# 人工智能基础 Lab2 实验报告

- 因为个人觉得自己对 SVM 和 Bayes 的原理一知半解,所以手动实现了这两个分类器。而对于 MLP 用得学得比较多,就直接掉包了。
- 因为本次实验不要求调参(数据集划分、特征舍取等),所以主要的时间花在了理解和实现分类器上,没有花太多的时间在分析结果上。本报告只在以下两处进行了结果分析
  - SVM valabel
  - Bayes id
- 代码解释
  - 。 data\_process.py 是数据划分代码
  - 。 Bayes.py, SVM.py 是自己实现贝叶斯、SVM分类器
  - 。 Bayes\_id/emotion.py , SVM\_valabel.py , MLP\_id/emotion/valabel.py , DT\_id 是具体调用分类器模块进行训练和评估的模块
  - 。 评估结果存储在每个数据集对应的文件夹下,比如 Bayes\_id.py 在 DEAP 数据集上的预测,存储在 data/DEAP/NB/目录下

# 本实验报告较长,请配合 PDF 或 Markdown 左侧大纲栏 食用!

# 实验环境

- python 3.6.5
- numpy 1.14.3
- keras 2.2.0 (tensorflow 1.8.0)
- pydotplus, 用于可视化决策树
- 因为代码 (classfier\_id / emotion / valabel.py) 中使用了相对路径,所以请确保运行分类器的运行路径为该代码所在的目录

# 数据划分: data\_process.py

## 大致策略

先把所有数据读取出来, 然后整理分析数据, 存储每个用户分别有多少数据。

# 核心代码

```
#整理数据
#testers_data[testers_id][record_index]
[video_id,feature,valabels,emotion_category]
for i in range(data_num):
    testers_id = subjects[i]-1
```

```
testers_data_num[testers_id] += 1
   testers_data[testers_id].append([])
   index = len(testers_data[testers_id]) - 1
   testers_data[testers_id][index].append(videos[i])
   testers_data[testers_id][index].append(features[i])
   testers_data[testers_id][index].append(va_labels[i])
    testers data[testers id][index].append(emotions[i])
#因为HCI数据有缺失,所以要确定每个用户每组有多少数据
testers_average_num = np.array(testers_data_num/splits_num,dtype=int)
for i in range(splits_num-1):
   for j in range(testers_num):
       splitted data num[i][j] = testers average num[j]
i = splits_num-1
for j in range(testers_num):
   splitted_data_num[i][j] = testers_data_num[j] -
testers_average_num[j]*i
#随机化
for i in range(testers_num):
    random.shuffle(testers data[i])
```

# 数据预处理

- 主要使用了归一化预处理,其他都是很简单的拼接和划分
- 拼接部分,除了标签,其他的数据维度都用上了,比如预测 id 时用到了 {subject\_id, video\_id, EEG\_features, emotion\_category}
- 在使用 MLP 的时候,需要将标签预处理成 One\_Hot 独热码形式,这里使用 keras 后端函数

# 从文件获取数据

```
#从文件获取数据
    subjects =
np.loadtxt(root_dir+'subject/subject_video_'+str(i)+'.txt',dtype=int)
    features =
np.loadtxt(root_dir+'feature/EEG_feature_'+str(i)+'.txt')
    va_labels =
np.loadtxt(root_dir+'valabel/valence_arousal_label_'+str(i)+'.txt',dtype=i
nt)
    if 'HCI' in root_dir:
        emotions =
np.loadtxt(root_dir+'emotion/EEG_emotion_category_'+str(i)+'.txt',dtype=in
t)
```

# 数据拼接

# 归一化

```
#月一化
subjects = subjects /
np.array([np.max(subjects[:,0]),np.max(subjects[:,1])])
features /= np.max(features)
if 'HCI' in root_dir:
    emotions /= np.max(emotions)
# va_labels = va_labels /
np.array([np.max(va_labels[:,0]),np.max(va_labels[:,1])])
```

# 交叉验证的数据划分

```
for i in range(splits_num):
        x_{train} = []
        y1_train = []
        y2_{train} = []
        x_{test} = []
        y1_test = []
        y2\_test = []
        for j in range(splits_num):
            if j==i:
                x_test.extend(x[j])
                y1_test.extend(y1[j])
                y2_test.extend(y2[j])
            else:
                 x_train.extend(x[j])
                y1_train.extend(y1[j])
                y2_train.extend(y2[j])
```

