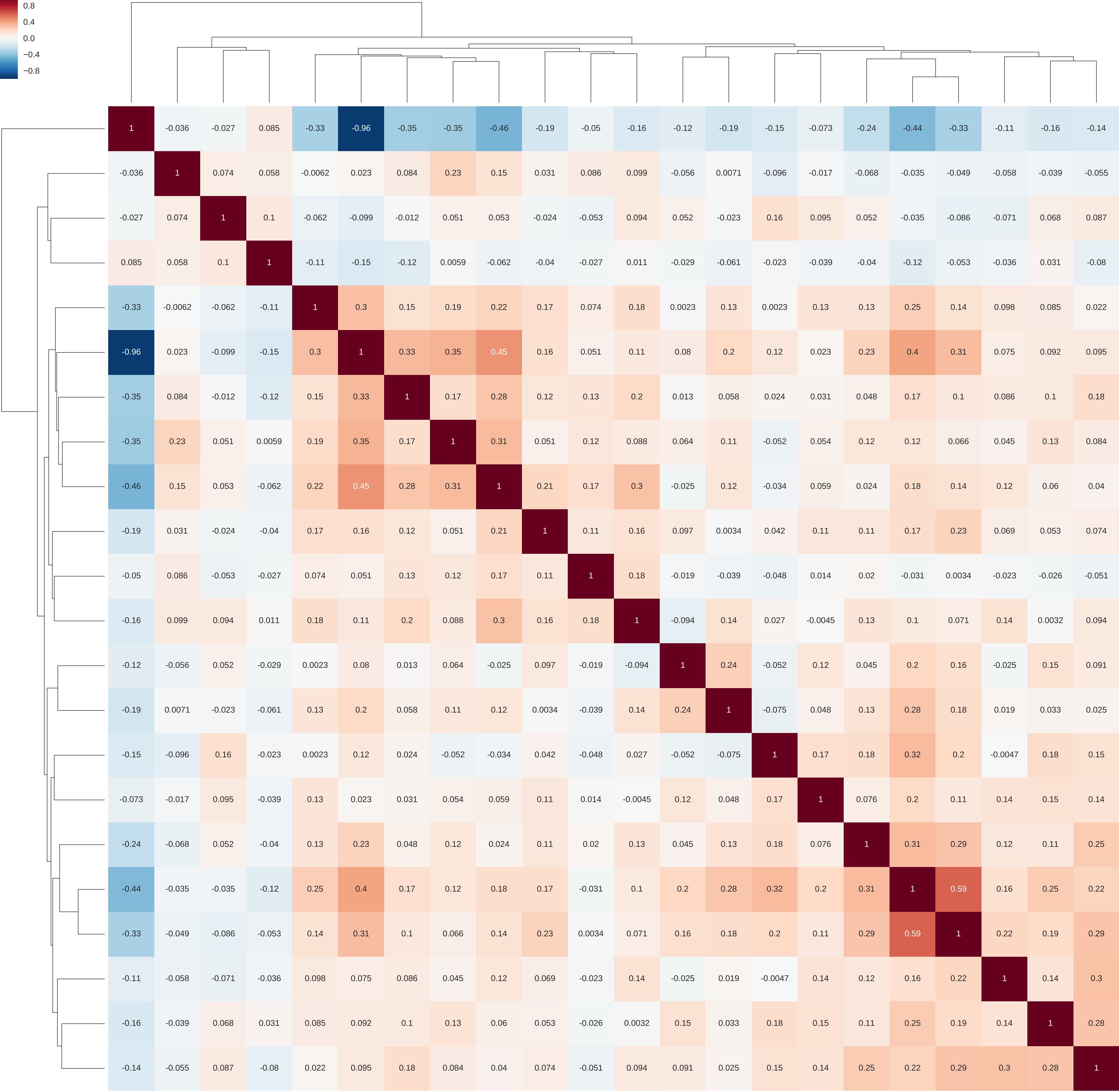
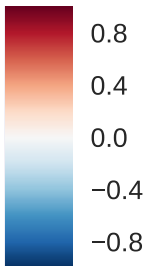


Clustermap of Spearman Correlation



k__; p__Bacteroidetes; c__Bacteroidia	1	-0.036	-0.027	0.085	-0.33	-0.96	-0.35	-0.35	-0.46	-0.19	-0.05	-0.16	-0.12	-0.19	-0.15	-0.073	-0.24	-0.44	-0.33	-0.11	-0.16	-0.14	k__; p__Bacteroidetes; c__Bacteroidia
k__; p__Proteobacteria; c__Gammaproteobacteria	-0.036	1	0.074	0.058	-0.0062	0.023	0.084	0.23	0.15	0.031	0.086	0.099	-0.056	0.0071	-0.096	-0.017	-0.068	-0.035	-0.049	-0.058	-0.039	-0.055	k__; p__Proteobacteria; c__Gammaproteobacteria
k__; p__Proteobacteria; c__Betaproteobacteria	-0.027	0.074	1	0.1	-0.062	-0.099	-0.012	0.051	0.053	-0.024	-0.053	0.094	0.052	-0.023	0.16	0.095	0.052	-0.035	-0.086	-0.071	0.068	0.087	k__; p__Proteobacteria; c__Betaproteobacteria
k__; p__Fusobacteria; c__Fusobacterium	0.085	0.058	0.1	1	-0.11	-0.15	-0.12	0.0059	-0.062	-0.04	-0.027	0.011	-0.029	-0.061	-0.023	-0.039	-0.04	-0.12	-0.053	-0.036	0.031	-0.08	k__; p__Fusobacteria; c__Fusobacterium
k__; p__Verrucomicrobia; c__Verrucomicrobia	-0.33	-0.0062	-0.062	-0.11	1	0.3	0.15	0.19	0.22	0.17	0.074	0.18	0.0023	0.13	0.0023	0.13	0.13	0.25	0.14	0.098	0.085	0.022	k__; p__Verrucomicrobia; c__Verrucomicrobia
k__; p__Firmicutes; c__Clostridia	-0.96	0.023	-0.099	-0.15	0.3	1	0.33	0.35	0.45	0.16	0.051	0.11	0.08	0.2	0.12	0.023	0.23	0.4	0.31	0.075	0.092	0.095	k__; p__Firmicutes; c__Clostridia
k__; p__Tenericutes; c__Erysipelotrichi	-0.35	0.084	-0.012	-0.12	0.15	0.33	1	0.17	0.28	0.12	0.13	0.2	0.013	0.058	0.024	0.031	0.048	0.17	0.1	0.086	0.1	0.18	k__; p__Tenericutes; c__Erysipelotrichi
