilidades condicionais dos atributos.

Tipos de classificadores naïve Bayes

- Na prática, as probabilidades condicionais dos atributos x_k de uma classe, C_q , $P(x_k|C_q)$, $\forall k$, são geralmente modeladas usando-se o mesmo tipo de distribuição de probabilidade, como as distribuições Gaussiana, Multinominal e de Bernoulli.
- Portanto, tem-se 3 tipos diferentes de classificadores dependendo da suposição feita para a probabilidade condicional $P(x_k|\mathcal{C}_q)$:
 - Classificador naïve Bayes Gaussiano
 - Classificador naïve Bayes Multinomial
 - Classificador naïve Bayes Bernoulli

Classificador naïve Bayes Gaussiano

- Quando lidamos com *atributos* x_1 , ..., x_K , que apresentam *valores contínuos*, uma suposição típica é que os valores dos atributos sejam distribuídos de acordo com uma *distribuição normal* (ou Gaussiana).
- Para se encontrar os parâmetros do classificador faz-se o seguinte:
 - Primeiro, segmenta-se os atributos, $x_1, ..., x_K$, de acordo com a classe a que pertencem;
 - Em seguida, calcula-se a média, μ_{x_k,C_q} , e a variância, $\sigma^2_{x_k,C_q}$, de cada atributo x_k em relação à classe, C_q , a que pertence.
- Assim, a probabilidade condicional $P(x_k|C_q)$ pode ser calculada inserindo-se o valor de x_k na equação da distribuição Normal parametrizada com μ_{x_k,C_q} e $\sigma^2_{x_k,C_q}$.

$$P(x_k|C_q) = \frac{1}{\sigma_{x_k,C_q}^2 \sqrt{2\pi}} e^{-(x_k - \mu_{x_k,C_q})^2 / 2\sigma_{x_k,C_q}^2}.$$

 Essa é outra suposição forte, pois muitos atributos não seguem uma distribuição normal. Embora isso seja verdade, supondo uma distribuição normal torna os cálculos muito mais fáceis.

Exemplo: Probabilidade da prática de esportes

Nesse exemplo vamos usar o classficador Naive Bayes Gaussiano para calcular a probabilidade dos jogadores jogarem ou não, com base nas condições climáticas. Baseado nos dados abaixo, qual a probabilidade dos jogadores jogarem se temperatura = 25 °C e humidade = 62%?

Temperatura [°C]	Humidade [%]	Jogar?
29.44	85	Não
26.67	90	Não
28.33	86	Sim
21.11	96	Sim
20.00	80	Sim
18.33	70	Não
17.78	65	Sim
22.22	95	Não
20.56	70	Sim
23.89	80	Sim
23.89	70	Sim
22.22	90	Sim
27.22	75	Sim
21.67	91	Não

Exemplo: Probabilidade da prática de esportes

Primeiro, precisamos calcular a média e variância para cada atributo, ou seja, para temperatura e humidade.

Temperatura [°C]		
E[temp. jogar=sim]	22.78	
std(temp. jogar=sim)	3.42	
E[temp. jogar=não]	23.67	
std(temp. jogar=não)	4.39	

Humidade [%]			
E[hum. jogar=sim]	79.11		
std(hum. jogar=sim)	10.22		
E[hum. jogar=não]	86.20		
std(hum. jogar=não)	9.73		

$$P(\text{temp.=25 | jogar=sim}) = \frac{1}{3.42\sqrt{2\pi}} e^{-(25-22.78)^2/2(3.42)^2} = 0.0944 \qquad P(\text{hum.=62 | jogar=sim}) = \frac{1}{10.22\sqrt{2\pi}} e^{-(62-79.11)^2/2(10.22)^2} = 0.0096$$

$$P(\text{temp.=25 | jogar=não}) = \frac{1}{4.39\sqrt{2\pi}} e^{-(25-23.67)^2/2(4.39)^2} = 0.0869 \qquad P(\text{hum.=62 | jogar=não}) = \frac{1}{9.73\sqrt{2\pi}} e^{-(62-86.2)^2/2(9.73)^2} = 0.0019$$

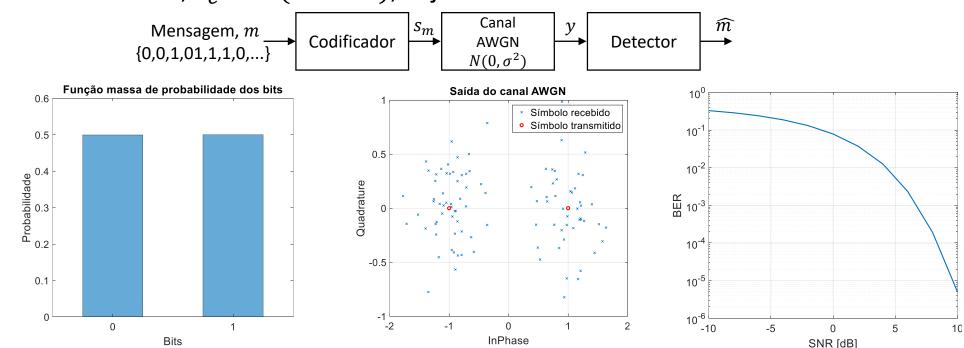
Agora calculamos as probabilidades:

- $P(\text{jogar}=\text{sim} \mid \text{temp.}=25, \text{hum.}=62) = P(\text{temp.}=25 \mid \text{jogar}=\text{sim}) P(\text{hum.}=62 \mid \text{jogar}=\text{sim}) P(\text{jogar}=\text{sim}) = 5.83e-4$
- $P(\text{jogar}=\text{n}\tilde{\text{a}}\text{o} \mid \text{temp.}=25, \text{hum.}=62) = P(\text{temp.}=25 \mid \text{jogar}=\text{n}\tilde{\text{a}}\text{o}) P(\text{hum.}=62 \mid \text{jogar}=\text{n}\tilde{\text{a}}\text{o}) P(\text{jogar}=\text{n}\tilde{\text{a}}\text{o}) = 5.78e-5$

Portanto, a probabilidade é maior para o caso deles jogarem.

Exemplo: Detecção de símbolos BPSK em canais AWGN

- Imagine um codificador que converte o m-ésimo bit de uma mensagem composta por 0s e 1s nos símbolos s_0 = -1 e s_1 = 1, para m=0 e 1, respectivamente.
- Em seguida, os símbolos codificados passam por um canal AWGN cuja saída é dada por $y = s_m + w$, onde $w \sim N(0, \sigma^2)$.
- Finalmente, o detector tem a tarefa de recuperar os bits transmitidos de tal forma que a probabilidade de erro, $P_e = P(\widehat{m} \neq m)$, seja minimizada.



Exemplo: Detecção de símbolos BPSK em AWGN

• Detector MAP para esse problema é dado por:

$$S_m = \arg \max_{S_m, m=0,1} P(S_m|y) = \arg \max_{S_m, m=0,1} P(y|S_m)P(S_m)$$

• Se o símbolo s_0 é transmitido, então o sinal recebido é dado por: $y=s_0+w$

$$P(y|s_0) = \frac{1}{\sigma\sqrt{2\pi}}e^{-(y+1)^2/2\sigma^2}.$$

• Se o símbolo s_1 é transmitido, então o sinal recebido é dado por: $y = s_1 + w$

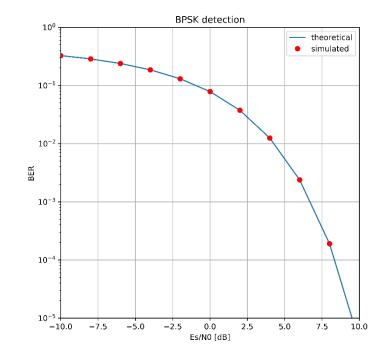
$$P(y|s_1) = \frac{1}{\sigma\sqrt{2\pi}} e^{-(y-1)^2/2\sigma^2}.$$

