

# The DNA Catalytic & PDE Computing and The Derivation of New TXH INITONS

## DNA 催化 与 肽展计算 和 AOPM-TXH-VECS-IDUQ 元基解码

### 0. 1. 3 定稿排版中. . . 0. 2. 2

Yaoguang luo

Liuyang Deta Software Development Limited Company

313699483@qq.com

**OUTLOOK** 1: 解放生产力, 创造新的生产力. 2: 优化已有的生产工具更好的适应生产环境. 3: 更好的辅助智慧生物 理解, 适应和 改造环境; 医学教育领域实践, 商品与 API 需求分解; DNA 与神经元函数 肽展编码, 类人与进化系统设计.

Emancipate the productive forces, Create new productivity; Optimize existing production tools to better adapt to the production environment; Better assists Humanoid in where understanding, adaptation and transformation of the environment.

**KEYWORD** 元基, 肽展公式, 黄嘌呤, 次黄嘌呤, 2 氨基腺嘌呤, 触发, 探索, 嘌呤弧, 碱基对, 催化神经网络 INITON, PDE, Xanthine, HypoXanthine, 2AminoAdenine, Trigger, Explore, Arc Purine, Base pair, Nero Catalytic.

**ABSTRACT** 在 DNA 编码 与 肽计算定理公式 推导出来后, 作者 根据变嘌呤定义 顺藤摸瓜 通过肽计算来反演推导 DNA 编码的存在性和 解码真实性, 于是又有了些新发现, 如 TX-H-U 活泼元基在 DNA 催化计算的准确定义, 和 元基在 生化计算环境中 的存在模型. 这些新发现 将在这篇文章细节中 一一阐述:

目录:

- 1 推导与定义: 甲基胞嘧啶 在 DNA 编码 和 肽计算 中具体定义为 IDUQ-U 变嘌呤.
- 2 推导与定义: 2 氨基腺嘌呤 在 DNA 编码 和 肽计算 中具体定义为 VECS-V 变感腺嘌呤.
- 3 推导与定义: 次黄嘌呤 在 DNA 编码 和 肽计算 中具体定义为 VECS-E 尿变嘌呤.
- 4 推导与定义: AOPM-A 变胸腺苷, AOPM-O 尿胞变腺苷, AOPM-P 尿胞变鸟苷, AOPM-M 鸟腺苷的 S 形螺旋纹 血氧峰触发器分子式催化计算 严谨完整过程.
- 5 推导与定义: VECS-VECS 嘌呤对, VECS 嘌呤弧, VECS-IDUQ 碱基对, IDUQ-IDUQ 嘌呤对的催化模型.
- 6 推导与定义: 次黄嘌呤, 尿变嘌呤 VECS-E = IDUQ-U 变嘌呤, 甲基胞嘧啶 E=U 全新 DNA 计算碱基对.
- 7 推导与定义: 2 氨基腺嘌呤, 变感腺嘌呤 VECS-V = IDUQ-I 尿嘌呤 V-I 计算碱基对.
- 8 推导与定义: 碱基对 Rotation 观测 与 黄嘌呤在 DNA 编码 和 肽计算 中具体定义为 VECS-EC 尿变鸟嘌呤.
- 9 推导与定义: VECS-EC 尿变鸟嘌呤, 黄嘌呤肽展计算 AOPM-OP-T 变感腺尿变苷与 AOPM-OP-X 变感腺鸟苷
- 10 归纳与定义: DNA 与 TX-H-U 元基解码.
- 11 推导与定义: DNA 元基催化计算与 ETL 肽展神经网络计算流.
- 12 似乎又 没有结束, 后序与感谢.

## MAIN

### 1 推导与定义: 甲基胞嘧啶 在 DNA 编码 和 肽计算 中具体定义为 IDUQ-U 变嘧啶.

The Definition of The Methyl-cytosine in DNA Catalytic Computing and The Derivation of The IDUQ-U of The L-Pyrimidine

下述文字不仅阐述了 IDUQ 应激元基中的变嘧啶存在形式和参与催化计算的方式, 作者通过论证找到了它真实存在形态. 和在 DNA 中具体应用功能和定义.

OUTLOOK: This paper implements the main function with the IDUQ-U[10][11][9], the L-Pyrimidine of the DNA catalytic computing for the continuing research. In order to build the humanoid DNA computer, the Author find out more results in this paper end conclusion.

KEYWORD: PDE[12], AOPM[7], VECS[8], IDUQ[10][11][9], DNA, L-PYRIMEDINE[12], INITONS[10], PURINE[13], METHYLCYTOSINE[13]

肽展公式, 智慧性元基, 多样性元基, 应激性元基, 遗传核酸, 变嘧啶, 嘧啶, 嘌呤, 甲基胞嘧啶.

#### ABSTRACT:

Since the Function INITONS of DETA ETL[2]. DETA parser[1], DETA socket PLSQL database[3], DETA prediction[6], DETA data processor[4] and DETA swap[5] etc of 18 projects then build the AOPM VECS IDUQ and The INITONS Catalytic Reflection Between Humanoid DNA and Nero Cell[10] 1. 2. 2 finished, The Author has been thinking that how to let the software programming code build as the AOPM VECS IDUQ link list. Until the AOPM-VECS-IDUQ Catalytic INITONS PDE LAW and Its Application[12]1. 2. 2 finished, Human begin to know that the DNA could be extended in an article.

自从德塔 AOPM VECS IDUQ 的 DNA 意识编码 1. 2. 2 体系出来后, 我一直在思考 怎么进行单链化, 在 肽展公 式 1. 2. 2 推导 出来后, 我很惊讶, DNA 竟然可以展开成一篇文章, 我得到很多新奇的发现, 同时, 我还推出了变嘧啶 这个 莫须有的东西, 在不断的 推导和模拟我的语义词汇时候, 我发现, 变嘧啶成了不可缺失的组成部分. 于是觉得 有必要进行理论化的进行描述这个 莫须有的物质客观上是否真的存在. 是否有 合理性的分子表达式. 因为主观上 变嘧啶是 IDUQ 中的 U, DNA 和肽计算不可缺少的一个核心微元基单位, L pyrimidine Initon. 为了很好的描述这个 变嘧啶, 我开始观察 尿 嘧啶, 胞嘧啶, 鸟嘌呤, 腺嘌呤, 胸腺嘧啶, 在人卫九的 生物化学与分子生物学中第 32 页 核苷酸嘌呤嘧啶结构式, 第 39 页, TAT 和 第 46 页 tRNA 以及 59 页 酶的给工作原理, 于是我首先确定嘧啶结构 如图 第 11 处, 我得到一个 通用嘧 啶结构. 在肽展公式推导中, 我已经有了比较具体的完整的 逻辑公式, 比如  $C = U + D$ ,  $D = DD$ ,  $S = I + Q$ ,  $C = D$ ,  $I = U$ , 我

开始持续的绝对专注,我只能依靠这些公式来推导 变嘧啶. 通过图片,推导出 11 和 6,7,8,我思考了下,氨基 对上进行 5 碳环肽解,腺嘧啶需要 共价氧,那 鸟嘌呤元基 C 上的公共价氧 应该对应的 UD 一定需要 胺基来维 持 DNA 平衡,于是得到 9 和 10,我不确定 10 的 第五个位置的氮是共价 NH, 还是不共价 NH<sub>2</sub>, 于是开始继续思 考. 非常的幸运,按照数字逻辑和离散数学 补码原理 推导 见 肽展公式 1.2.2 国家论著, 我得到了  $C = D$  这个公 式,同时又得到  $C = U + D$  这个公式,于是我不妨大胆一点,U 应该类似 D, 变嘧啶 应该类似 胞嘧啶的结构. 于是确定 苯环上第 5 位的氮应该是 共价存在. 于是得到了 13 的 嘧啶物质. 我 又迷惑了 13 不就是 胞嘧啶吗? 我思考了 下,  $I = U$ , 我还有这个公式,尿嘧啶推导 变嘧啶,可是 13 是胞 嘧啶呀. 开始疑惑了我的肽展公式有 问题? 我一直 在思考,  $I = U$ , U 和 胞嘧啶一样,如果确定我的公式 是正确的,那我只有一个答案,就是 U 包含 胞嘧啶. 结构 于是 我又看了下 胸腺嘧啶的甲基,又看了下 胞 嘧啶++ 酸化成尿嘧啶,我得到一种思路,难道 尿嘧啶 通过碱化可得 到一种包含胞嘧啶分子结构的氨基嘧啶? 氢氧化钠? 不,那是烧碱,烈着呢,甲烷? 甲烷有可能,想起浏阳三中的罗满生老师当年教这节课,我又开始 思考,我来了些灵感,人体的组织液里面 细胞核裂变怎么会有甲烷和烧碱呢? 除了胃和 放屁,有甲烷,硫 铵,... 硫铵,, 氨碱? 难道是氨基碱? 尿嘧啶 与氨基碱类,可以得到 15 类 一大把 胞嘧 啶族的分子,我又 看了下 胸腺嘧啶的甲基,难道是氨基碱?  $NH_2CH_3$ ? 这就对上号了,最终我的得到,15 这个物质,因为,人体组 织液里 不可能会有强碱分子的,所以,氨基碱类这种弱碱性普遍存在的组织液里,尿嘧啶可以被氨化 重复利 用参与核计算.