# 标签独热码化

```
from keras.utils import to_categorical
.....

#具体是在 MLP_id 的 line 48

y_temp = to_categorical(y_temp)
```

## **SVM**

# 1. 我对SMO算法的理解过程

## 1.1 软边界 SVM 的 KKT 条件

在 SVM 软间隔基本型的优化问题中,要满足的 KKT 条件为:

$$\left\{egin{aligned} lpha_i \geq 0, & \mu_i \geq 0 \ y_i f\left(x_i
ight) - 1 + \xi_i \geq 0 \ lpha_i \left(y_i f\left(x_i
ight) - 1 + \xi_i
ight) = 0 \ \xi_i \geq 0, u_i \xi_i = 0 \end{aligned}
ight.$$

再结合求解出的约束  $0 \le \alpha_i \le C$  以及  $C = \alpha_i + \mu_i$ 。

### 1.2 更新公式

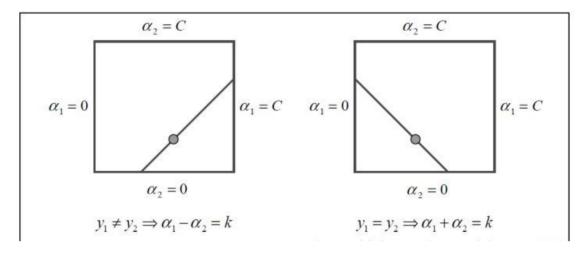
具体推导过程参考对SVM的推导和编码实践(二)SMO算法的推导

### 1.2.1 alpha 的更新

令
$$\eta=K_{11}-2K_{12}+K_{22}$$
,则有: 
$$lpha_2^{new,ucp}=rac{y_2(E_1-E_2)}{\eta}+lpha_2^{old}$$

$$egin{aligned} lpha_1^{new} &= rac{lpha_1^{old}y_1 + lpha_2^{old}y_2 - lpha_2^{new}y_2}{y_1} \ &= lpha_1^{old} - y_1y_2(lpha_2^{new} - lpha_2^{old}) \end{aligned}$$

### 1.2.2 alpha 的裁剪



基于上下界限定,我们需要对 $lpha_2^{new,ucp}$ 进行修剪:

$$lpha_{2}^{new} = \left\{ egin{array}{ll} L & if: lpha_{2}^{new,ucp} < L \ lpha_{2}^{new,ucp} & if: L \leq lpha_{2}^{new,ucp} \geq H \ H & if: lpha_{2}^{new,ucp} > H \end{array} 
ight.$$

### 1.2.3 b 的更新

综上:

$$b^{new} = \begin{cases} -E_1 + y_1 K_{11} (\alpha_1^{old} - \alpha_1^{new}) + y_2 K_{21} (\alpha_2^{old} - \alpha_2^{new}) + b^{old} & if: x_1, x_2 \text{ are both support vector} \\ \\ \frac{b_1^{new} + b_2^{new}}{2} & others \end{cases}$$

# 2. 通用分类器实现: SVM.py

## 2.1 分类器接口介绍

### 2.1.1 类变量

```
class SVM_dual:
   def init (self,max iter,ktup,C=1,toler=1e-3):
       self.C = C
                                     #Penalty parameter C of the error
term
       self.max iter = max iter
                                   #max iteration times
       self.toler = toler
                                    #tolerance
                                   #样本总数量
       self.sample num = 0
       self.dim = 0
                                     #输入维数
       self.alphas = None
                                    #标签集
       self.labels = None
       self.label index = dict()
       self.label back = dict()
       # 考虑到label可能缺失,如HCI数据集无8,9,10号emotion category
       # 则label_index[11] = 7, label_back[7] = 11
```

```
self.b = 0
self.omega = None
                            #训练数据
self.data = None
self.label_array = None
                            #训练数据标签
self.K = None
                           #核函数转换矩阵
                           #kernel type
self.ktup = ktup
self.eCache = None
                          #误差缓存
self.predict_y = None
                           #预测结果
self.accuracy = 0
                            #准确率
```