• Como $P(S_0) = P(S_1) = 1/2$, então o detector MAP é equivalente ao ML, e assim

$$S_m = \arg \max_{S_m, m=0,1} \frac{1}{\sigma \sqrt{2\pi}} e^{-(y-S_m)^2/2\sigma^2} = \arg \max_{S_m, m=0,1} (y-S_m)^2.$$

Exemplo: Detecção BPSK com Scikit-Learn

```
# Import all necessary libraries.
import numpy as np
                                                           Importa classe GaussianNB do
from scipy.special import erfc
                                                           módulo naive bayes do biblioteca
from sklearn.naive bayes import GaussianNB
                                                           SciKit-Learn.
from sklearn.model selection import train test split
# Number of BPSK symbols to be transmitted.
                                                           Instancia objeto da classe
N = 1000000
                                                           GaussianNB.
# Instantiate a Gaussian naive Bayes classifier.
gnb = GaussianNB() <
# Create Es/NO vector.
EsNOdB = np.arange(-10,12,2)
ber theo = ber simu = np.zeros(len(EsN0dB))
for idx in range(0,len(EsN0dB)):
  EsNOLin = 10.0**(-(EsNOdB[idx]/10.0))
  # Generate N BPSK symbols.
  x = (2.0 * (np.random.rand(N) >= 0.5) - 1.0).reshape(N, 1)
  # Generate noise vector
  noise = np.sqrt(EsN0Lin/2.0)*np.random.randn(N, 1)
                                                                        Divide o conjunto em
  # Pass symbols through AWGN channel.
                                                                        treinamento e validação.
  y = x + noise
  # Split array into random train and test subsets.
  x test, x train, y test, y train = train test split(x, y, random state=42)
  # Fit.
                                                                     Treina o classificador com
  gnb.fit(y_train, x_train.ravel()) 
                                                                    conjunto de treinamento.
  # Predict.
  detected_x = gnb.predict(y_test).reshape(len(y_test), 1) \u2224
  # Simulated BPSK BER.
                                                                      Executa a classificação com
  ber simu[idx] = 1.0 * ((x_test != detected_x).sum()) / len(y_test)
                                                                      conjunto de validação.
  # Theoretical BPSK BER.
  ber theo[idx] = 0.5*erfc(np.sqrt(10.0**((EsN0dB[idx]/10.0))))
```



Exemplo: bpsk detection.ipynb

Curva simulada se aproxima da teórica.



Classificador naïve Bayes Multinomial

- Com um classificador naïve Bayes multinomial, os *atributos* são *discretos* e representam as frequências com as quais determinados eventos são gerados por uma distribuição multinomial, com probabilidades (p_1, p_2, \dots, p_K) , onde p_k é a probabilidade de que o evento k ocorra.
- Desta forma, o vetor de atributos $\mathbf{x} = [x_1, x_2, ..., x_K]^T$ é então, um **histograma**, com x_k contando o número de vezes que o evento k foi observado em uma instância específica.
- Este classificador é normalmente usado para classificação de documentos, com eventos representando a ocorrência de uma palavra no documento.
- ullet A probabilidade de observar um histograma $oldsymbol{x}$ é dada por

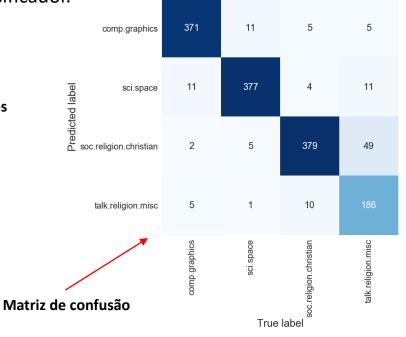
$$P(\boldsymbol{x}|C_q) = \frac{(\sum_k x_k)!}{\prod_k x_k!} \prod_k p_{qk}^{x_k},$$

onde p_{qk} é a probabilidade da classe C_q gerar o atributo x_k .

Exemplo: classificador multinomial com Scikit-Learn

```
# Import all necessary libraries.
from sklearn.datasets import fetch 20newsgroups
from sklearn.naive bayes import MultinomialNB
from sklearn.feature extraction.text import CountVectorizer
from sklearn.pipeline import make pipeline
                                                   Base com 20 tópicos diferentes de
from sklearn.metrics import confusion matrix
                                                   discussão.
# Use the "20 Newsgroups corpus" from seikit to show how we might classify these
short documents into categories.
                                                   Treinamos e validamos com apenas
data = fetch 20newsgroups() 4
                                                    4 tópicos.
data.target names
# Select just a few of these categories, and download the training and testing set.
categories = ['talk.religion.misc', 'soc.religion.christian', 'sci.space', 'comp.graphics']
train = fetch 20newsgroups(subset='train', categories=categories)
test = fetch 20newsgroups(subset='test', categories=categories)
                                                                      Converte o texto em um
                                                                      conjunto de valores numéricos
# Convert a collection of text documents to a matrix of token counts.
                                                                      representativos, ou seja, uma
cv = CountVectorizer()
                                                                      matriz com o número de
# Naive Bayes classifier for multinomial models.
                                                                      ocorrências de cada palavra.
mnb = MultinomialNB()
# Create a pipeline that attaches the vectorizer to a multinomial naive Bayes
classifier.
model = make pipeline(cv, mnb)
# Train model. Apply the model to the training data.
model.fit(train.data, train.target)
                                                     Treinamento e validação do classificador.
# Run validation. Predict labels for the test data
labels = model.predict(test.data) -
```

- Classificação de textos em categorias/classes.
- Esse exemplo usa uma base de dados de grupos de discussão disponibilizada pela biblioteca Scikit-learn.
- Ele classifica textos em 4 classes: 'religião', 'cristianismo', 'espaço' e 'computadores'.
- O objeto da classe *CountVectorizer* cria uma matriz registrando o número de vezes que cada palavra aparece.
- A *matriz de confusão* é usada para verificar a performance do classificador.



Exemplo: ClassifyingTextMultinomialNB.ipynb

Classificador naïve Bayes Bernoulli

- Esse classificador é baseado na distribuição de Bernoulli, que é uma *distribuição* binária.
- Portanto, esse classificador considera que os atributos são variáveis binárias (i.e., booleanos) independentes, ou seja, o atributo pode estar presente (True) ou ausente (False).
- Assim como o classificador multinomial, esse classificador é utilizado para tarefas de classificação de documentos, onde atributos binários da ocorrência de termos são usados em vez da frequências de termos.
- Se x_k é um atributo booleano que expressa a ocorrência ou ausência do i-ésimo termo de um vocabulário de termos (i.e., palavras), então a probabilidade de um documento pertencer à classe \mathcal{C}_a é dado por

$$P(x|C_q) = \prod_k p_{qk}^{x_k} (1 - p_{qk})^{(1-x_k)},$$

onde p_{qk} é a probabilidade da classe C_q gerar o termo x_k .

• Esse classificador é bastante utilizado para classificar textos curtos e tem o benefício de classificar explicitamente a ausência de termos.