In that same time, the Author did research out a lot of results. For example L-Pyrimidine, Because of the large Derivations and monitors from the human thinking and mind cognition, It proofs that L-pyrimidine became the important part of the NLP and DNA catalytic computing. Then the Author begin to proof that Does the L-pyrimidine is a real thing in this real world? Does the L-pyrimidine which has its own chemical model. Since we have AOPM VECS IDUQ, the U/update is one of a basic initon, Not only The U/update initon is an important part of the DNA catalytic computing. It also is a basic part of the PDN extension initons. L-pyrimidine Initon. At the first, The Author named it as L-pyrimidine Initon, the first char of Luo, Liang, Li and Liu. (Author's family). Since we have uracil[13], cytosine[13], guanine[13], adenine[13] and thymine[13], From the Biochemistry and Molecular Biology, page 32, it shows the chemical model of the purines and pyrimidines. From the page 39, page 46 and page 59, it shows the TAT, tRNA, and Enzyme tasks. So, the Author did a definition of the common model of pyrimidine. The Author did an identification in a figure 1, identify 11: Since get a DNA PDE formula likes:  $C = U + D$ ,  $D = DD$ ,  $S = I + Q$ ,  $C = D$  and  $I = U$  etc[12]. Base on those formulas, Author could find out the figure 1, identify 11, 6, 7, 8 factors in the picture1, It shows with the amino pair, adenine and thymine need a covalent Oxygen. Also, cytosine and guanine need amino base, the Author proofs the DNA catalytic computing absolutely is an Accumulation of PLC digit logic

computing. The 'covalent Oxygen' and 'Amino base' are the DNA Clock. Base from the human Heart heating. It shows the results figure 1, identify 9 and 10, For the position 5, which is NH or NH<sub>2</sub>, the author begin fall in thinking. From the 'Catalytic INITONS PDE LAW and Its Application's formula, it has  $C = D$ ,  $C = U + D + D$ , then could get  $U \rightarrow D$ , The model of L-pyrimidine will similar with cytosine. above all, it proofs that the position 5 of the pyrimidine is a covalent nitrogen. as the figure 1, identify 13. definitely, the figure 1, identify 13 is cytosine... please see the  $I = U$  formula. the uracil could be a L-pyrimidine, but L-pyrimidine similar with cytosine. if the PDE formula is a true function and the L-pyrimidine is not the same with cytosine, then proof L-pyrimidine contains cytosine. finally see thymine, the CH<sub>3</sub> with the position 1, the author think, NH<sub>2</sub>CH<sub>3</sub> add uracil could be a Methyl-cytosine. because scientist is hard to find NaOH, CH<sub>4</sub>. in human's tissue fluid. only the result that is NH<sub>2</sub>CH<sub>3</sub> or Amino Alkali.

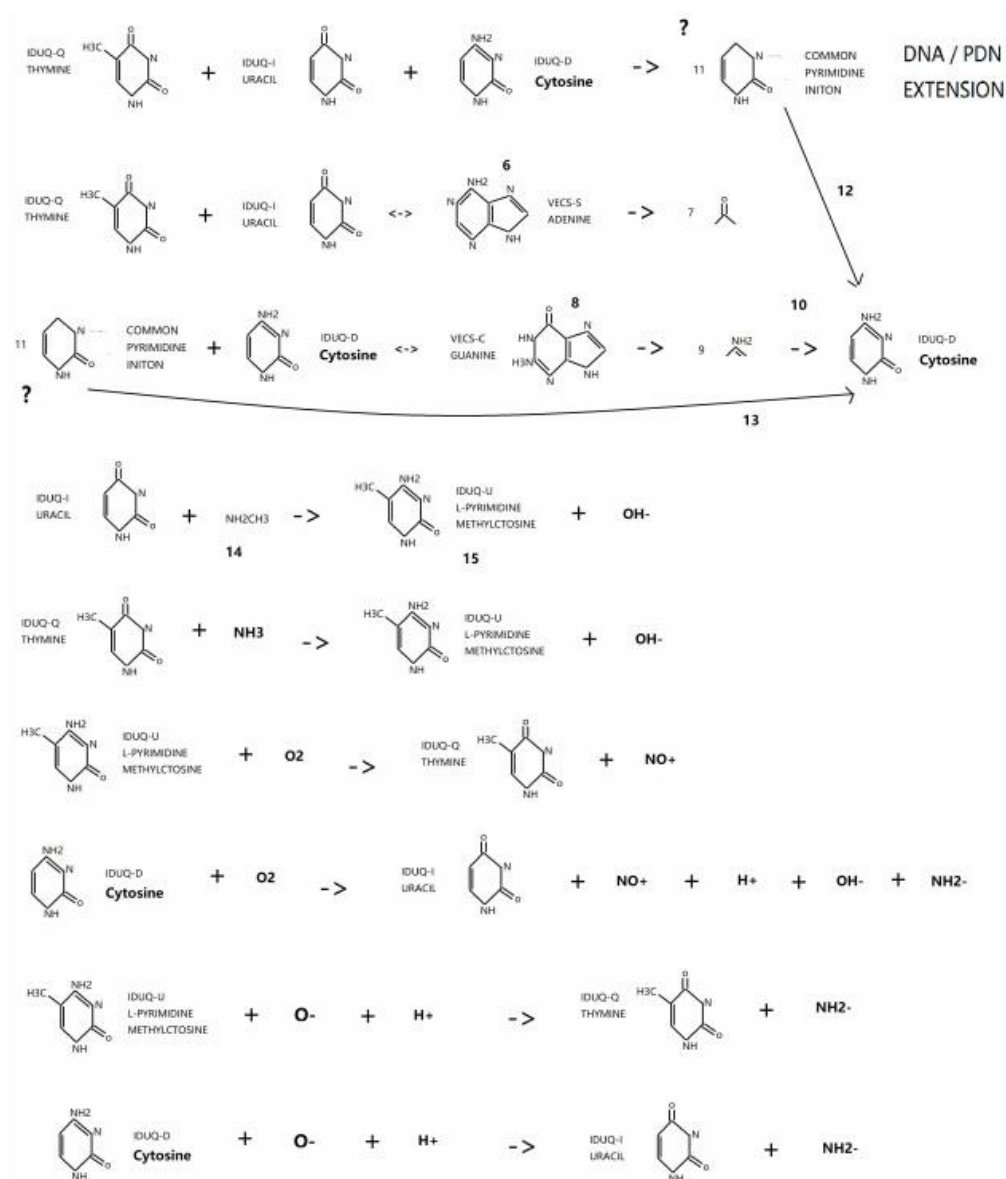


Figure 1

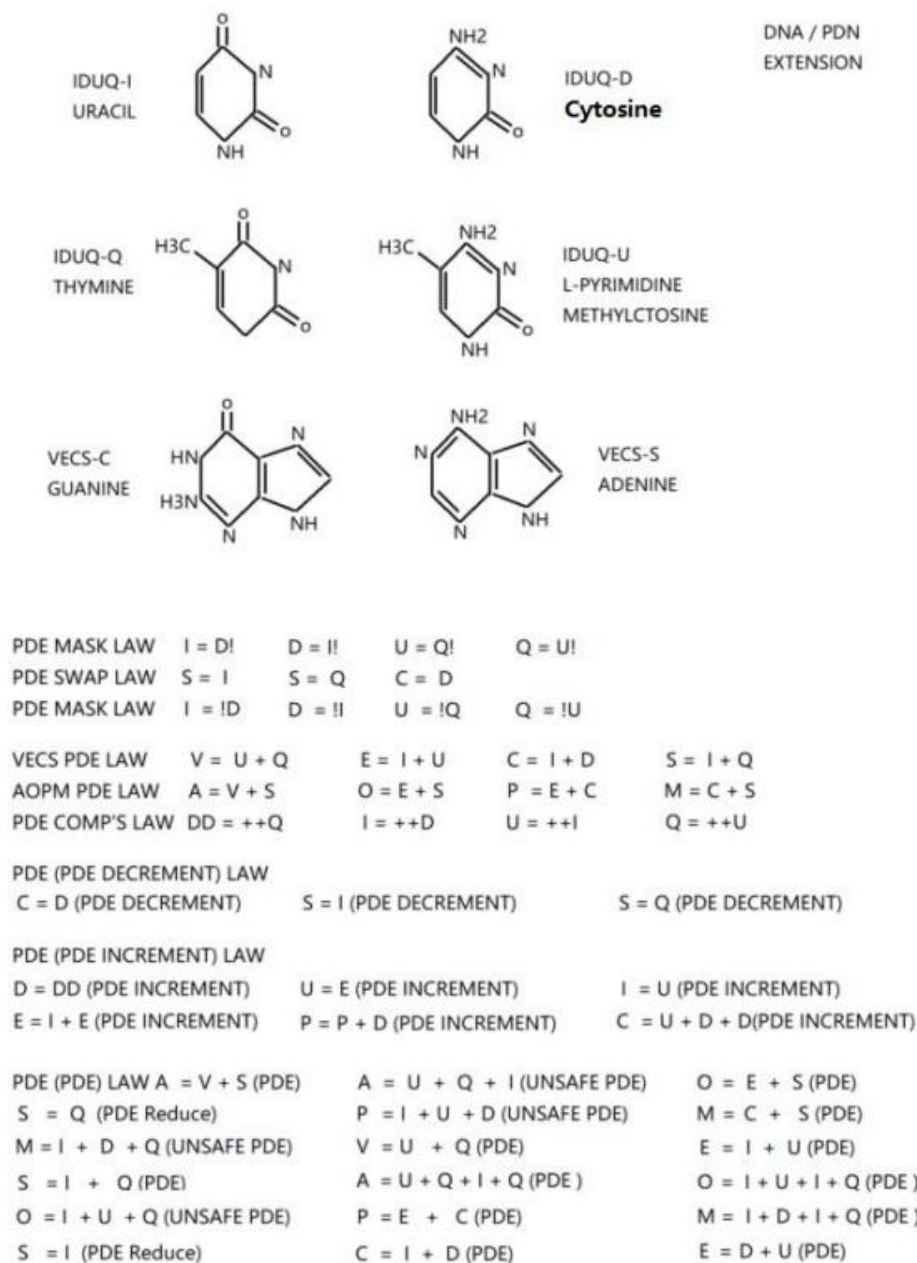


Figure 2

## CONCLUSION:

Author proofs the figure 1, 15 identify, Methylcytosine is a L-pyrimidine[12], Methylcytosine is a L-pyrimidine, is a AOPM\_VECS\_IDUQ-U initon (update part role) in DNA Catalytic computing, The Author named it as L-Pyrimidine, L, the first char of Luo, Liang, Li and Liu(Author's family name).