### 2.1.2 fit 训练接口

```
def fit(self,x,y):
```

### 2.1.3 score 评估接口

```
def score(self,x,y):
```

## 2.2 具体实现

训练过程完全遵循 PlattSMO 算法, 所以注释比较简略

### 2.2.1 外循环

```
#使用 PlattSMO 算法进行 SVM 分类器的训练
       while (iter < self.max_iter) and ((alphaPairsChanged > 0) or
(entireSet)):
           alphaPairsChanged = 0
           #先遍历所有样本
           if entireSet: #go over all
               for i in range(self.sample_num):
                   alphaPairsChanged += self.inner_loop(i)
               iter += 1
           #再遍历非支持向量
           else:
               nonBoundIs = np.nonzero((self.alphas > 0) * (self.alphas <
self.C))[0]
               for i in nonBoundIs:
                   alphaPairsChanged += self.inner_loop(i)
               iter += 1
           if entireSet:
               entireSet = False #toggle entire set loop
           elif (alphaPairsChanged == ∅):
```

```
entireSet = True
    # print ("iteration number: %d" % iter )

self.omega = np.dot(self.data.T,(self.alphas*self.label_array).T)
```

### 2.2.2 内循环

```
def inner_loop(self,i):
   Ei = self.calc Ek(i)
   if ((self.label_array[i]*Ei < -self.toler) and (self.alphas[i] <</pre>
self.C)) \
       or ((self.label array[i]*Ei > self.toler) and (self.alphas[i] >
0)):
       #启发式选择会让参数更新最大化的第二个 alpha
       j,Ej = self.selectJ(i,Ei)
       #准备更新
       alpha_i_old = self.alphas[i].copy()
       alpha j old = self.alphas[j].copy()
       #*******公式2.1.2*******
       #获取裁剪上下限
       if (self.label_array[i] != self.label_array[j]):
           L = max(0, self.alphas[j] - self.alphas[i])
           H = min(self.C, self.C + self.alphas[j] - self.alphas[i])
       else:
           L = max(0, self.alphas[j] + self.alphas[i] - self.C)
           H = min(self.C, self.alphas[j] + self.alphas[i])
       if L==H:
           return 0
       #*******公式2.1.1******
       #即公示的的分母 n
       eta = 2.0 * self.K[i,j] - self.K[i,i] - self.K[j,j] #changed for
kernel
       if eta >= 0:
           return 0
       #更新 alpha_j
       self.alphas[j] -= self.label array[j]*(Ei - Ej)/eta
       #裁剪, 确保 0<alpha j<C, 因为要确保符合 KKT 条件
       self.clip_alpha(j,H,L)
       self.update_Ek(j) #added this for the Ecache
       if (abs(self.alphas[j] - alpha j old) < 0.00001):</pre>
           return 0
```

```
#*******公式2.1.1*******
       #更新 alpha i
       self.alphas[i] += self.label_array[j]*self.label_array[i]*
(alpha_j_old - self.alphas[j])
       self.update_Ek(i)
       #*******公式2.1.3*******
       #更新 b
       b1 = self.b - Ei- self.label_array[i] * (self.alphas[i] -
alpha_i_old) * self.K[i,i] \
                - self.label_array[j] * (self.alphas[j] - alpha_j_old) *
self.K[i,j]
       b2 = self.b - Ej- self.label_array[i] * (self.alphas[i] -
alpha_i_old) * self.K[i,j] \
               - self.label array[j] * (self.alphas[j] - alpha j old) *
self.K[j,j]
       if (0 < self.alphas[i]) and (self.C > self.alphas[i]):
           self.b = b1
       elif (0 < self.alphas[j]) and (self.C > self.alphas[j]):
           self.b = b2
           self.b = (b1 + b2)/2.0
       return 1
   else:
       return 0
```

### 2.2.3 启发式选择第 2 个 alpha

```
#启发式选择第 2 个 alpha
def selectJ(self,i,Ei):
   maxK = -1
   maxDeltaE = 0
   Ej = 0
   self.eCache[i] = [1,Ei]
   validEcacheList = np.nonzero(self.eCache[:,0])[0]
   if (len(validEcacheList)) > 1:
       #遍历有效的误差缓存表,找到能让 |Ei-Ej| 最大化的 alpha j
       for k in validEcacheList:
           if k == i:
               continue
           Ek = self.calc_Ek(k)
           deltaE = abs(Ei - Ek)
           if (deltaE > maxDeltaE):
               maxK = k
               maxDeltaE = deltaE
               Ej = Ek
```

```
return maxK, Ej
#无可选 alpha
else:
    j = self.selectJ_rand(i)
    Ej = self.calc_Ek(j)
    return j, Ej
```