Exemplo: classificador Bernoulli com Scikit-Learn

```
# Import all necessary libraries.
import pandas as pd
from sklearn.naive bayes import BernoulliNB
from sklearn.feature extraction.text import CountVectorizer
from sklearn.model selection import train test split
                                                        Download da base de dados.
# Read SMS data base with pandas.
url = 'https://raw.githubusercontent.com/justmarkham/pycon-2016-tutorial/master/data/sms.tsv'
sms = pd.read table(url, header=None, names=['label', 'message'])
                                                             Converte labels em
# Convert label to a numerical variable
                                                             valores discretos.
sms['label num'] = sms.label.map({'ham':0, 'spam':1})
# Create feature and label vectors.
X = sms.message
                                                                Divide a base de dados
y = sms.label_num
                                                                em 75% treinamento e
                                                                25% validação.
# Split array into random train and test subsets.
X train, X test, y train, y test = train test split(X, y, random state=42)
                                                                          Cria matriz booleana
# Convert a collection of text documents into a matrix of token counts.
                                                                          indicando ou não a
vect = CountVectorizer(binary=True) 
                                                                          presença de uma palavra.
# Learn the vocabulary dictionary and return term-document matrix.
X train t = vect.fit transform(X train)
# Instantiate a Bernoulli Naive Bayes model.
                                                    Treinamento do classificador.
nb = BernoulliNB(binarize=None)
# Train the MultinomialNB model.
                                                                 Cria matriz boolena com a
nb.fit(X train t, y train)
                                                                 presença ou não de uma palavra
# Transform document into document-term matrix.
                                                                 para a base de validação
X test t = vect.transform(X test)
# Perform classification on an array of test vectors X test t.
```

Validação do classificador.

y pred class = nb.predict(X test t)

- Classificação de mensagens entre SPAM e não-SPAM (HAM).
- Esse exemplo usa uma base de dados de mensagens SMS baixada do GitHub.
- Ele classifica as mensagens em 2 classes: 'SPAM' e 'HAM'.
- O objeto da classe *CountVectorizer* cria uma matriz registrando se uma palavra aparece ou não (booleano) em cada mensagem.

A *matriz de confusão* é usada para verificar a performance do classificador. **Positivo** Positivo falso verdadeiro (false (true positive) 1207 30 positive) predicted label Negativo Negativo verdadeiro falso 156 (False (true negative) negative) ham spam true label

Exemplo: SPAMClassificationBernoulliNB.ipynb

Tópicos abordados na aula de hoje

- Classificadores lineares com limiar rígido.
- Regressão logística.
- Métricas para avaliação de classificadores.

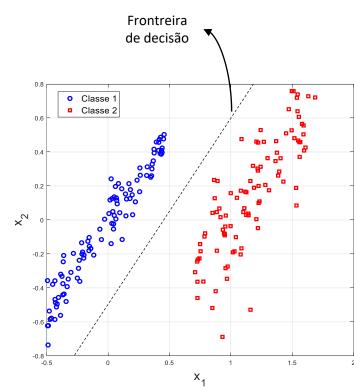
Classificadores lineares com limiar de decisão rígido

- Funções lineares podem ser utilizadas em tarefas de regressão e classificação.
- Dado um conjunto de treinamento, a tarefa do classificador é a de **aprender** uma **hipótese** h que receberá um novo e desconhecido exemplo (e.g., x_1 e x_2) e retornará $\mathbf{0}$ caso sua classe seja C_1 (**classe negativa**) ou $\mathbf{1}$ caso ela seja C_2 (**classe positiva**).
- Uma *fronteira de decisão* é uma linha (ou superfície, em altas dimensões) que separa as classes.
- No exemplo da figura ao lado, a *fronteira de decisão* é uma linha reta.
- Uma *fronteira de decisão linear* é chamada de *separador linear* e dados que admitem tal separador são chamados de *linearmente separáveis*.
- Portanto, para o exemplo ao lado, podemos definir a hipótese de classificação como

$$h_a(x) = 1$$
 se $x^T a \ge 0$ e 0 caso contrário.

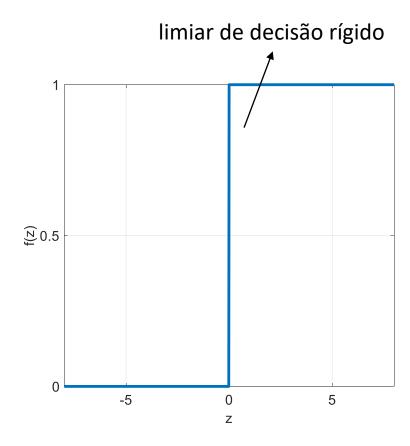
• Alternativamente, nós podemos expressar h como sendo o resultado de passar a função linear a^Tx através de uma **função de limiar rígido** f(.)

$$h_a(x) = f(x^T a)$$
, onde $f(z) = 1$ se $z \ge 0$ e 0 caso contrário.



Classificadores lineares com limiar de decisão rígido

- A **função de limiar rígido** é mostrada na figura ao lado.
- Agora que a **hipótese** $h_a(x)$ tem uma forma matemática bem definida, nós podemos pensar em como escolher os pesos a que minimizem o erro de classificação.
- No caso da regressão linear, nós fizemos isso de duas maneiras: (i) de forma fechada (através da equação normal) fazendo o gradiente igual a zero e resolvendo a equação para os pesos; (ii) e através do gradiente descendente.
- Entretanto, com a *função de limiar rígido* que escolhemos e mostrada na figura, nenhuma das duas abordagens é possível devido ao fato do *gradiente* ser zero em todos os pontos do espaço de pesos exceto nos pontos onde $x^T a = 0$, e mesmo assim, o *gradiente* é indeterminado nesses pontos.
- Portanto, o que podemos fazer?



Classificação linear com regressão logística

- Além do fato de que a **hipótese** $h_a(x)$ não ser **diferenciável** e ser de fato, uma função **descontínua**, nós percebemos que com a **função de limiar rígida** o **classificador** sempre anuncia uma **previsão** completamente confiante de 0 ou 1, mesmo para exemplos muito próximos da **fronteira de decisão**.
- Em muitas situações, nós precisamos de previsões mais graduadas.
- Todos esses problemas podem ser resolvidos em grande parte com a suavização da função de limiar rígida através de sua aproximação com uma função que seja contínua e diferenciável.
- A função logística (ou função sigmóide), mostrada na figura ao lado e definida como

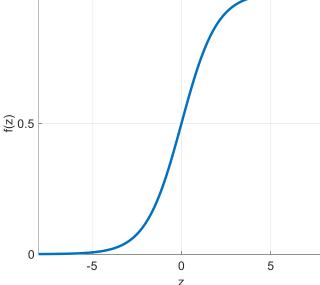
$$Logistic(z) = \frac{1}{1 + e^{-z}},$$

apresenta tais propriedades matemáticas.

Utilizando a *função logística* como *função de limiar*, temos

$$h_{a}(x) = Logistic(x^{T}a) = \frac{1}{1 + e^{-x^{T}a}} \in [0, 1].$$

- Perceba que a saída será um número entre 0 e 1, o qual pode ser interpretado como uma **probabilidade** de um dado exemplo pertencer à classe \mathcal{C}_2 (ou seja, a **classe positiva**).
- A hipótese $h_a(x)$ forma uma **fronteira de decisão** suave, a qual confere a probabilidade de 0.5 para entradas no centro da região de decisão e se aproxima de 0 ou 1 conforme a posição do exemplo se distancia da fronteira.



A função logística realiza um mapeamento $\mathbb{R} \to [0,1]$.

Regressão logística

- A *regressão logística* (também chamada de *regressão logit*) é um método para *classificação binária*. Ela classifica os exemplos (ou pontos) de um conjunto de dados em duas classes distintas, ou seja, é ótima para situações em que você precisa classificar entre duas classes, C_1 e C_2 .
- A *regressão logística* estima a *probabilidade* de um exemplo pertencer a uma classe específica (por exemplo, qual é a probabilidade de uma dado email ser spam?).
- Se a *probabilidade* estimada para o exemplo for maior que ou igual a 50%, o classificador prediz que o exemplo pertence a essa classe (denominada *classe positiva*, rotulada como 1), ou então prediz que não pertence (ou seja, pertence à *classe negativa*, rotulada como 0). Ou seja

Classe =
$$\hat{y} = \begin{cases} 0 \text{ (classe } C_1), \text{ se } h_a(x) < 0.5 \\ 1 \text{ (classe } C_2), \text{ se } h_a(x) \ge 0.5 \end{cases}$$

- Note que Logistic(z) < 0.5 quando z < 0 e $Logistic(z) \ge 0.5$ quando $z \ge 0$, portanto, o modelo de **regressão logística** prediz a classe C_2 (i.e., $\hat{y} = 1$) se $x^T a$ for positivo e C_1 (i.e., $\hat{y} = 0$) se for negativo.
- Como vimos, a *regressão logística* funciona usando uma *combinação linear* de *atributos*, para que várias fontes de informação possam governar a saída do modelo. Os *parâmetros do modelo* são os *pesos* dos vários *atributos* e representam sua importância relativa para o resultado.
- Mesmo sendo uma técnica simples, a *regressão logística* é muito utilizada em várias aplicações do mundo real em áreas como medicina, marketing, análise de crédito, saúde pública entre outras.