作者归纳通过计算逻辑推导, 如 figure1 的第 15 处, 甲基胞嘧啶 的客观真实存在 在微分催化中执行变嘧啶的改元基逻辑. 作者用姓氏的首字母命名为变嘧啶 L-PYRIMIDINE.

## 2 推导与定义: 2 氨基腺嘌呤 在 DNA 编码 和 肽计算 中具体定义为 VECS-V 变感腺嘌呤.

自从 DNA 编码[10], dna 计算[12], 肽展公式[12], 变嘧啶和甲级胞嘧啶具体定义以及血氧峰时钟出发去模拟[14], IDUQ 元基已经破解. 作者开始跟进思考 设计, 通过 DNA 与 肽展公式 计算推导 变感腺嘌呤 与 尿变嘌呤的 具体结构已经有所突破. 如下.

出发点已经不再像前几年从无到有的过程了, 现在, 作者已经有 DNA 语义 AOPM[7] VECS[8] IDUQ[10] 12 元基 initons, 和具体的肽展公式, 以及 鸟嘌呤[13], 腺嘌呤[13], 尿嘧啶[13], 胞嘧啶[13], 变嘧啶(甲基胞嘧啶), 胸腺嘧啶(甲基尿嘧啶)[13]. 具体结构.

作者思考方式比较朴素, 先从尿变嘌呤开始. 作者思考了下已经具备的推导公式

### 1 肽展公式 PDN EXTENSION LAW 肽展定理

$$E = I + U$$

### 2 染色体 语义分类 DNA 编码

VECS-E 执行元基. 和鸟嘌呤一类 属于动词.

### 3 肽展公式 PDN COMP'S LAW 离散补码定律则有

$$I = ++D, U = ++I, Q = ++U$$

### 4 血氧时钟计算峰 触发器 数字逻辑

推导:

1 于是作者首先可以得到一个通用的嘌呤结构.

2 通过 DNA 语义 可以得知, VECS-E 和 VECS-C 都属于动词, 属于酸性嘌呤结构含有共价氧.

3 通过  $E = I + U$ , 可以推导出  $S = I(I-- = D) + Q(Q-- = U)$ , 在血氧时钟峰来临后 触发肽补码 单位时钟碱计算, S-IQ 腺嘌呤变成 E-DU 尿变嘌呤.

4 同理  $V = U + Q$  血氧时钟峰到来,  $C = U + (DD --)$ 触发肽补码 单位时钟酸碱计算, 鸟嘌呤变成变感腺嘌呤.

$$C = U + D + D$$

$$S = I + Q$$

$$\text{酸 } U++ = Q \quad DD++ = II$$

$$I++ = I \quad Q++ = Q$$

$$\text{碱 } U-- = U \quad DD-- = Q \quad Q-- = U \quad II-- = DD$$

$$I-- = D \quad Q-- = U$$

$$V = U + Q + DD$$

$$E = D + U$$

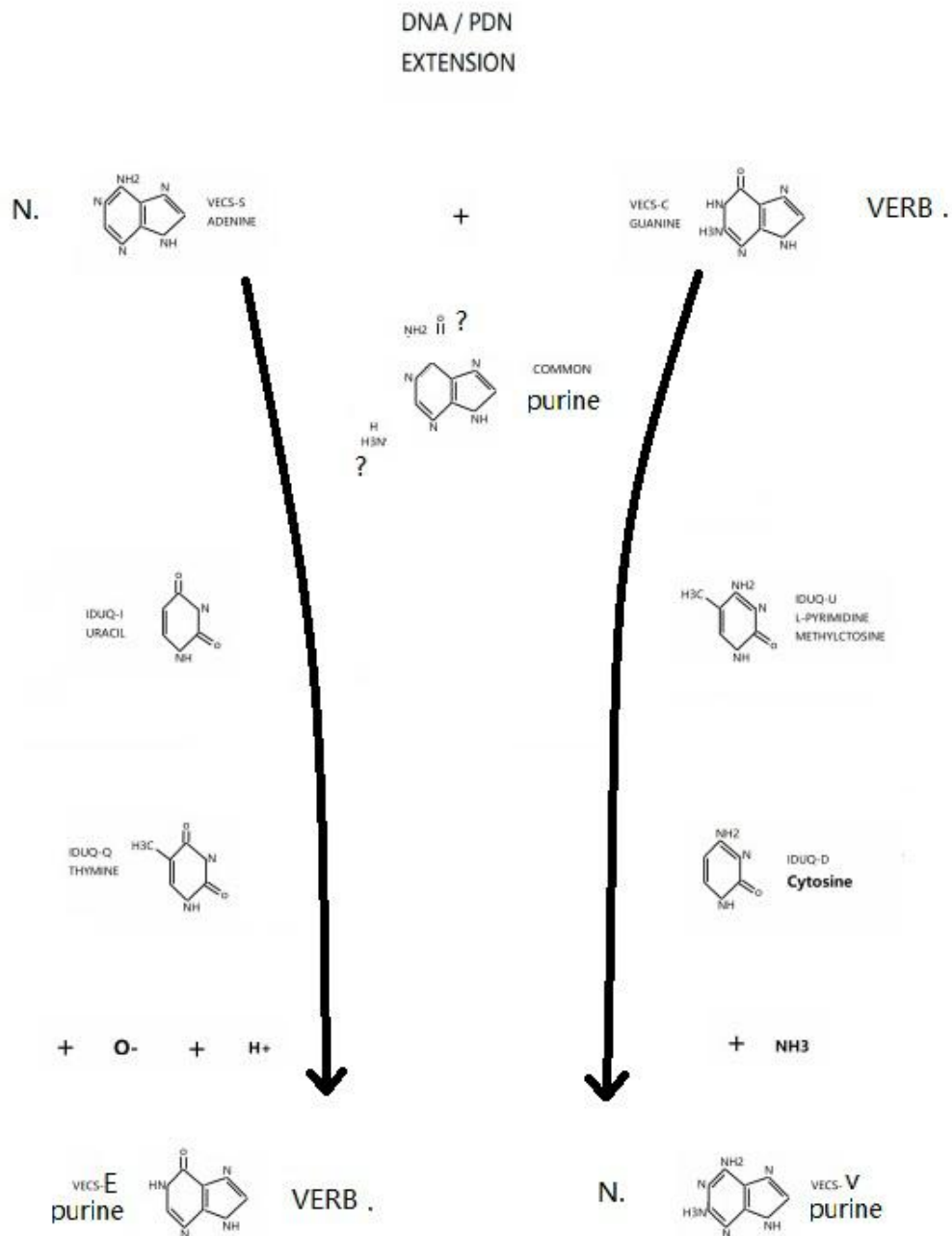


Figure 1

附加论证结论:

一 鸟嘌呤变成变感腺嘌呤 时候, 因为是碱化, 所以 NH<sub>3</sub> 氨基保留. 逻辑正确.

二 在已经完整论证出 IDUQ 为 应激性 元组后, VECS 在酸碱血氧时钟峰下进行嘌呤动名词 补码变换 DNA 和肽展计算. 计算逻辑 为 变嘧啶 的 催化 ++ 和 - 如这篇文描述的.

三 这篇文章中标名的名词 如 腺嘌呤 和 变感腺嘌呤, 其实更严谨推导归纳 应为 动名词. 作为肽催化钥匙驱动 在血氧峰时钟触发器中 逻辑驱动 DNA 和 RNA 的 肽计算.

四 百度百科上搜索到 VECS-V 感知元基 变感腺嘌呤 对应英文名为 2Amino腺nine, 2 氨基腺嘌呤.

### 3 推导与定义: 次黄嘌呤 在 DNA 编码 和 肽计算 中具体定义为 **VECS-E 尿变嘌呤**.

作者在 人卫 9 生物化学与分子生物学 第 203 页找到 VECS-E 执行元基 尿变嘌呤 的 对应化学名为次黄嘌呤[13], 百科搜索对应英文名为 Hypoxanthine.

### 4 推导与定义: **AOPM-A 变胸腺苷, AOPM-O 尿胞变腺苷, AOPM-P 尿胞变鸟苷, AOPM-M 鸟腺苷**的 S 形螺旋纹 **血氧峰触发器**分子式催化计算 严谨完整过程.

随着 VECS[15][8]-IDUQ[14][9][10][11][12]完整解码, AOPM[7]就简单了. 准备描述下.

作者已经拥有 肽展公式[12]

$$A = V + S$$

$$O = E + S$$

$$P = E + C$$

$$M = C + S$$

可以归纳为:

AOPM-A 变胸腺苷[12]: 组合成份为 变感腺嘌呤 - 腺嘌呤 苷.

AOPM-O 尿胞变腺苷[12]: 组合成份为 尿变嘌呤 - 腺嘌呤 苷.