# 3. 具体分类任务

调用代码类似 Naive Bayes 模块的 2.1 代表代码:id 作为标签小节,不再重复粘贴

### 3.1 分类结果

• 实验发现自己的实现的 SVM 训练过程十分缓慢,主要时间花费在 **核函数转换矩阵的初始化** 和 **内 外循环的迭代** 

### 3.1.1 SVM\_valabel

3.1.1.1 归一化之前

- DEAP 数据集:
  - 5-fold:

0.5781 0.3594 0.5508 0.4102 0.5820 0.5664 0.5469 0.3789 0.5104 0.4427

o average: 0.5536 0.4315

- MAHNOB-HCI 数据集
  - o 5-fold:

0.5189 0.4434 0.5849 0.4528 0.5566 0.5566 0.4717 0.4340 0.4495 0.4037

o average: 0.5163 0.4581

### 3.1.1.2 归一化之后

- DEAP 数据集:
  - o 5-fold:

0.7539 0.6719

0.7852 0.6211

0.7383 0.5898

0.7930 0.6289

0.7656 0.5729

• average: 0.7672 0.6169

- MAHNOB-HCI 数据集:
  - o 5-fold:

 $0.8302\ 0.6509\ 0.8962\ 0.6887\ 0.9151\ 0.6604\ 0.8962\ 0.6698\ 0.8991\ 0.6147$ 

o average: 0.8874 0.6569

3.1.1.3 结果分析

归一化之后,我自己实现的 SVM 分类器的分类准确有了显著提高。

- 这应该是由于我自己实现的 SVM 没有内置的归一化操作,所以不归一化无法达到调包的准确率。
- 而 "不归一化无法达到调包的准确率",是因为太大的输入值会让 C(误判代价) 和 toler(容错率) 太难调节 (因为每次更新 alpha 每次更新之后都要根据 C 裁剪)

# **Naive Bayes**

# 1. 通用分类器实现: Bayes.py

- 其中 Gaussian\_NB 类要求输入的样本所有维数都是连续值,Mix\_NB 类实现了 **"允许同时有离散值和连续值"**
- 实测运行速度和 sklearn 的 GaussianNB 分类器没有区别
- 在 id 上的测试准确率和 sklearn 的 GaussianNB 分类器完全相同

### 1.1 分类器接口介绍

### 1.1.1 类变量

```
class Mix NB:
   def init (self):
       self.attri option nums = None
       self.dim = 0
                                   #输入维数
       self.label num = 0
                                  #标签数量
       self.sample num = 0
                                  #样本总数量
       self.num per label = None
                                  #每个标签有多少样本
       self.labels = None
                                   #标签集
       self.label index = dict()
       self.label back = dict()
       # 考虑到label可能缺失,如HCI数据集无8,9,10号emotion category
       # 则label index[11] = 7, label back[7] = 11
       self.discr num = 0
                                   #离散属性数
       self.conti num = 0
                                  #连续属性数
       self.conti start = 0
       self.wrong_predict = 0
       self.right_preidct = 0
       self.accuracy = 0
       self.predict_result = None
       #x_mus[label][i] = average(x_i | label), x_i代表x的第i维
       self.mus = None
                               #一阶矩mu
       self.sigmas = None
                               #二阶矩sigma
       self.priori = None
                               #先验概率
       self.miss prob = None
                               #缺失属性值的类条件概率 = 1/(|D| + Ni)
```

```
self.cprob = []
#离散属性的类条件概率

# cprob[label][discrete_dim][option] :
# 第discrete_dim维离散属性取 (option值 & label) 标签的概率
```

### 1.1.2 fit 训练接口

```
#合法的数据形式是numpy array
#attri_option_nums 是一个一维列表,从某个索引开始后面的值全为 0
#attri_option_nums[i] = k,代表 x_i(样本的第 i 维)有 k 个取值可能,0代表连续值 def fit(self,x,y,attri_option_nums):
```

