

GENE - AMI - EAC-W

max - mean	0.0763	0.0763	0.0885	0.1132	0.0763	0.1139
max - min	0.0768	0.0763	0.0885	0.1128	0.0763	0.1139
prob - CLK	0.0763	0.0763	0.0763	0.0763	0.0763	0.0763
prob - mean	0.0763	0.0763	0.0913	0.1100	0.0763	0.1084
prob - min	0.0763	0.0763	0.0913	0.1138	0.0763	0.1084
range - CBK	0.0763	0.0763	0.0763	0.1122	0.0763	0.1091
range - mean	0.0763	0.1090	0.0913	0.1283	0.1024	0.1084
range - min	0.0807	0.1081	0.0913	0.1283	0.1048	0.1084
rank - RRA	0.0868	0.0763	0.1027	0.1087	0.0763	0.1110
rank - mean	0.0763	0.0763	0.1025	0.0829	0.0763	0.1059
rank - min	0.0763	0.0763	0.1025	0.1052	0.0740	0.1070
	none	FSKM	SFS	LS	FEKM	PPCA

II

GENE - AMI - CSPA-W

max - mean	0.1582	0.1591	0.1573	0.1626	0.1582	0.1636
max - min	0.1420	0.1626	0.1648	0.1635	0.1591	0.1725
prob - CLK	0.1497	0.1585	0.1585	0.1519	0.1528	0.1563
prob - mean	0.1538	0.1569	0.1594	0.1612	0.1547	0.1718
prob - min	0.1560	0.1569	0.1572	0.1582	0.1569	0.1789
range - CBK	0.1538	0.1542	0.1629	0.1581	0.1609	0.1676
range - mean	0.1609	0.1518	0.1628	0.1626	0.1746	0.1694
range - min	0.1257	0.1669	0.1669	0.1533	0.1737	0.1640
rank - RRA	0.1618	0.1680	0.1569	0.1644	0.1673	0.1627
rank - mean	0.1600	0.1591	0.1529	0.1578	0.1575	0.1565
rank - min	0.1590	0.1600	0.1529	0.1595	0.1587	0.1622
	none	FSKM	SFS	LS	FEKM	PPCA

II

GENE - AMI - DICLENS-W

max - mean	0.1555	0.1504	0.1561	0.1653	0.1652	0.1749
max - min	0.1804	0.1548	0.1596	0.1735	0.1530	0.1725
prob - CLK	0.1639	0.1726	0.1690	0.1683	0.1672	0.1685
prob - mean	0.1879	0.1904	0.1949	0.1968	0.1933	0.1947
prob - min	0.1839	0.1922	0.1955	0.1928	0.1914	0.1972
range - CBK	0.1674	0.1616	0.1512	0.1555	0.1522	0.1629
range - mean	0.1830	0.1794	0.1591	0.1759	0.1928	0.1727
range - min	0.1632	0.1832	0.1583	0.1887	0.1970	0.1764
rank - RRA	0.1586	0.1709	0.1631	0.1734	0.1591	0.1604
rank - mean	0.1682	0.1676	0.1632	0.1725	0.1697	0.1781
rank - min	0.1931	0.1804	0.1656	0.1788	0.1752	0.1723
	none	FSKM	SFS	LS	FEKM	PPCA

II