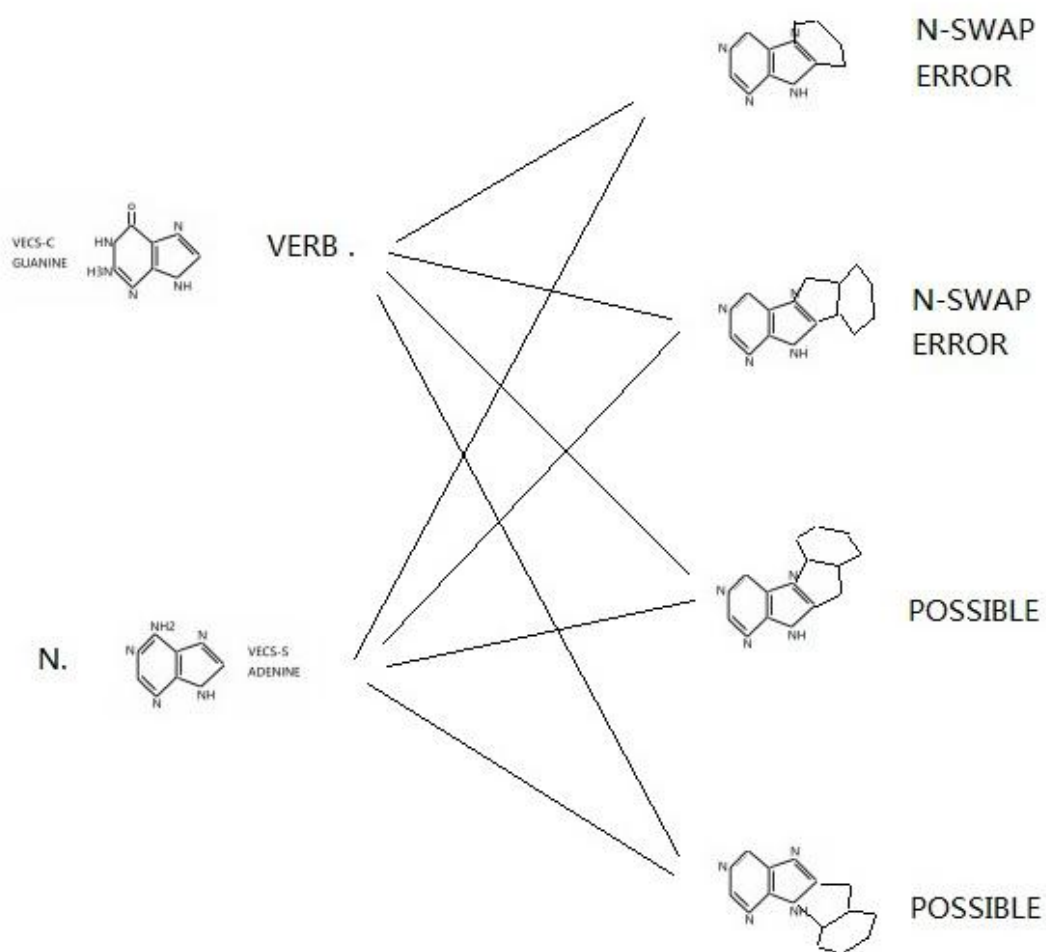
AOPM-P 尿胞变鸟苷[12]: 组合成份为 尿变嘌呤 - 鸟嘌呤 苷.

AOPM-M 鸟腺苷[12]: 组合成份为 鸟嘌呤 - 腺嘌呤 苷.

作者思考了下观测结构, 这种高级苷 可能存在 氢离子苷, 氮离子苷和氧离子苷, 存在形态准备在下文中开始一一计算观测论证. 作者在这个时候进行描述下: 作者的思维推导能力来自于 在已经推导出来的 DNA 编码 1.2.2 和肽计算定理 1.2.2, 作者仅仅根据已知的结论进行拓展, 无法确定 AOPM 的客观存在形式, 于是将所有可能存在的模型一一观测模拟论证如下. 首先作者可以推论出在 DNA 计算[12]中, 苷作者认为可以观测的模型可以有很多种, 因为这篇著作是生化计算的 研究推导, 不是生化建模和生化医药, 这篇文章不讨论.

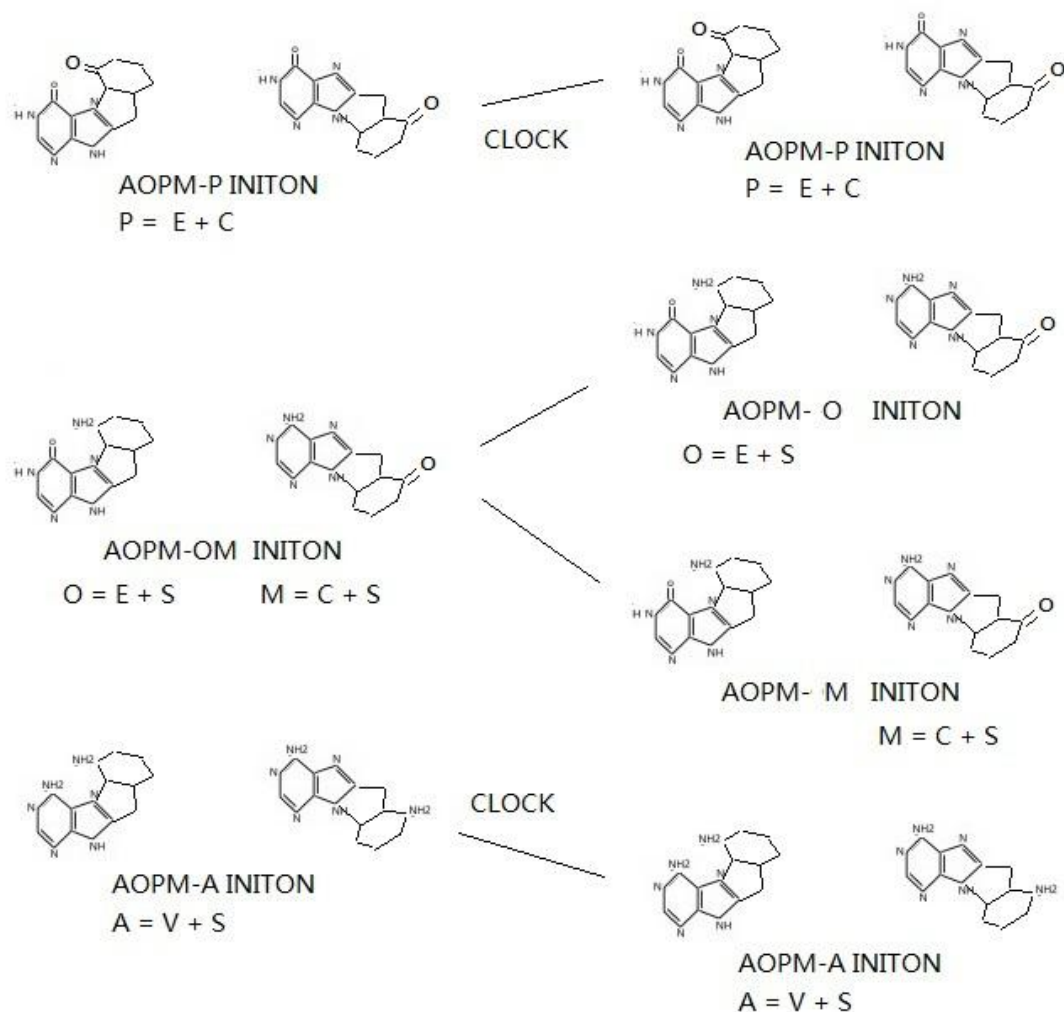


$$M = C + S$$



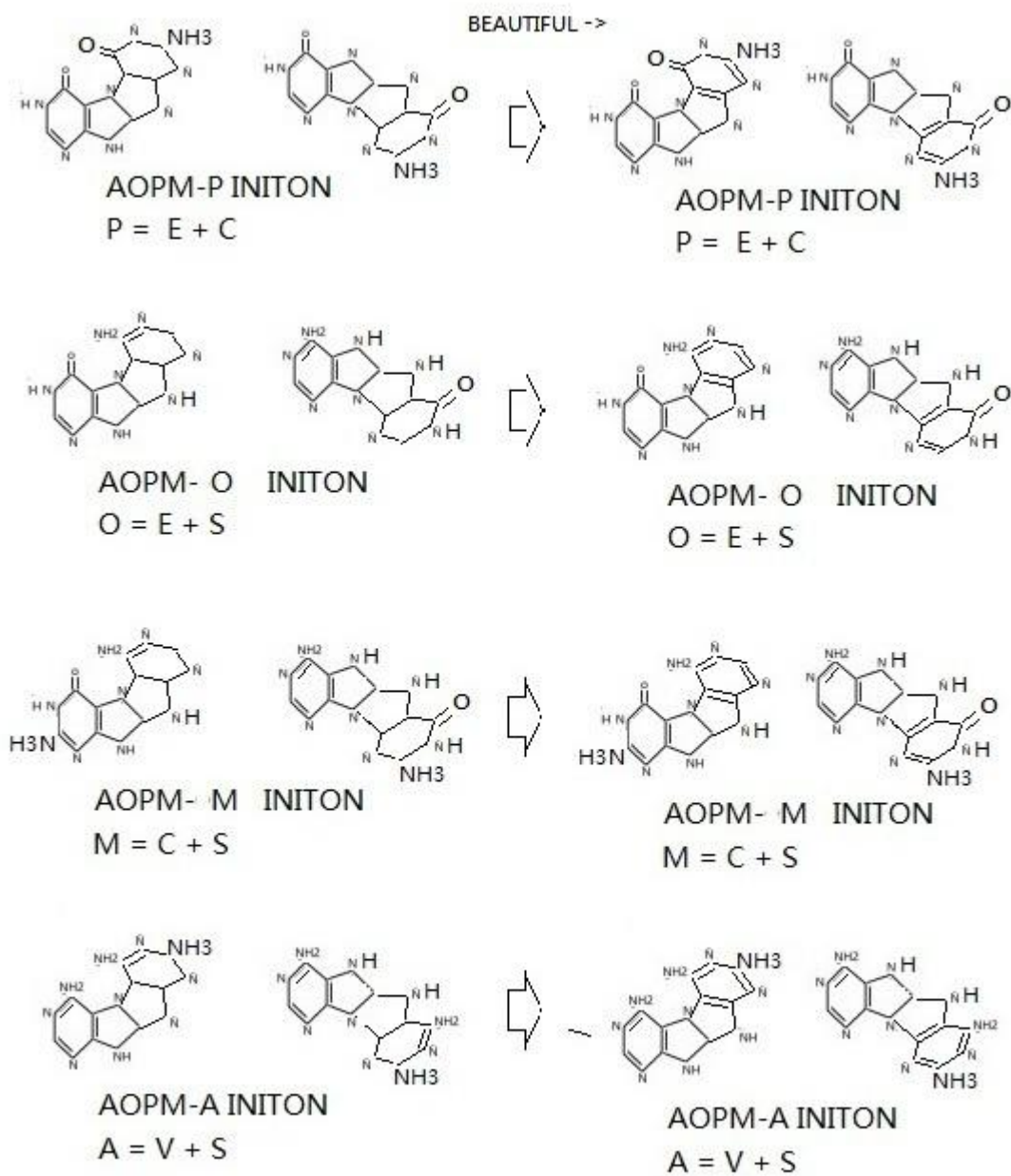
的降解 聚合 变换, 起主导作用仍是 变嘧啶(甲基胞嘧啶)[14] 作为肽钥匙, 在血氧峰 心跳时钟[14]下 做 酸碱触发器信号的 数字逻辑计算[14]. 大体归纳出图中右边 4 种重要特征属性类.