#### 1.1.3 score 评估接口

```
def score(self,x,y):
#返回预测准确率
```

### 1.1.4 predict\_log\_proba 预测接口

```
def predict_log_proba(self,x):
#返回每个样本属于每个 label 的概率 (已取对数)
```

### 1.2 具体实现

因为代码注释得比较详细,没有再加其他的注释,并且这里只选取了核心代码 update 更新参数部分

### 1.2.1 update 训练更新参数

```
def update(self,x,y):
    for i in range(self.sample_num):
        label = self.label_index[y[i]]
        self.num_per_label[label] += 1

    for j in range(self.conti_start):
        if x[i][j] in self.cprob[label][j]:
            self.cprob[label][j][x[i][j]] += 1
        else:
            self.cprob[label][j][x[i][j]] = 0

    self.mus[label] += x[i][self.conti_start:]

#update priori, 带有拉普拉斯修正
    self.priori = (self.num_per_label + 1) / (self.sample_num + self.label_num)
```

```
#update mus
for i in range(self.label num):
    self.mus[i] /= self.num_per_label[i]
#update sigmas
for i in range(self.sample num):
   label = self.label index[y[i]]
   temp = (x[i][self.conti start:]-self.mus[label])**2
    self.sigmas[label] += temp
for i in range(self.label num):
    self.sigmas[i] /= self.num per label[i]
self.sigmas = np.sqrt(self.sigmas)
#update condition prob for discrete attribute
for i in range(self.label_num):
   for j in range(self.conti start):
        for key in self.cprob[i][j]:
            #拉普拉斯修正
            self.cprob[i][j][key] += 1
            self.cprob[i][j][key] /= (self.sample_num
                        + self.attri_option_nums[j])
```

# 2. 具体分类任务

没什么好写,数据预处理和分类器的实现都写过了,下面只举一个调用手动实现的模块来分类的代码

# 2.1 代表代码: id 作为标签

```
#交叉验证

for i in range(splits_num):
    ......

model = Bayes.Mix_NB()
    model.fit(x_train,y_train,attri_option_nums)
    score = model.score(x_test,y_test)
    # temp = model.predict_log_proba(x_test)
    print(" %s: %.2f%%" % ('acc', score*100))
    cvscores.append(score * 100)

average_score = sum(cvscores)/len(cvscores)
write_score(cvscores,average_score,root_dir+'NB/subject_id_cvscores.txt')
    return average_score
```

### 2.2 测试结果

### 2.2.1 Bayes\_id

#### 2.2.1.1 归一化之前

• DEAP 数据集

o 5-fold: 97.6562 98.8281 98.0469 99.2188 98.4375

• average: 98.4375 • MAHNOB-HCI数据集

o 5-fold: 98.1132 96.2264 98.1132 96.2264 96.3303

o average: 97.0019

#### 2.2.1.2 归一化之后

• DEAP 数据集

o 5-fold: 94.9219 86.3281 98.4375 11.3281 89.5833

• average: 76.1198 • MAHNOB-HCI 数据集

o 5-fold: 98.1132 83.0189 96.2264 79.2453 95.4128

o average: 90.4033

#### 2.2.1.3 结果分析

• 朴素贝叶斯在此任务上分类效果很好,说明了 **各个属性对于标签 id 的类条件概率**  $P(x_i|id)$  **基本满足"相互独立"的假设**,这对于之后在以 valabel / emotion 进行分类的时候是一种先验知识(但是时间不够,没有具体探究并应用)

• 在这个分类器之前做数据预处理出现了很大的问题,具体出在分类第4个划分时准确率特别低

。 经过单步调试自己实现的 Mix\_NB 模块,问题差不多定位在一下这个高斯概率公式

$$P(x_i \mid c) = rac{1}{\sqrt{2\pi} \ \sigma_{c,i}} exp(-rac{(x_i - \mu_{c,i})^2}{2\sigma_{c,i}^2})$$

。 如果像我这样简单地把数据压缩到 0~1 范围内, $\sigma_{c,i}$  **变小的幅度是**  $\mu_{c,i}$  **的平方**,这会导致连续值属性的概率急剧增大,从而影响到其它属性队整体分类预测的正常参与。