k__; p__Firmicutes; c__Bacilli	-0.35	0.23	0.051	0.0059	0.19	0.35	0.17	1	0.31	0.051	0.12	0.088	0.064	0.11	-0.052	0.054	0.12	0.12	0.066	0.045	0.13	0.084	k__; p__Firmicutes; c__Bacilli
k__; p__Actinobacteria; c__Actinobacteria	-0.46	0.15	0.053	-0.062	0.22	0.45	0.28	0.31	1	0.21	0.17	0.3	-0.025	0.12	-0.034	0.059	0.024	0.18	0.14	0.12	0.06	0.04	k__; p__Actinobacteria; c__Actinobacteria
k__; p__Synergistetes; c__Synergistetes	-0.19	0.031	-0.024	-0.04	0.17	0.16	0.12	0.051	0.21	1	0.11	0.16	0.097	0.0034	0.042	0.11	0.11	0.17	0.23	0.069	0.053	0.074	k__; p__Synergistetes; c__Synergistetes
k__; p__Proteobacteria; c__Epsilonproteobacteria	-0.05	0.086	-0.053	-0.027	0.074	0.051	0.13	0.12	0.17	0.11	1	0.18	-0.019	-0.039	-0.048	0.014	0.02	-0.031	0.0034	-0.023	-0.026	-0.051	k__; p__Proteobacteria; c__Epsilonproteobacteria
k__; p__Proteobacteria; c__Deltaproteobacteria	-0.16	0.099	0.094	0.011	0.18	0.11	0.2	0.088	0.3	0.16	0.18	1	-0.094	0.14	0.027	-0.0045	0.13	0.1	0.071	0.14	0.0032	0.094	k__; p__Proteobacteria; c__Deltaproteobacteria
k__; p__Tenericutes; c__Tenericutes	-0.12	-0.056	0.052	-0.029	0.0023	0.08	0.013	0.064	-0.025	0.097	-0.019	-0.094	1	0.24	-0.052	0.12	0.045	0.2	0.16	-0.025	0.15	0.091	k__; p__Tenericutes; c__Tenericutes
k__; p__Firmicutes; c__Firmicutes	-0.19	0.0071	-0.023	-0.061	0.13	0.2	0.058	0.11	0.12	0.0034	-0.039	0.14	0.24	1	-0.075	0.048	0.13	0.28	0.18	0.019	0.033	0.025	k__; p__Firmicutes; c__Firmicutes