5 推导与定义: VECS-VECS 嘌呤对, VECS 嘌呤弧, VECS-IDUQ 碱基对, IDUQ-IDUQ 嘧啶对的催化模型.

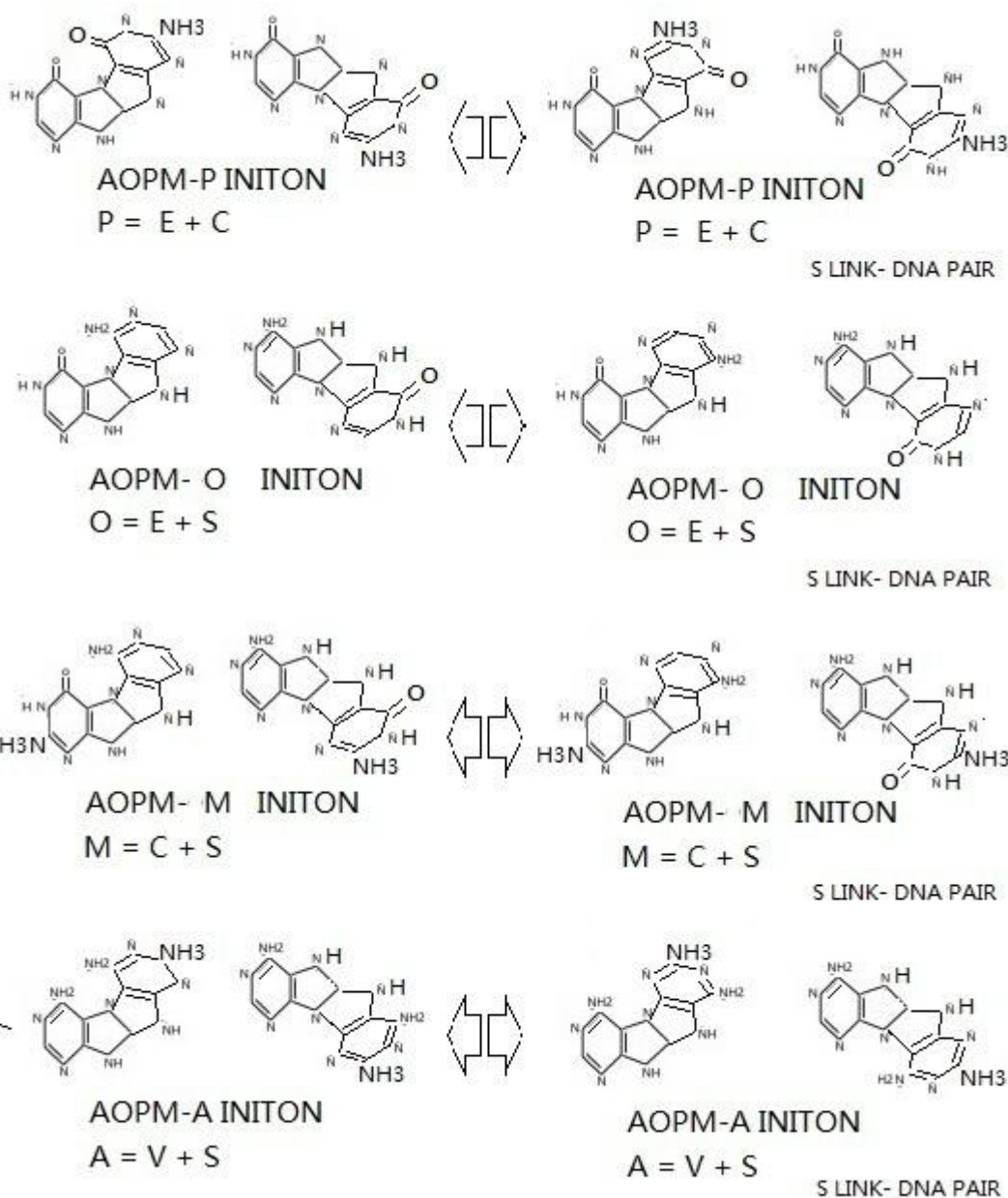


另外作者得到一些推导结论,

1 这些苷糖 正如 DNA 计算 1.2.2 版本中, 作者描述的, 其具备 动名词的固定描述作用, 在人类语义中, 已经存在的定义为 形容词 谓语等. 属于智慧性 词汇 DNA[11] 标识. 将图中左边进行完善下 可以得到右边这种弧形分子结构.



将图中左边的环昔 向右边进行 S 形 变换, 便能生成一种固定的 AOPM 弧形链条. 可以概率性 结合成 DNA 螺旋. 图中包含 腺嘌呤[13], 鸟嘌呤[13], 变感腺嘌呤[15]和 尿变嘌呤[15]的 AOPM 肽展计算弧



结论:

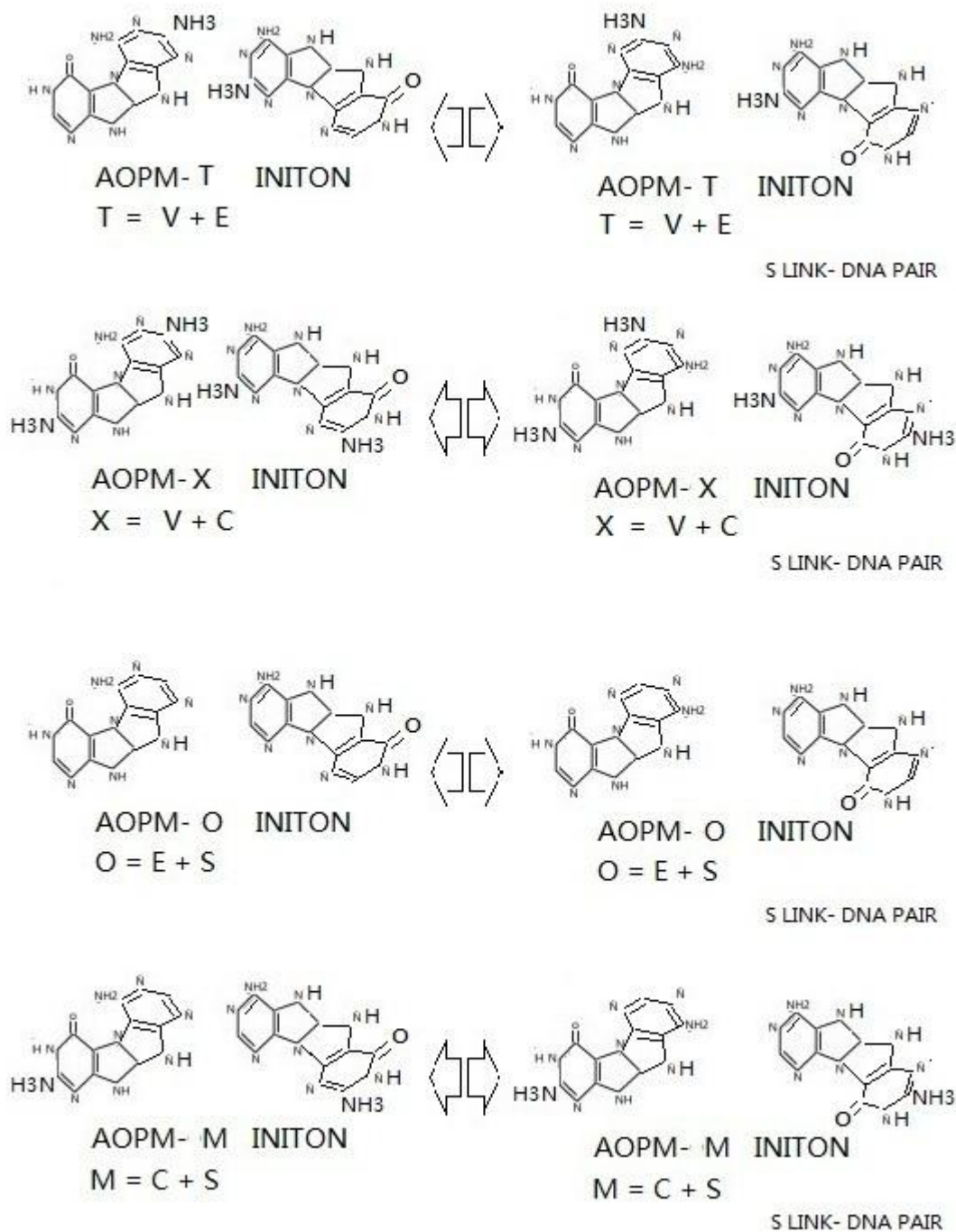
- 1 作者在世界首次推导出带具体语义功能的 DNA 的 肽展计算弧 initon 单元.
- 2 AOPM initon 形成的弧单元 具备形成链式 结构催化可能.
- 3 心跳带来的血氧时钟峰 同样可以对 AOPM 元基进行 DNA 催化计算. 形成生物计算机.
- 4 生化学上的人工多肽 和 人造大分子, 可以基于此文进行扩展研发. 世界史首次通过 语义 DNA 和 肽展公式 进行具体逻辑论证.
- 5 永生的基础理论已经趋于完善. 同时 费罗蒙完整解码. 之后跟进的费洛蒙编码应用因为涉及生化武器设计, 作者研究课题截止放弃. (希望人类将这技术用于正道. (改变生产力, 发展生产力, 适应环境, 优化完善环境, 保护环境, 创造更好的环境...)).
- 6 罗瑶光先生的 AOPM VECS IDUQ 12 元基 initon DNA 催化计算算子 于今天彻底解码.