#### 2.2.2 Bayes\_emotion

• MAHNOB-HCI 数据集

o 5-fold: 12.2642 13.2075 14.1509 11.3208 13.7615

o average: 12.9410

# **MLP**

## 1. 调包代码

我用的是 keras 包,版本在开头写了。下面以 MLP\_id 为例

```
from keras.utils import to_categorical
from keras.models import Sequential
from keras.layers import Dense
from keras.layers import Dropout
```

```
. . . . . .
def MLP_id(root_dir):
        # create model
        model = Sequential()
        model.add(Dense(12, input dim=input shape, activation='relu'))
        model.add(Dropout(0.2))
        model.add(Dense(8, activation='relu'))
        model.add(Dense(output_shape, activation='softmax'))
        # Compile model
        model.compile(loss='binary_crossentropy', optimizer='adam',
metrics=['accuracy'])
        # Fit the model
        model.fit(x_train, y_train, validation_data=(x_test,y_test),
                    epochs=50, batch size=10, verbose=0)
        # evaluate the model
        scores = model.evaluate(x test, y test, verbose=∅)
                  %s: %.2f%%" % (model.metrics names[1], scores[1]*100))
        cvscores.append(scores[1] * 100)
```

# 2. 分类结果

### 2.1 MLP\_id

• DEAP 数据集

o 5-fold: 96.8750 96.8750 96.9238 96.9360 96.8750

• average: 96.8970 • MAHNOB-HCI 数据集

o 5-fold: 96.6667 96.6667 96.6667 96.7924 96.6667

o average: 96.6918

### 2.2 MLP\_valabel

• DEAP 数据集

o 5-fold: 76.8555 75.0000 75.5859 76.4648 74.8698

o average: 75.7552

• MAHNOB-HCI 数据集

o 5-fold: 75.0000 75.0000 75.0000 75.0000

o average: 75.0000

### 2.3 MLP\_emotion

• MAHNOB-HCI 数据集

o 5-fold: 88.8889 88.8889 88.8889 88.8889

o average: 88.8889

# **Decision Tree**

## 1. 调包代码

用了 sklearn.tree.DecisionTreeClassifier,其中使用了"基尼系数"作为决策树分支评估参数

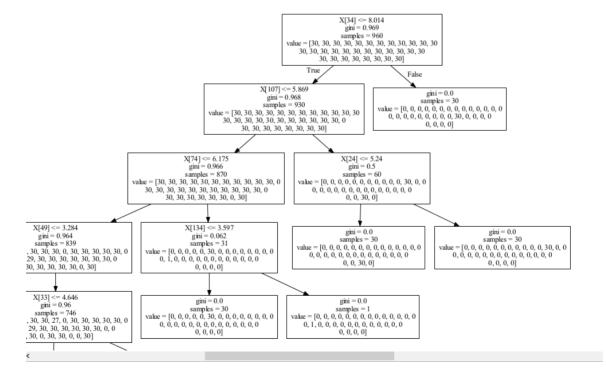
```
def DT_id(root_dir):
    ...
    model = tree.DecisionTreeClassifier(criterion='gini')
    model.fit(x_train, y_train)
```

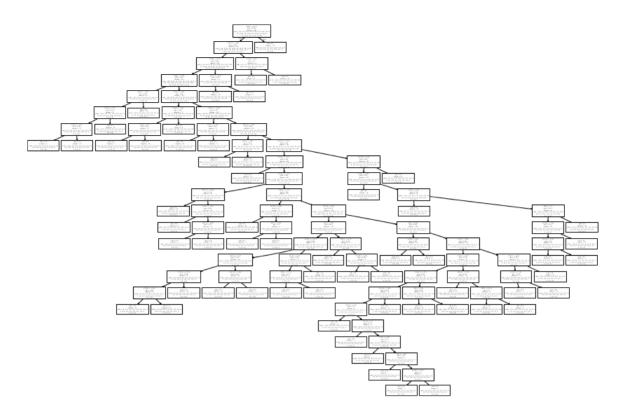
# 2. 可视化代码

为了方便进一步观察参数的和调参, 我把决策树可视化了出来, 代码如下

```
dot_data = tree.export_graphviz(model, out_file=None)
graph = pydotplus.graph_from_dot_data(dot_data)
graph.write_pdf(root_dir+'DT/Decision_Tree_fold'+str(i+1)+'.pdf')
```

分别存储在类似 data/DEAP/DT/Decision\_Tree\_foldi.pdf 的路径,示例图如下:





# 3. 分类结果

# 3.1 DT\_id

• DEAP 数据集

o 5-fold: 0.8945 0.9375 0.9258 0.9453 0.8958

• average: 0.9198 • MAHNOB-HCI 数据集

o 5-fold: 0.8774 0.8962 0.8868 0.8679 0.9174

o average: 0.8891