Propriedades da regressão logística

- Os valores de saída da *função hipótese* $h_a(x)$ ficam restritos entre o intervalo $0 \le h_a(x) \le 1$.
- A saída de $h_a(x)$ representa a **probabilidade** do vetor de atributos x pertencer à classe positiva, C_2 , para qual a saída desejada é y=1. Ou seja, $h_a(x)=P(C_2|x;a)$.
- Assim, consequentemente, $(1 h_a(x)) = P(C_1 | x; a)$.
- A *fronteira de decisão* é determinada quando quando há uma *indecisão* entre as classes, ou seja, quando $P(C_1 | x; a) = P(C_2 | x; a)$, que ocorre quando $P(C_2 | x; a) = h_a(x) = 0.5$.
- Observando a figura da *função logística*, nós percebemos que Logistic(z) = 0.5 quando z = 0.
- Desta forma, a *fronteira de* decisão é caracterizada por

$$\mathbf{x}^T \mathbf{a} = a_0 + a_1 x_1 + \dots + a_K x_K = 0,$$

e corresponde a um hiperplano.

• A saída do classificador, \hat{y} , já discretizada, é dada por

$$\hat{y} = \begin{cases} 0 \text{ (classe } C_1), \text{ se } h_a(x) < 0.5\\ 1 \text{ (classe } C_2), \text{ se } h_a(x) \ge 0.5 \end{cases}$$

Função de erro

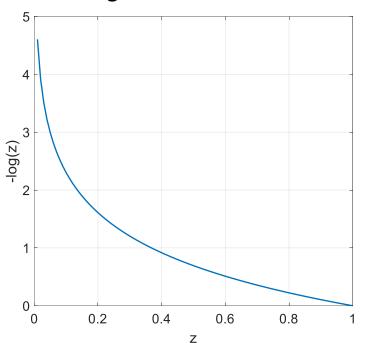
- Adotar o erro quadrático médio como função de erro não é uma escolha muito acertada para a adaptação dos pesos no caso da regressão logística.
- A função de erro utilizando o erro quadrático médio é dada por

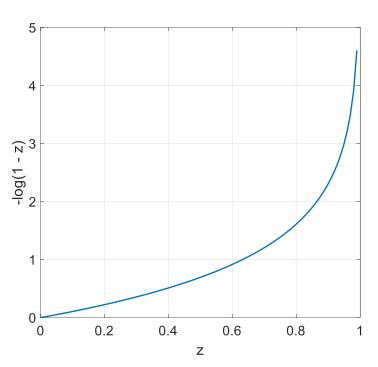
$$J_e(a) = \frac{1}{N} \sum_{i=1}^{N} (y(i) - h_a(x))^2 = \frac{1}{N} \sum_{i=1}^{N} (y(i) - Logistic(x^T a))^2.$$

- Como Logistic(.) é uma função não-linear, $J_e(a)$ não será consequentemente uma função convexa, de forma que a superfície de erro pode apresentar mínimos locais que vão dificultar o aprendizado.
- Ideia: adotar uma função que melhor se adapte às características do problema de tal forma que a *superfície de erro* resultante seja *convexa*.
- Uma proposta intuitiva para a *função de erro* é dada por

$$Erro(h_a(\mathbf{x}); y) = \begin{cases} -\log(h_a(\mathbf{x})), & \text{se } y = 1\\ -\log(1 - h_a(\mathbf{x})), & \text{se } y = 0 \end{cases}$$

Função de erro





As figuras ao lado mostram as duas situações possíveis para a *função de erro*. Como podemos observar, a penalização aplicada a cada saída reflete o *erro de classificação*.

• O uso dessa *função de erro* faz sentido pois:

- \circ O valor de $-\log(z)$ se torna muito grande quando z se aproxima de 0, então o erro será grande se o classificador estimar uma probabilidade próxima a 0 para um exemplo positivo (i.e., pertencente à classe C_2)
- \circ O valor de $-\log(1-z)$ será muito grande se o classificador estimar uma probabilidade próxima de 1 para um exemplo negativo (i.e., pertencente à classe C_1) .
- \circ Por outro lado, $-\log(z)$ se torna próximo de 0 quando z se aproxima de 1, portanto, o erro será próximo de 0 se a probabilidade estimada for próxima de 1 para um exemplo positivo.
- \circ O valor $\log(1-z)$ se torna próximo de 0 quando z se aproxima de 0, portanto, o erro será próximo de 0 para um exemplo negativo.

Função de erro

 Nós podemos reduzir a definição da função de erro a uma expressão única, dada por

$$Erro(h_{a}(x); y) = \underbrace{-y \log(h_{a}(x))}_{\text{S\'o exerce influência no erro se } y=1} \underbrace{-(1-y) \log(1-h_{a}(x))}_{\text{S\'o exerce influência no erro se } y=0}.$$

• Com isto, podemos definir a seguinte *função de erro*:

$$J_e(\mathbf{a}) = -\frac{1}{N} \sum_{i=0}^{N-1} y(i) \log(h_{\mathbf{a}}(\mathbf{x}(i))) + (1 - y(i)) \log(1 - h_{\mathbf{a}}(\mathbf{x}(i))).$$

- A má notícia aqui é que não existe uma *equação de forma fechada* conhecida para calcular o valor dos pesos a que minimize essa *função de erro* (ou seja, não há um equivalente da *Equação Normal*).
- A boa notícia é que essa função de erro é convexa e portanto, é garantido que o algoritmo do gradiente descendente encontre o mínimo global (dado que a taxa de aprendizagem não seja muito grande e você espere tempo suficiente).

Processo de treinamento

- Semelhante ao que fizemos com a regressão linear, vamos apresentar em seguida o algoritmo do gradiente descendente para a minimização da função de erro apresentada anteriormente.
- Antes de encontrarmos o **vetor gradiente** de $J_e(a)$, vamos reescrever a **função de erro** utilizando as seguintes equivalências

$$\log(h_{a}(x(i))) = \log\left(\frac{1}{1 + e^{-x(i)^{T}a}}\right) = -\log\left(1 + e^{-x(i)^{T}a}\right),$$

$$\log(1 - h_{a}(x(i))) = \log\left(1 - \frac{1}{1 + e^{-x(i)^{T}a}}\right) = -x(i)^{T}a - \log\left(1 + e^{-x(i)^{T}a}\right).$$

• Assim, a nova expressão para a *função de erro* é dada por

$$J_e(a) = -\frac{1}{N} \sum_{i=0}^{N-1} -y(i) \log \left(1 + e^{-x(i)^T a} \right) + (1 - y(i)) \left[-x(i)^T a - \log \left(1 + e^{-x(i)^T a} \right) \right]$$

Processo de treinamento

• O termo $-y(i)\log\left(1+e^{-x(i)^Ta}\right)$ é cancelado com um dos elementos gerados a partir do produto envolvido no segundo termo, de forma que

$$J_e(a) = -\frac{1}{N} \sum_{i=0}^{N-1} -x(i)^T a + y(i) x(i)^T a - \log \left(1 + e^{-x(i)^T a}\right).$$

