R 프로그래밍 기초다지기

2강 - 벡터와 친해지기

슬기로운통계생활

Issac Lee



벡터와 친해지기



벡터 (Vector) 만들기



벡터를 만드는 2가지 방법

- 빈 벡터 선언 후 채우기
- 만들면서 채우기; c() 함수, : 연산자, seq() 함수

빈 벡터 선언 후 채우기



```
x <- vector(length = 3)
x</pre>
```

[1] FALSE FALSE FALSE

- 자동으로 FALSE를 채워줌.
- []을 사용하여 원소에 접근

```
x[2] <- 3
x
```

```
## [1] 0 3 0
```

벡터를 만들면서 채우는 방법



c() 함수와: 연산자 활용

```
c(1:5)
## [1] 1 2 3 4 5
c(1:5) * 2
## [1] 2 4 6 8 10
c(1:5) * 2 - 1
## [1] 1 3 5 7 9
```

: 의 연산 순서



• : 연산자의 연산 순서는 다른 사칙 연산보다 위에 있음

```
      1:3 - 2
      1:3 * 2

      ## [1] -1 0 1
      ## [1] 2 4 6

      1:(3 - 2)
      1:(3 * 2)

      ## [1] 1
      ## [1] 1 2 3 4 5 6
```

벡터를 만들면서 채우는 방법 2



seq() 함수 이해하기

- seq(시작값, 끝값, 옵션)
- by 옵션과 length.out 옵션 활용

```
seq(2, 10, by = 2)
```

[1] 2 4 6 8 10

seq(2, 10, length = 3)

[1] 2 6 10

같은 원소들로 채우는 방법 3



rep() 함수 이해하기

• 구문: rep(반복대상, 반복횟수)

```
rep(8, 4)
```

[1] 8 8 8 8

```
rep(c(1, 2, 4), 2)
```

[1] 1 2 4 1 2 4

$$rep(c(1, 2, 4), each = 2)$$

[1] 1 1 2 2 4 4

벡터 인덱싱 (Indexing)



원하는 벡터 원소만을 선택하기

● 구문 형식: vector1[vector2]

```
x <- 1:10 * 2
x

## [1] 2 4 6 8 10 12 14 16 18 20

x[3:6]

## [1] 6 8 10 12</pre>
```

벡터 인덱싱 (Indexing)



• 인덱싱 중복 가능

```
x[c(2, 2, 4, 3)]
## [1] 4 4 8 6
```

● 특정 원소 빼고 선택

```
x[-1] x[-c(1:3)] ## [1] 4 6 8 10 12 14 16 18 2 ## [1] 8 10 12 14 16 18 20
```

벡터에 대한 논리 연산



```
all() 함수, any() 함수
 Χ
 ## [1] 2 4 6 8 10 12 14 16 18 20
 all(x < 10)
 ## [1] FALSE
 any(x < 10)
 ## [1] TRUE
                                                                11 / 23
```

벡터 논리 연산과 필터링



• x 벡터의 각 원소가 10보다 작은가?

```
## [1] TRUE TRUE TRUE FALSE FALSE
## [7] FALSE FALSE FALSE
```

벡터 필터링

• 구문: vector[condition]

```
x[x < 10]
```

```
## [1] 2 4 6 8
```

논리 연산자와 조건문



알아두면 쓸데있는 연산자들

- ==, !=
- x[x == 4]
- ## [1] 4
- x[x != 4]
- ## [1] 2 6 8 10 12 14 16 18 2

- %% (나머지), %/% (몫)
- x[x % 4 == 0]
- ## [1] 4 8 12 16 20
- x[x %/% 4 == 2]
- ## [1] 8 10

논리 연산자와 조건문 2



```
a <- c(TRUE, TRUE, FALSE)
b <- c(TRUE, FALSE, FALSE)
                                  • [(OR)와]]
• & (AND) 와 &&
a & b
                                  a | b
## [1] TRUE FALSE FALSE
                                  ## [1] TRUE TRUE FALSE
a && b # 첫번째 원소만 비교
                                  a || b # 첫번째 원소만 비교
## [1] TRUE
                                  ## [1] TRUE
```

조건문 혼합하기



● 해석 연습

```
x[x == 4 | x > 15]
## [1] 4 16 18 20

• 왜 안될까?
```

x[x == 4 || x > 15]

```
## numeric(0)
```

필터링을 이용한 벡터 변경



```
x
## [1] 2 4 6 8 10 12 14 16 18 20

x[x >= 10] <- 10
x
## [1] 2 4 6 8 10 10 10 10 10 10</pre>
```

조건을 만족하는 위치 탐색 which()



```
Χ
## [1] 2 4 6 8 10 10 10 10 10 10
x < 7
   [1] TRUE TRUE TRUE FALSE FALSE
  [7] FALSE FALSE FALSE
which(x < 7)
## [1] 1 2 3
```

17 / 23

데이터가 없는 비어있을 땐 NA



• NA (Not Available): missing data

```
a <- c(20, NA, 13, 24, 309)
a
## [1] 20 NA 13 24 309
• NA 무시옵션
```

```
mean(a) mean(a, na.rm = TRUE)

## [1] NA ## [1] 91.5
```

존재하지 않음을 나타내는 NULL



NA와 NULL의 차이

```
NULL_is_not_blank <- NULL
c(1, NULL_is_not_blank)

## [1] 1

NA_is_blank <- NA
c(1, NA_is_blank)

## [1] 1 NA</pre>
```

벡터에 이름 붙여주기



- 경우에 따라서 벡터의 각 원소에 이름을 붙여줄 수 있음
- 보통의 경우

```
my_vector <- c(1, 20, 300)
names(my_vector)

## NULL

my_vector

## [1] 1 20 300</pre>
```

● 이름 붙여준 경우

```
names(my_vector) <- c("first", "
my_vector

## first second third
## 1 20 300

my_vector["second"]

## second</pre>
```

여러 벡터들을 묶어보자



```
cbind() Prbind()
```

 세로로 붙어주는 column bind

• 가로로 쌓아주는 row bind

```
rbind(1:4, 12:15)

## [,1] [,2] [,3] [,4]

## [1,] 1 2 3 4

## [2,] 12 13 14 15
```

다음시간 110 000 101 행렬 다루기

참고자료 및 사용교재



[1] The art of R programming

- R 공부하시는 분이면 꼭 한번 보셔야하는 책입니다.
- 위 교재의 한글 번역본 빅데이터 분석 도구 R 프로그래밍도 있습니다. 도서 제목 클릭하셔서 구매 하시면 저의 사리사욕을 충당하는데 도움이 됩니다.