k__; p__Cyanobacteria; c__Cyanobacteria	-0.15	-0.096	0.16	-0.023	0.0023	0.12	0.024	-0.052	-0.034	0.042	-0.048	0.027	-0.052	-0.075	1	0.17	0.18	0.32	0.2	-0.0047	0.18	0.15	k__; p__Cyanobacteria; c__Cyanobacteria
k__; p__Bacteroidetes; c__Bacteroidia	-0.073	-0.017	0.095	-0.039	0.13	0.023	0.031	0.054	0.059	0.11	0.014	-0.0045	0.12	0.048	0.17	1	0.076	0.2	0.11	0.14	0.15	0.14	k__; p__Bacteroidetes; c__Bacteroidia
k__; p__; c__	-0.24	-0.068	0.052	-0.04	0.13	0.23	0.048	0.12	0.024	0.11	0.02	0.13	0.045	0.13	0.18	0.076	1	0.31	0.29	0.12	0.11	0.25	k__; p__; c__
k__; p__Tenericutes; c__Mollicutes	-0.44	-0.035	-0.035	-0.12	0.25	0.4	0.17	0.12	0.18	0.17	-0.031	0.1	0.2	0.28	0.32	0.2	0.31	1	0.59	0.16	0.25	0.22	k__; p__Tenericutes; c__Mollicutes
k__; p__Tenericutes; c__ML615J-28	-0.33	-0.049	-0.086	-0.053	0.14	0.31	0.1	0.066	0.14	0.23	0.0034	0.071	0.16	0.18	0.2	0.11	0.29	0.59	1	0.22	0.19	0.29	k__; p__Tenericutes; c__ML615J-28
k__; p__Verrucomicrobia; c__Opitutae	-0.11	-0.058	-0.071	-0.036	0.098	0.075	0.086	0.045	0.12	0.069	-0.023	0.14	-0.025	0.019	-0.0047	0.14	0.12	0.16	0.22	1	0.14	0.3	k__; p__Verrucomicrobia; c__Opitutae
k__; p__Proteobacteria; c__Alphaproteobacteria	-0.16	-0.039	0.068	0.031	0.085	0.092	0.1	0.13	0.06	0.053	-0.026	0.0032	0.15	0.033	0.18	0.15	0.11	0.25	0.19	0.14	1	0.28	k__; p__Proteobacteria; c__Alphaproteobacteria
k__; p__Lentisphaerae; c__Lentisphaerae	-0.14	-0.055	0.087	-0.08	0.022	0.095	0.18	0.084	0.04	0.074	-0.051	0.094	0.091	0.025	0.15	0.14	0.25	0.22	0.29	0.3	0.28	1	k__; p__Lentisphaerae; c__Lentisphaerae