• Se $x(i)^T a = -\log(e^{x(i)^T a})$, então

$$-\mathbf{x}(i)^T \mathbf{a} - \log\left(1 + e^{-\mathbf{x}(i)^T \mathbf{a}}\right) = -\log\left(1 + e^{\mathbf{x}(i)^T \mathbf{a}}\right).$$

• Desta forma, a *função de erro* se torna

$$J_e(a) = -\frac{1}{N} \sum_{i=0}^{N-1} y(i) x(i)^T a - \log \left(1 + e^{x(i)^T a} \right).$$

Processo de treinamento

• Assim, o vetor gradiente do primeiro termo da equação anterior é dado por

$$\frac{\partial [y(i)\mathbf{x}(i)^T \mathbf{a}]}{\partial \mathbf{a}} = y(i)\mathbf{x}(i)^T$$

• O *vetor gradiente* do segundo termo é dado por

$$\frac{\partial \left[\log\left(1 + e^{x(i)^{T} a}\right)\right]}{\partial a} = \frac{1}{1 + e^{x(i)^{T} a}} e^{x(i)^{T} a} x(i)^{T} = \frac{1}{1 + e^{-x(i)^{T} a}} x(i)^{T} = h_{a}(x(i)) x(i)^{T}.$$

 Portanto, combinando os 2 resultados acima, temos que o vetor gradiente da função de erro é dado por

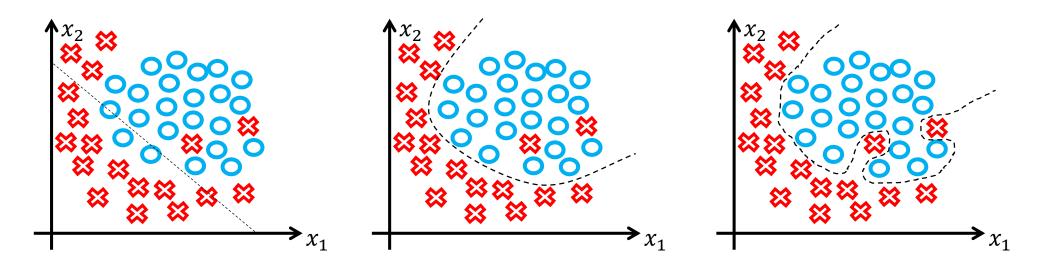
$$\frac{\partial J_e(a)}{\partial a} = -\frac{1}{N} \sum_{i=0}^{N-1} y(i) x(i)^T - h_a(x(i)) x(i)^T = \frac{1}{N} \sum_{i=0}^{N-1} [h_a(x(i)) - y(i)] x(i)^T$$

- Depois de obter o vetor gradiente, podemos usá-lo no algoritmo do gradiente descendente em batelada.
- Para o gradiente descendente estocástico, usamos apenas um exemplo de cada vez, e para o gradiente descendente em mini-batch, usamos um mini-batch por vez.
- A atualização dos pesos é dada por

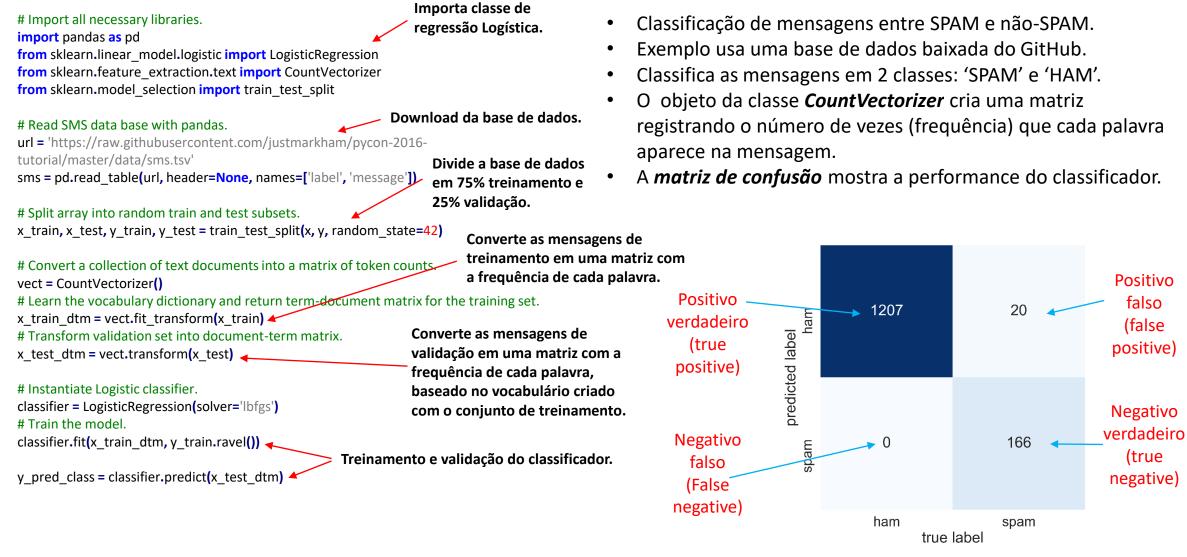
$$a = a - \alpha \frac{\partial J_e(a)}{\partial a}.$$

Observações

- A expressão do **vetor gradiente** da **função de erro**, para a **regressão logística** é similar àquela obtida para a **regressão linear** com o critério dos **quadrados mínimos**.
- A *regressão logística* também pode ser facilmente estendida para incorporar termos *polinomiais* envolvendo os atributos de entrada (e.g., x_1^2 , x_2^2). Desta forma, pode-se produzir *fronteiras de decisão não-lineares*.
- Assim como nós discutimos no caso da regressão linear, modelos de regressão logística também estão sujeitos à ocorrência de sobreajuste e/ou subajuste. Por isso, técnicas de regularização podem ser empregadas em seu treinamento, assim como validação cruzada e early stopping.
 - Na figura mais à direita, a flexibilidade excessiva do modelo (explorando um polinômio de ordem elevada) dá origem a contorções na *fronteira de decisão* na tentativa de minimizar o erro de classificação junto aos dados de treinamento. Porém, o modelo ficou mais susceptível a erros de classificação para novos dados.
 - Na figura mais à esquerda, a falta de flexibilidade da reta usada faz com que o erro de classificação seja alto.
 - Já a figura do meio mostra o que seria uma boa hipótese de classificação.



Exemplo: Regressão Logistica com SciKit-Learn



Exemplo: SPAMClassificationLogisticRegressionSciKit.ipynb

Casos multi-classe

- Até agora nós vimos como classificar com a *regressão logística* quando os dados pertencem a apenas 2 classes (i.e., Q=2), mas e quando existem mais de 2 classes (i.e., Q>2)?
- Existem algumas abordagens para classificação multi-classe:
 - Um-contra-todos
 - Um-contra-um
 - Regressão softmax

Um-Contra-Todos

- Nesta abordagem, nós treinamos um *classificador* de *regressão logística* (ou seja, um *classificador binário*) $h_a(x(i))^{(q)}$ para cada classe q para predizer a probabilidade de y=q, ou seja, P(y=q|x;a).
- Em outras palavras, cria-se Q classificadores binários onde a classe positiva $C_2=q$ e a classe negativa C_1 é a junção de todas as outras Q-1 classes.
- Portanto, o *classificador* deve indicar a classe positiva caso o exemplo pertença à classe q, e a classe negativa caso o exemplo pertença a qualquer outra classe.
- Para cada novo exemplo de entrada, x, realiza-se as predições e escolhe-se a classe que maximize

$$C_q = \arg\max_{q} h_{\boldsymbol{a}}(\boldsymbol{x}(i))^{(q)}.$$

- Vantagem desta abordagem é que se treina apenas *Q classificadores*.
- Desvantagem é que cada *classificador binário* precisa ser treinado com um conjunto negativo que é Q-1 vezes maior, o que pode aumentar o tempo de treinamento.

