Acph-1 je encim, ki se nahaja v živalskih strupih, predvsem pri kačah in nekaterih drugih strupenih živalih. Gre za kislo fosfatazo, ki katalizira odstranjevanje fosfatne skupine iz različnih molekul. Med drugim jo imajo tudi nekatere vrste sadne muhe. Te izvirajo iz Sredozemlja, razširile pa so se na večino Evrope in Bližnjega vzhoda.

1. Zadnji članek, ki povezuje encim z iskano vrsto sadne muhe, je bil objavljen leta 2003. Poišči ta članek in odkrij iskano latinsko ime te živalske vrste.

## Excess of nonsynonymous polymorphism at Acph-1 in different gene arrangements of Drosophila subobscura

Aurea Navarro-Sabaté 1, Montserrat Aguadé, Carmen Segarra

Affiliations + expand

PMID: 12832637 DOI: 10.1093/molbev/msg196

 Glede na to, da so kisle fosfataze široka skupina encimov s podobno funkcijo, odkrij, ali najdemo podoben protein tudi pri človeku. Zapiši UniProt ID iskanega encima!

## venom acid phosphatase Acph-1 [Drosophila subobscura]

NCBI Reference Sequence: XP\_034657106.1

Identical Proteins FASTA Graphics

DBSOURCE REFSEQ: accession XM 034801215.1

## PREDICTED: Drosophila subobscura venom acid phosphatase Acph-1 (LOC117894260), mRNA

NCBI Reference Sequence: XM\_034801215.1

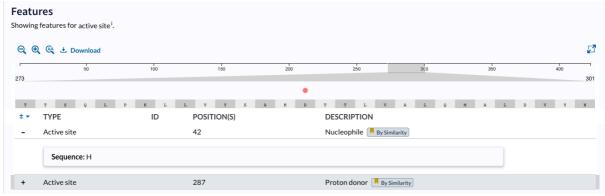
FASTA Graphics

FASTA aminokislinskega zaporedja v BLASTp; iskanje po swissprot bazi.

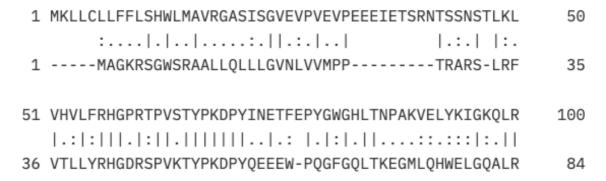
| Homo\_sapiens | RecName: Full=Lysosomal acid phosphatase: Short=LAP: Flags: Precursor [Homo\_sapiens | Homo\_sapiens | Homo\_sapiens | Homo\_sapiens | RecName: Full=Lysosomal acid phosphatase | Homo\_sapiens | Homo\_sapi

3. Na katerem aminokislinskem ostanku encima Acph-1 iz iskane mušice je aktivno mesto, ki je ključno za njegovo delovanje v strupu. Ta aminokislinski ostanek deluje kot nukleofil in katalizira hidrolizo fosfatnih estrov. Zapiši ime in pozicijo aminokislinskega ostanka v polipeptidni verigi!



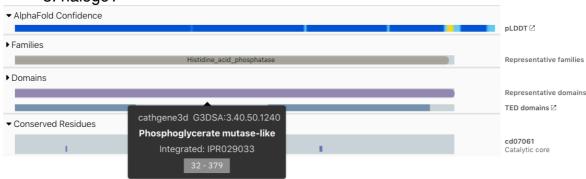


Narediš globalno poravnavo z EMBOSS Needle.



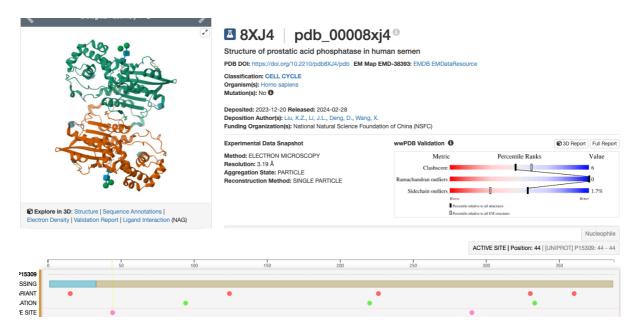
Zgornji je iz mušice, spodnji iz človeka. Pravilni odgovor je H-57.

4. Kako se imenuje domena, v kateri se nahaja iskano aktivno mesto encima iz 3. naloge?



5. Kakšen je PDB ID iskane domene iz 4. naloge? Če struktura zanjo še ni eksperimentalno določena, najdi PDB ID najbolj podobne domene. S katero metodo je bila struktura določena in v katerih celicah jo najdemo? Iz koliko podenot je sestavljena?

Ni eksperimentalno določena, zaporedje domene daš v BLAST, iščeš po pdb bazi.



6. Naredi filogenetsko drevo vseh proteinov, ki si jih našel v predhodnih nalogah. Kaj opaziš?

Narediš filogenetsko drevo v Clustal Omega in nato v Phylo.io, vsi trije izhajajo iz istega prednika.