## 5 推导与定义: VECS-VECS 嘌呤对, VECS 嘌呤弧, VECS-IDUQ 碱基对, IDUQ-IDUQ 嘧啶对的催化模型.

通过观测, 发现 T 和 X 的真实存在性. 于是补充在这里, 作者定义为触发 AOPM-OP-T 和 AOPM-OP-X 中文命名为

触发 TRIGGER: AOPM-OP-T 变感腺尿变苷

探索 EXPLORE: AOPM-OP-X 变感腺鸟苷

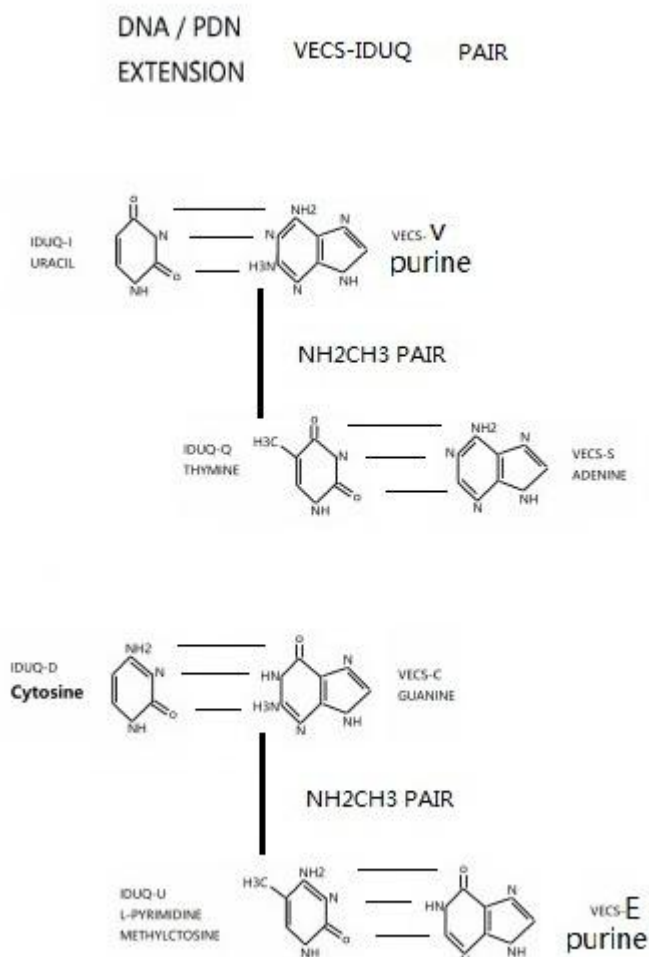


稍后组织成格式论文和英文版本.

6 推导与定义: 次黄嘌呤, 尿变嘌呤 VECS-E = IDUQ-U 变嘌呤, 甲基胞嘧啶 E=U 全新 DNA 计算碱基对.

7 推导与定义: 2 氨基腺嘌呤, 变感腺嘌呤 VECS-V = IDUQ-I 尿嘌呤 V-I 计算碱基对.

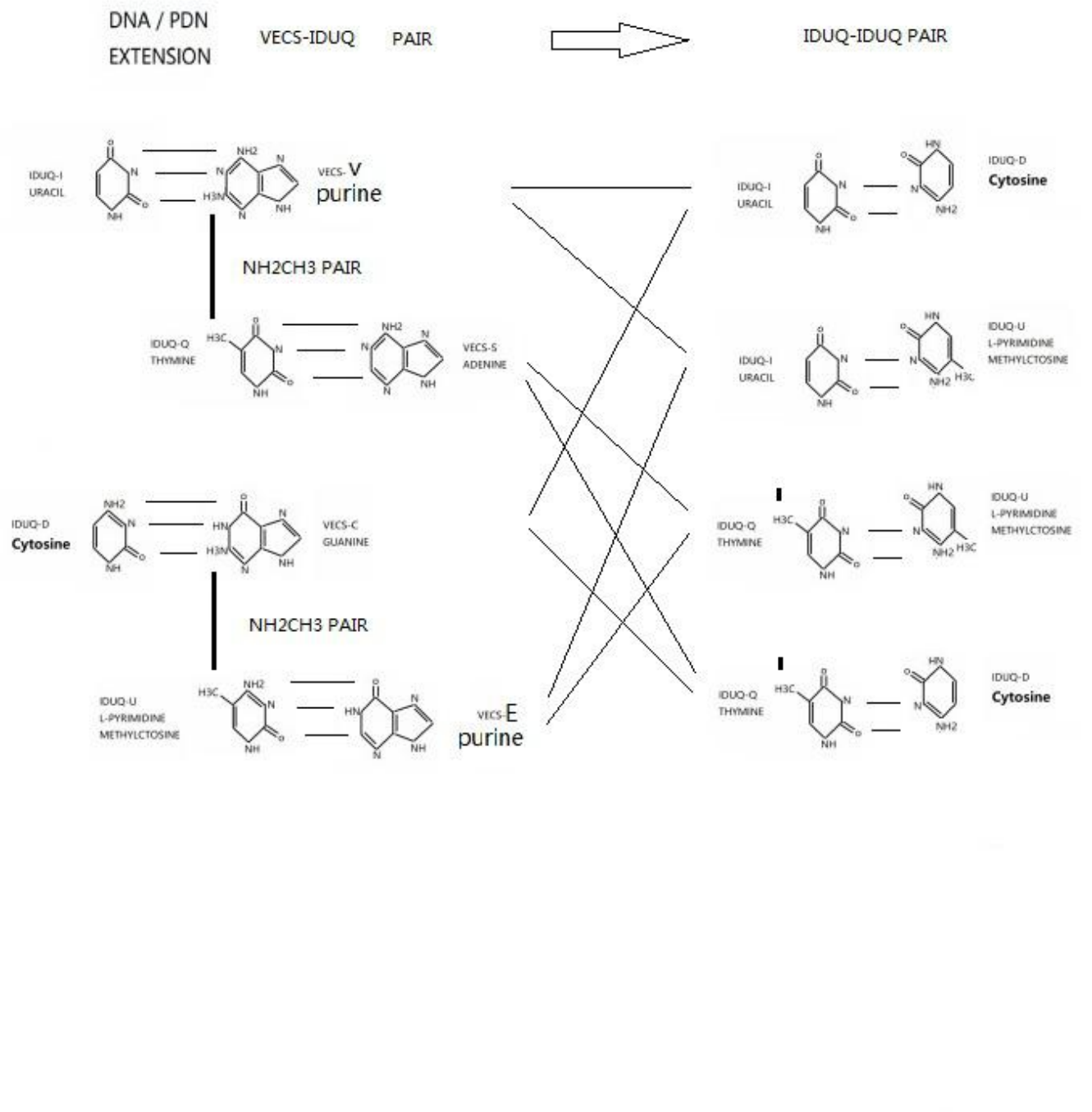
似乎不是尽头, 做了些伪碱基对 计算观测, 发现 如下结构:



我陷入了沉思, 这种合理的碱基对我能具体定义为 VECS-IDUQ 碱基对, 如果 嘌呤用类似的嘧啶替换, 我能引出如下 IDUQ-IDUQ 嘧啶对. 作用为 DNA 的伪托执行和肽展计算代谢. 图中作者同样得到 DD, UU, II, QQ 等嘧啶对, 因为实际意义不大, 因此先不讨论. 优先级别降低. 作者似乎又得到一个结论, 肽展公式 就是 意识. 同时作者也想到另外一种答案, 双嘌呤弧 推导的 AOPM-TX 具有触发和探索性质, 而 VECS-IDUQ 碱基对具有生物信息锁存触发器作用. 这些结构, 已经具备多种 DNA 链方式肽展聚合反应, 其中包括人类的.

另外也得到一个结论, 人类在碳基生物中, 还算不上真正的高等智慧体. 可以继续进化.