Um-Contra-Um

- Nesta abordagem, treina-se Q(Q-1)/2 classificadores binários.
- Cada *classificador* é construído para fazer a distinção entre exemplos pertencentes a cada um dos possíveis pares de classes.
 - o Se Q=4, então treina-se *classificadores* para classificar entre C_1/C_2 , C_1/C_3 , C_1/C_4 , C_2/C_3 , C_2/C_4 , e C_3/C_4).
- No final, cada exemplo é classificado conforme o voto majoritário entre os classificadores.
- A principal vantagem da abordagem Um-Contra-Um é que cada classificador precisa ser treinado apenas na parte do conjunto de treinamento para as duas classes que ele deve distinguir.
- A desvantagem é que por exemplo, se Q=10, temos que treinar 45 classificadores.

Regressão softmax

- Também conhecida como regressão logística multinomial.
- Uma abordagem mais robusta que as anteriores consiste em montar um modelo que produza saídas, em que cada saída representa a probabilidade de cada exemplo pertencer a uma classe específica.
- Isto pode ser feito a partir de uma generalização da regressão logística, explorando a função softmax, que é definida por

$$P(C_q \mid \boldsymbol{x}(i)) = h_{\boldsymbol{a}}^q(\boldsymbol{x}(i)) = \frac{e^{\boldsymbol{x}(i)^T \boldsymbol{a}_q}}{\sum_{i=1}^Q e^{\boldsymbol{x}(i)^T \boldsymbol{a}_i'}}$$

onde $a_q = \begin{bmatrix} a_0^q & a_1^q & \cdots & a_K^q \end{bmatrix}^T$ é o vetor de pesos associado à q-ésima saída e $h_a^q(x(i))$ é a **função hipótese** associada à q-ésima classe.

• Para cada novo exemplo de entrada, x, realiza-se as predições e escolhe-se a classe que maximize

$$C_q = \arg \max_{q} h_{\boldsymbol{a}}^q(\boldsymbol{x}(i)) = \arg \max_{q} \boldsymbol{x}(i)^T \boldsymbol{a}_q.$$

A função de erro é dada por

$$J_e(A) = -\frac{1}{N} \sum_{i=0}^{N-1} \sum_{q=1}^{Q} y^q(i) \log \left(h_a^q(x(i)) \right),$$

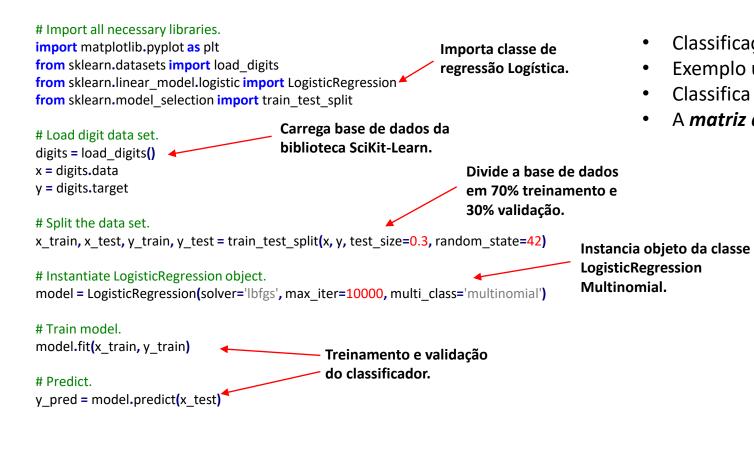
onde $y^q(i)$ é a probabilidade de que o *i*-ésimo exemplo pertença à classe q. Em geral, $y^q(i)$ é igual a 1 ou 0, dependendo se o exemplo pertence à classe ou não e $A \in \mathbb{R}^{K+1 \times Q}$ é a matriz com os pesos para todas as Q classes.

Propriedades da regressão softmax

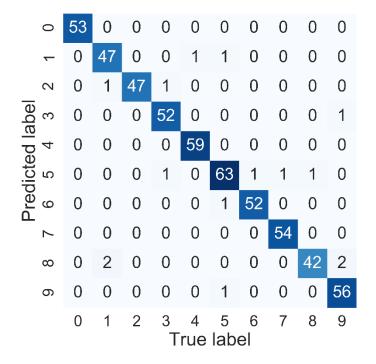
- $\sum_{q=1}^{Q} h_a^q(x(i)) = 1$, ou seja, o somatório da probabilidade de todas as classes é igual a 1.
- $0 \le h_a^q(x(i)) \le 1$, ou seja, temos, um vetor $h_a(x(i)) = [h_a^1(x(i)) \cdots h_a^Q(x(i))] \in \mathbb{R}^Q$ que atende os requisitos de uma função probabilidade de massa (PMF, do inglês probability mass function).
- A derivada de $J_e(A)$ com respeito a cada vetor de pesos de saída a_q segue uma expressão semelhante àquela obtida para a *regressão* logística:

$$\frac{\partial J_e(A)}{\partial a_q} = \frac{1}{N} \sum_{i=0}^{N-1} \left[h_a^q(\mathbf{x}(i)) - y(i) \right] \mathbf{x}(i)^T.$$

Exemplo: regressão softmax com SciKit-Learn



- Classificação de dígitos escritos à mão.
- Exemplo usa uma base de dados baixada do SciKit-Learn.
- Classifica os dígitos em 10 classes: 0 à 9.
- A *matriz de confusão* mostra a performance do classificador.



Exemplo: MultiClassDigitClassification. ipynb

Taxa de erro e acurácia

- A *taxa de erro*, é intuitivamente, a métrica mais direta para se avaliar o desempenho de um classificador.
- Ela corresponde à porcentagem de exemplos classificados incorretamente considerando o conjunto de dados disponíveis para validação. A taxa de erro é dada por

$$p_e(\hat{y}(\mathbf{x})) = \frac{1}{N} \sum_{i=0}^{N-1} \left(1 - \delta(y(i), \hat{y}(\mathbf{x}(i)))\right),$$
 onde $\delta(i, j) = \begin{cases} 0, \text{ se } i \neq j \\ 1, \text{ se } i = j \end{cases}$ é o delta de Kronecker. Observe que $p_e(\hat{y}(\mathbf{x})) \in [0, 1]$.

• O complemento da **taxa de erro** é conhecido como **acurácia**, e é definida por $acc(\hat{y}(x)) = 1 - p_e(\hat{y}(x))$.

Matrix de Confusão

• A matriz de confusão $C \in \mathbb{R}^{Q \times Q}$ contabiliza o número de classificações corretas e incorretas para cada uma das Q classes existentes.

$$C = \begin{bmatrix} C_{ii} & C_{ij} \\ C_{ji} & C_{jj} \end{bmatrix}$$
,

onde o elemento C_{ij} indica quantos padrões da classe i foram designados à classe j. Portanto, a diagonal de C, nos fornece o número de classificações corretas.

• A informação apresentada nesta matriz permite verificar quais classes o *classificador* tem maior dificuldade em classificar.

Matrix de Confusão

Exemplo para Q = 2.

Classe	+ C ₂	Verdadeiro Positivo (TP)	Falso Positivo (FP)	
Estimada	-	Falso	Verdadeiro	
	\mathcal{C}_1	Negativo (FN)	Negativo (TN)	
		+	-	
		C_2	C_1	
		Classe Verdadeira		

- *Verdadeiro Positivo* (TP): número de exemplos da classe positiva (+), C_2 , classificados corretamente.
- *Verdadeiro Negativo* (TN): número de exemplos da classe negativa (-), C_1 , identificados corretamente.
- *Falso Positivo* (FP): exemplos classificados como positivos (+), mas que, na verdade, pertencem à classe negativa (–).
- *Falso Negativo* (FN): exemplos atribuídos à classe negativa (–), mas que, na verdade, pertencem à classe positiva (+).

≻Observe que:

- N_{+} define o número de padrões pertencentes à classe positiva = TP + FN.
- N_{-} define o número de padrões pertencentes à classe negativa = FP + TN.
- N define o número total de padrões = TP + FN + FP + TN.

Matriz de Confusão

Nós podemos calcular diversas métricas de desempenho a partir das informações contidas na matriz de confusão

• *Taxa de falso negativo*: proporção de exemplos da classe positiva (+) classificados incorretamente. É definida por

Taxa de falso negativo =
$$p_e^+(\hat{y}(x)) = \frac{FN}{TP+FN} = \frac{FN}{N_+}$$
.

• *Taxa de falso positivo*: proporção de exemplos da classe negativa (-) classificados incorretamente. É definida por

Taxa de falso positivo =
$$p_e^-(\hat{y}(x)) = \frac{FP}{TF+FP} = \frac{FP}{N_-}$$
.

Taxa de erro:

$$p_e(\hat{y}(x)) = \frac{\text{FP+FN}}{N}.$$

Acurácia:

$$acc(\hat{y}(x)) = \frac{TP+TN}{N}.$$

Precisão

 Corresponde à proporção de exemplos da classe positiva (+) corretamente classificados em relação a todos os exemplos atribuídos à classe positiva (+). É definida por

$$\operatorname{precisão}(\hat{y}(x)) = \frac{\operatorname{TP}}{\operatorname{TP} + \operatorname{FP}}.$$

Sensibilidade (recall)

• Também conhecida como *taxa de verdadeiro positivo*, a sensibilidade corresponde à proporção de exemplos da classe positiva (+) corretamente classificadas.

$$\operatorname{recall}(\hat{y}(x)) = \frac{\operatorname{TP}}{\operatorname{TP} + \operatorname{FN}}.$$

Especificidade

Também conhecida como taxa de verdadeiros negativos, a especificidade é dada pela proporção de exemplos da classe negativa (-) corretamente classificadas.

especificidade
$$(\hat{y}(x)) = \frac{TN}{TN + FP} = 1 - p_e^-(\hat{y}(x)).$$

Observações Importantes

- É possível estender estas métricas obtidas com a *matriz de confusão* para o cenário multi-classe (i.e., Q>2): basta tomar, uma vez, cada classe C_q , $q=1,\ldots,Q$ como sendo a classe positiva, enquanto todas as demais classes formam a classe negativa. Assim, obtem-se os valores das métricas para cada classe.
- Veja o exemplo abaixo para Q=3.

	+	Verdadeiro Positivo (TP)	Falso Positivo (FP)	Falso Positivo (FP)
Classe Estimada	-	Falso Negativo (FN)	Verdadeiro Negativo (TN)	Verdadeiro Negativo (TN)
	-	Falso Negativo (FN)	Verdadeiro Negativo (TN)	Verdadeiro Negativo (TN)
		+	-	-
		Classe Verdadeira		

Classe Estimada	-	Verdadeiro Negativo (TN)	Falso Negativo (FN)	Verdadeiro Negativo (TN)
	+	Falso Positivo (FP)	Verdadeiro Positivo (TP)	Falso Positivo (FP)
	-	Verdadeiro Negativo (TN)	Falso Negativo (FN)	Verdadeiro Negativo (TN)
		-	+	-
		Classe Verdadeira		

	-	Verdadeiro Negativo (TN)	Verdadeiro Negativo (TN)	Falso Negativo (FN)
Classe Estimada	-	Verdadeiro Negativo (TN)	Verdadeiro Negativo (TN)	Falso Negativo (FN)
	+	Falso Positivo (FP)	Falso Positivo (FP)	Verdadeiro Positivo (TP)
		-	-	+
		Classe Verdadeira		

Observações Importantes

- Para o caso multi-classe, a *acurácia global* é obtida a partir das informações presentes na diagonal principal da *matriz de confusão*.
- A precisão pode ser entendida como uma medida da qualidade de um classificador, enquanto a sensibilidade (ou recall) dá uma noção de sua completude/qualidade.
 - Um valor de *precisão* = 1 significa que, para uma determinada classe, cada exemplo classificado como sendo pertencente a esta classe realmente pertence a ela. Entretanto, isso não dá informações a respeito de quantos exemplos desta classe foram classificados de forma incorreta (ou seja, quantidade de *falsos negativos*).
 - Por outro lado, um valor de **recall** = 1 indica que todos os exemplos da classe C_q foram classificados como sendo pertencentes a C_q . Porém, isso não traz informações a respeito de quantos exemplos associados a outras classes foram classificados como sendo pertencentes a C_q (ou seja, quantidade de **falsos positivos**).

Pontuação-F

• As medidas de **precisão** e **recall** costumam ser analisadas conjuntamente através de uma métrica que combina ambas medidas, chamada de **pontuação**-F (ou **F-score**), denotada por F_m , que combina as duas medidas através de uma **média harmônica ponderada** dada pela equação abaixo:

$$F_m = \frac{(m+1) \times \operatorname{recall}(\hat{y}(x)) \times \operatorname{precisão}(\hat{y}(x))}{\operatorname{recall}(\hat{y}(x)) + m \times \operatorname{precisão}(\hat{y}(x))},$$

onde m é o *fator de ponderação*.

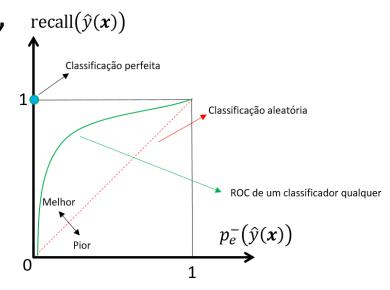
• Quando m = 1, a mesma importância é dada para a **precisão** e para o **recall**:

$$F_1 = 2 \frac{\operatorname{recall}(\hat{y}(x)) \times \operatorname{precisão}(\hat{y}(x))}{\operatorname{recall}(\hat{y}(x)) + \operatorname{precisão}(\hat{y}(x))} = \frac{\operatorname{TP}}{\operatorname{TP} + \frac{\operatorname{FN} + \operatorname{FP}}{2}}.$$

• Valores de F_1 próximos de 1 indicam que o *classificador* obteve bons resultados tanto de *precisão* quanto de *recall*.

Curva Característica Operacional do Receptor (ROC)

- É um gráfico, conforme mostrado na figura ao lado, em que a *taxa de verdadeiro positivo*, a qual equivale ao *recall*, é exibida em função da *taxa de falso positivo*.
- Quanto mais à esquerda e para cima estiver a curva ROC de um classificador, melhor será o seu desempenho.
- A linha diagonal, em vermelho, está associada a um *classificador aleatório*. Um bom *classificador* fica o mais longe possível dessa linha (em direção ao canto superior esquerdo).



Curva Característica Operacional do Receptor (ROC)

- A forma usual de se comparar *classificadores* consiste em criar uma *curva ROC* para cada um.
- Em geral, classificadores produzem uma saída real para cada exemplo de entrada. Normalmente, estas saídas são, então, discretizadas para que se tenha a decisão final: por exemplo, se $h_a(x(i))$ ultrapassa um determinado limiar, ela é mapeada no valor 1 (classe positiva, C_2); caso contrário, ela é mapeada no valor 0 (classe negativa, C_1).
- Sendo assim, ao plotar a taxa de verdadeiro positivo (ou recall) versus a taxa de falso positivo para diferentes valores de limiar, obtemos a curva ROC associada a um classificador.

Curva Característica Operacional do Receptor (ROC)

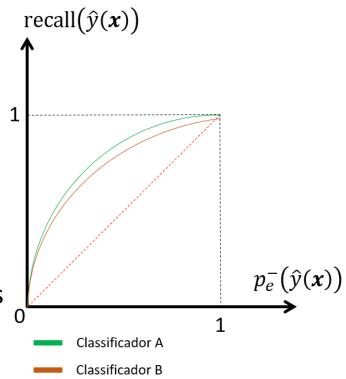
- Por exemplo, considere as curvas ROC exibidas na figura ao lado. Para decidir qual o melhor classificador, podemos tomar como base a área sob a curva ROC.
- Neste exemplo, o classificador A seria o de melhor desempenho, pois tem maior área sob a curva ROC.

Vantagens da curva ROC

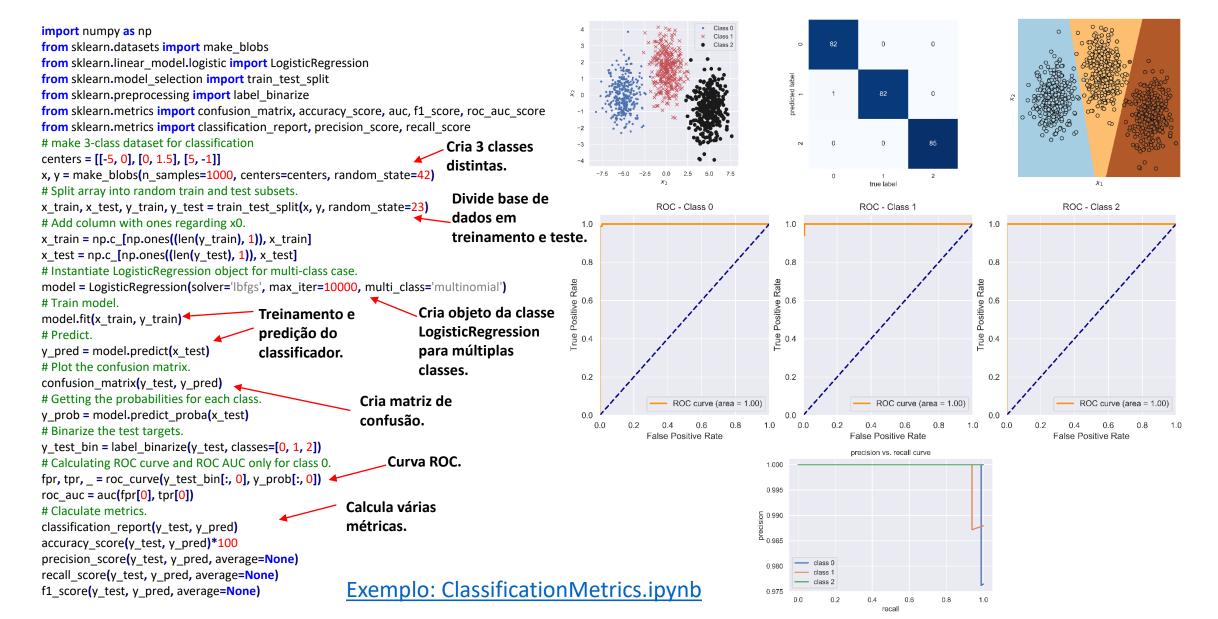
- Possibilita a análise de diferentes métricas de desempenho independente do *limiar* escolhido.
- Auxilia o estudo de diferentes limiares para lidar com problemas de desbalanceamento nos dados (i.e., nos quais as classes possuem tamanhos discrepantes).

Desvantagens

- Apropriada para problemas de *classificação binária*.
- No caso multi-classe, devemos utilizar a estratégia um-contratodos e plotar várias curvas ROC.



Exemplo: Métricas com SciKit-Learn

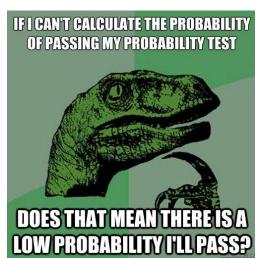


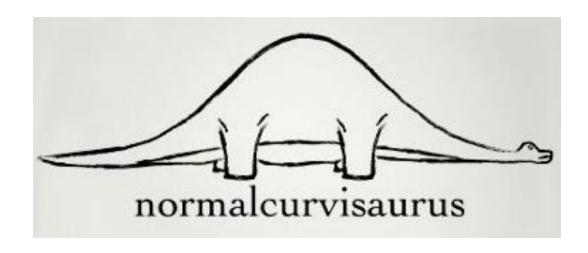
Tarefas e Avisos

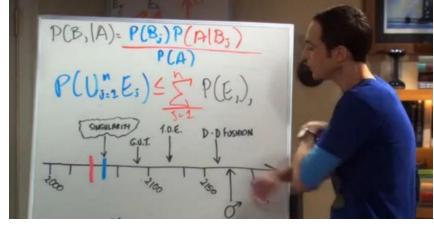
- Exemplos já estão disponíveis no site.
- Lista #5 já está disponível no site.
- Lista #4 pode ser entregue até dia 05/05.
- Prova: 23/06 (entrega dia 30/06)
- Apresentações do Projeto Final: 23/06 e 30/06 (ainda não defini se online ou gravadas).
- IMPORTANTE: todos os exercícios que envolvam programação devem estar implementados em um notebook do Jupyter. Eu não terei tempo de rodar todos os repos e através do Notebook eu consigo ver os gráficos e resultados.
- Atendimento às quartas-feiras das 8 as 10 da manhã (Skype: zz4fap)
- https://www.inatel.br/docentes/felipefigueiredo/

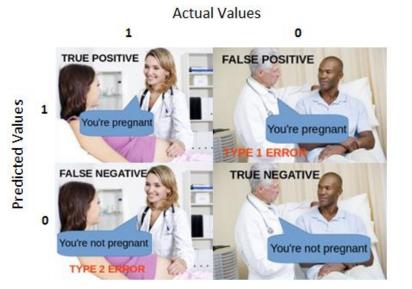
Obrigado!

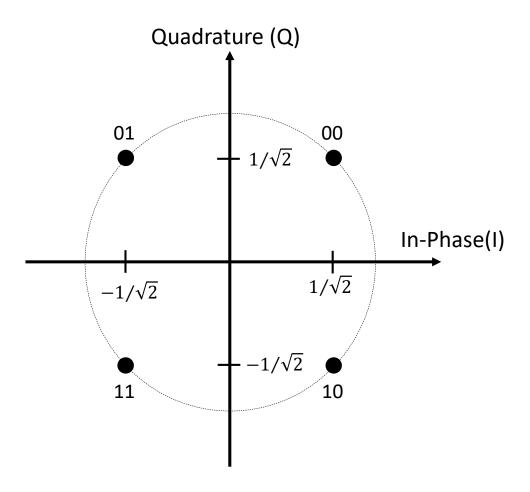


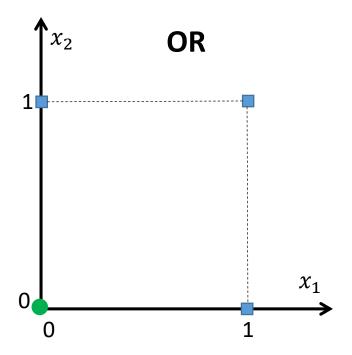


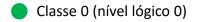




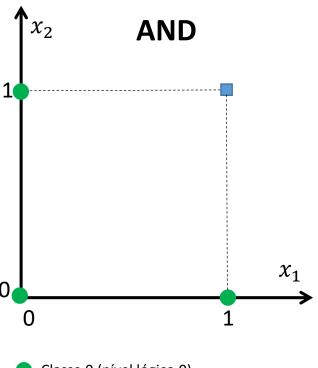


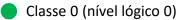




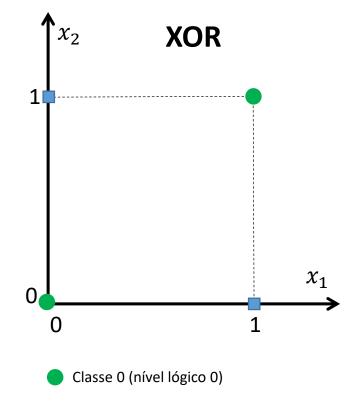


Classe 1 (nível lógico 1)





Classe 1 (nível lógico 1)



Classe 1 (nível lógico 1)