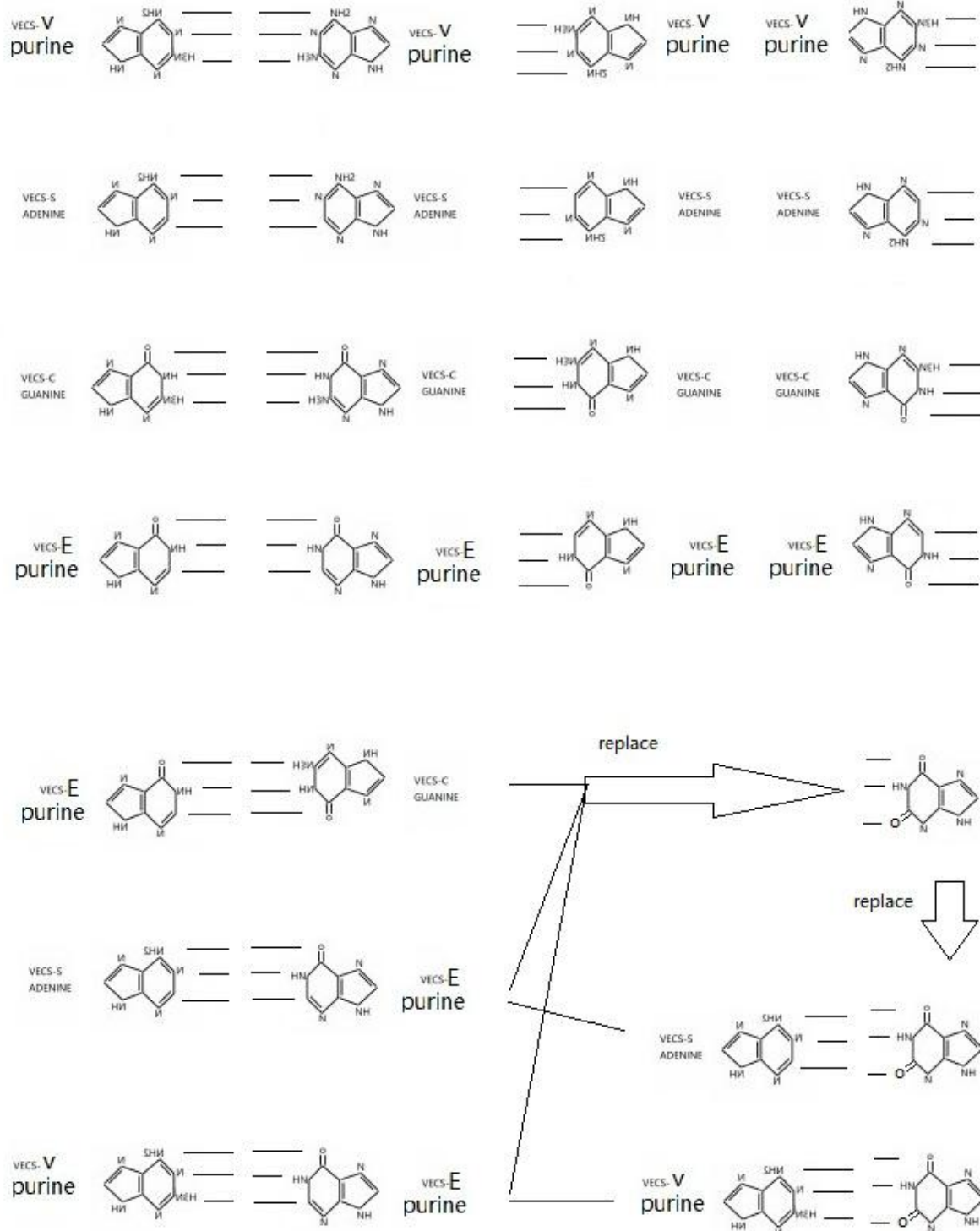


8 推导与定义: 碱基对 Rotation 观测 与 黄嘌呤在 DNA 编码 和 肽计算 中具体定义为 **VECS-EC 尿变鸟嘌呤**.

通过公式推导, 我得到了更准确地肽展公式集合, 并发现了黄嘌呤(Xanthine)的具体作用, HVECS-H, hallkeeper 执行控制元基. 并进行了格式化归纳 如图.

DNA / PDN  
EXTENSION

VECS-VECS PAIR Rotation



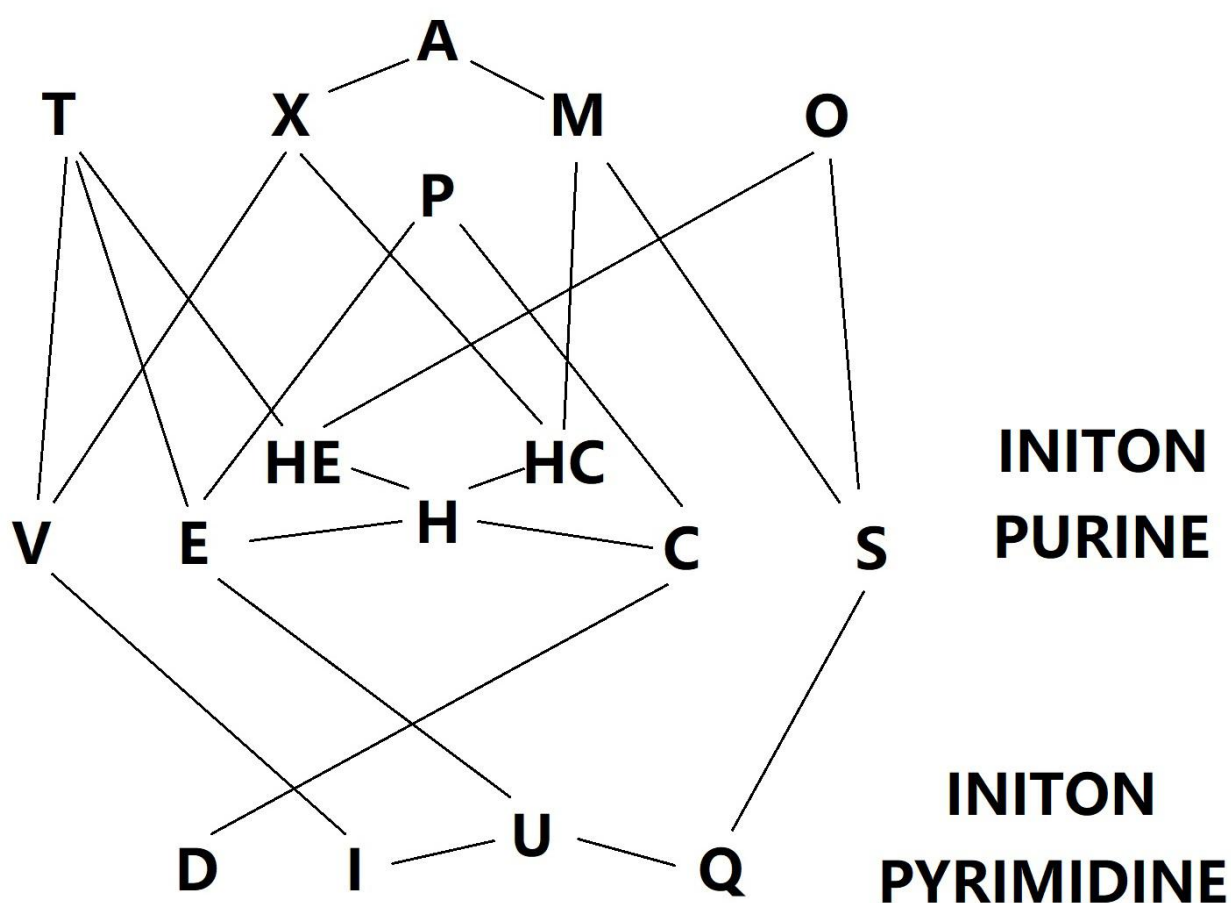


9 推导与定义: VECS-EC 尿变鸟嘌呤, 黄嘌呤肽展计算 AOPM-OP-T 变感腺尿变苷与 AOPM-OP-X 变感腺鸟苷

通过第 5 点的 触发嘌呤弧和 探索嘌呤弧 和 第 8 点图中所观测论证右下角, 当 VECS-EC 尿变鸟嘌呤, 黄嘌呤呈现 VECS-E 作用时候, V+E 通过肽展公式可以得到 触发的元基嘌呤对, 当其呈现 VECS-C 作用的时候, V + C 通过肽展公式可以得到 探索的元基嘌呤对.

第八点的图作者可以通过离散变换下成元基分层架构模式来观测如下,方便阅读.

## DNA & PDE Catalytic Relations



10 归纳与定义: DNA 与 TX-H-U 元基解码.

增加	I	尿嘧啶	
删除	D	胞嘧啶	
改变	U	变嘧啶 / 甲基胞嘧啶 (活泼)	{I++, Q--}
查找	Q	胸腺嘧啶	
感知	V	变感腺嘌呤 / 2 氨基腺嘌呤	{I, Q}
执行	E	尿变嘌呤 / 次黄嘌呤	{U, D}
控制	C	鸟嘌呤	{D, U}
原生	S	腺嘌呤	{Q, I}
控制执行	H	黄嘌呤 (活泼)	{HE, HC}
触发	T	变感腺尿变苷	{V + E, V+HE}
探索	X	变感腺鸟苷	{V + HC}
操作	O	尿胞变腺苷	{E + S}
处理	P	尿胞变鸟苷	{E + C}
管理	M	鸟腺苷	{HC + S}

AOPM-VECS-IDUQ 推导出 TXOPM-VECSH-IDUQ  
 肽展公式1.2.2 对应的生化版 关于 DNA计算 Initon完整解码

罗瑶光

浏阳

20201126

于是归纳下:

作者首先通过 DNA 编码 1.2.2 得到 AOPM-VECS-IDUQ

作者然后通过肽展公式计算 1.2.2 得到 OPM-VECS-IDUQ

作者其次通过生化分析解码观测推导得到 OPM-VECSH-IDUQ

作者最后解码进行观测计算得到 TXOPM-VECSH-IDUQ

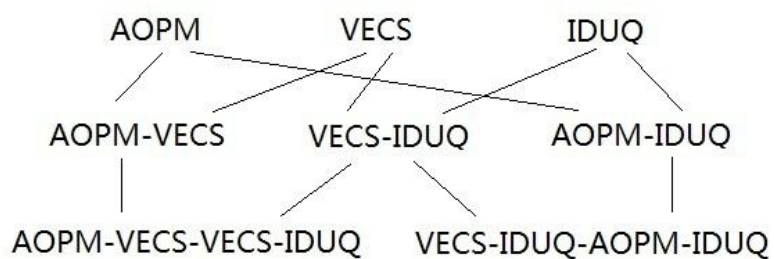
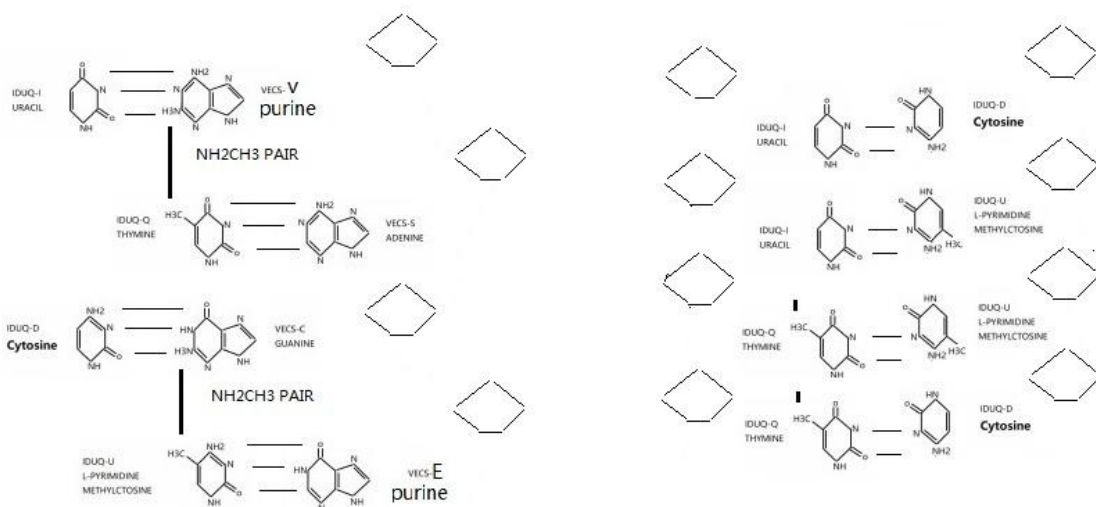
作者归纳提取 TX-H-U 触发探索-执行控制-改变 元基因组 为 DNA 活泼 INITON .

作者似乎又得到一个巨大的启发: 通过  $V + HC$  和  $HC + S$ , 可以计算推导出  $A = V + S$  中的这个 HC 属于催化作用, 可以知道 变感腺鸟苷和鸟腺苷 可以通过 DNA 血氧峰酸碱催化转换成 A 变胸腺苷. 于是这个 HC 黄嘌呤可以代谢掉. 具体代谢方式 受到 血氧峰心跳触发器 数字逻辑计算 影响.

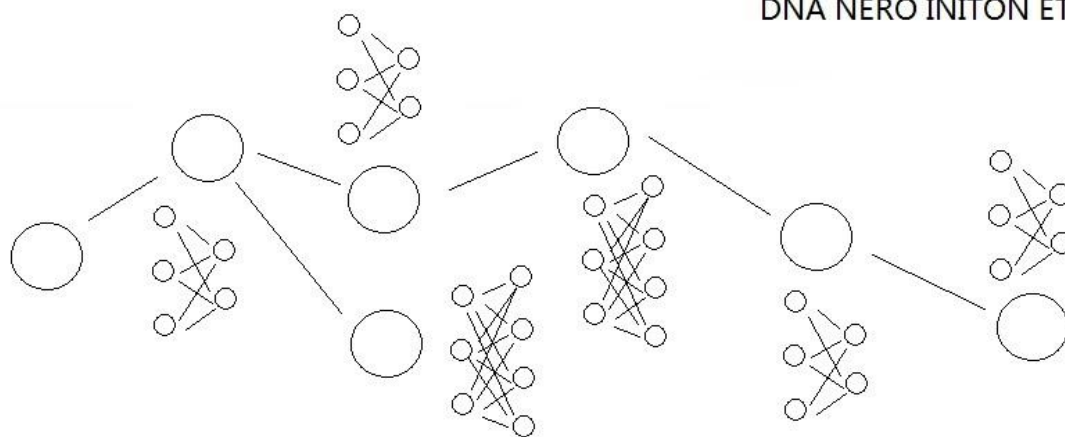
# 11 推导与定义： DNA 元基催化计算与 ETL 肽展神经网络计算流.

DNA / PDN  
EXTENSION

## Rotation S Link Encoding & Decoding



## DNA NERO INITON ETL



这篇论著,先告一段落,DNA 计算基于神经元节点作 AOPM-TXH-VECS-IDUQ 的元基 人工神经网络计算模型 已经 推导论证. 作者之后 研究兴趣很广,可以基于此跟进商业应用,也可以去教育部门 跟进科学教研. 谢谢.

12 似乎又 没有结束, 后序与感谢.

罗瑶光

浏阳

20201125~26

#### REFERENCE:

1. Yaoguang Luo, DETA PARSER, National Copyright Administration of China, CN3951366, (2019).
2. Yaoguang Luo, DETA ETL, National Copyright Administration of China, CN4240558, (2019).
3. Yaoguang Luo, DETA Socket DB, National Copyright Administration of China, CN4317518, (2019).
4. Yaoguang Luo, Data Processor API, National Copyright Administration of China, CN4584594, (2018).
5. Yaoguang Luo, Data Swap, National Copyright Administration of China, CN4607950, (2019).
6. Yaoguang Luo, Data prediction, National Copyright Administration of China, CN5447819, (2020).
7. Yaoguang Luo, AOPM, AOPM Open Source System On SDLC Theory, [https://github.com/yaoguangleuo/Deta\\_Resource/blob/master/AOPM%20System%20On%20VPCS.pdf](https://github.com/yaoguangleuo/Deta_Resource/blob/master/AOPM%20System%20On%20VPCS.pdf), last accessed 2020/11/09.
8. Yaoguang Luo, VECS, VPCS Backend Theory And Its Application. [https://github.com/yaoguangleuo/Deta\\_Resource/blob/master/VPCS-Method\\_V1.1.pdf](https://github.com/yaoguangleuo/Deta_Resource/blob/master/VPCS-Method_V1.1.pdf), last accessed 2020/11/09.
9. Yaoguang Luo, IDUQ catalytic, Theory on Y AOGUANG's Array Split Peak Defect. [https://github.com/yaoguangleuo/Deta\\_Resource/blob/master/Theory%20on%20Yaoguang's%20Split%20Peak%20Defect%201020190908%20FIX.pdf](https://github.com/yaoguangleuo/Deta_Resource/blob/master/Theory%20on%20Yaoguang's%20Split%20Peak%20Defect%201020190908%20FIX.pdf), last accessed 2020/11/09.
10. Yaoguang Luo, Rongwu Luo, The INITONS Catalytic Reflection Between Humanoid DNA and Nero Cell1. 2. 2, National Copyright Administration of China, CN2020Z11L0333706, (2020).
11. YaoguangLuo, RongwuLuo, The INITONS Catalytic Reflection Between Humanoid DNA and Nero Cell, IE, ACM, Pending ID: A2050-ICITEE2020.
12. YaoguangLuo, AOPM-VECS-IDUQ Catalytic INITONS PDE LAW and Its Application, CN 2020Z11L0356797.
13. Xilaing Cha, Biochemistry and Molecular Biology, People's Medical Publishing House, ISBN978-7-117-26624-6, Page32, Page39, Page46, Page59, Page203
- 14 YaoguangLuo, L-Pyrimidine. CC 4. 0 BY-SA: [https://blog.csdn.net/weixin\\_38249398/article/details/109990693](https://blog.csdn.net/weixin_38249398/article/details/109990693),

last accessed 2020/11/09.

pdf-backup: Github: [https://github.com/yaoguanguo/Deta\\_Resource/blob/master/L-pyrimidine%201.2.3%20English%E5%8F%98%E5%98%A7%E5%95%B6%E5%88%86%E5%AD%90%E5%BC%8F%E6%8E%A8%E5%AF%BC.pdf](https://github.com/yaoguanguo/Deta_Resource/blob/master/L-pyrimidine%201.2.3%20English%E5%8F%98%E5%98%A7%E5%95%B6%E5%88%86%E5%AD%90%E5%BC%8F%E6%8E%A8%E5%AF%BC.pdf)

3%20English%E5%8F%98%E5%98%A7%E5%95%B6%E5%88%86%E5%AD%90%E5%BC%8F%E6%8E%A8%E5%AF%BC. pdf

pdf-backup: Gitee: <https://gitee.com/DetaChina/collection-of-papers-by-deta/blob/master/L-pyrimidine%201.2.3%20English%E5%8F%98%E5%98%A7%E5%95%B6%E5%88%86%E5%AD%90%E5%BC%8F%E6%8E%A8%E5%AF%BC.pdf>

3%20English%E5%8F%98%E5%98%A7%E5%95%B6%E5%88%86%E5%AD%90%E5%BC%8F%E6%8E%A8%E5%AF%BC. pdf

15 YaoguangLuo, DNA 与 肽展公式 计算推导 变感腺嘌呤 与 尿变嘌呤结构 手稿. CC 4.0 BY-SA:

本文链接: [https://blog.csdn.net/weixin\\_38249398/article/details/110083736](https://blog.csdn.net/weixin_38249398/article/details/110083736)

1 罗瑶光, 德塔语言图灵工程 API\_10\_6\_1, CN 3951366.

2 罗瑶光, 数据分析算法引擎系统 1.0.2, CN 4584594.

3 罗瑶光, 德塔数据结构变量快速转换 引擎系统, CN 4607950.

4 罗瑶光, 德塔 Socket 流可编程数据库语言引擎系统 API1.0.0, CN 4317518.

5 罗瑶光, 数据预测引擎系统 API1.0.0, CN5447819.

6 罗瑶光, 德塔 ETL 可视化数据分析引擎系统 API1.0.2, CN4240558.

7 罗瑶光, AOPM, AOPM Open Source System On SDLC Theory, [https://github.com/yaoguanguo/Deta\\_Resource/blob/master/AOPM%20System%20On%20VPCS.pdf](https://github.com/yaoguanguo/Deta_Resource/blob/master/AOPM%20System%20On%20VPCS.pdf), last accessed 2020/11/09.

8 罗瑶光, VECS, VPCS Backend Theory And Its Application. [https://github.com/yaoguanguo/Deta\\_Resource/blob/master/VPCS-Method\\_V1.1.pdf](https://github.com/yaoguanguo/Deta_Resource/blob/master/VPCS-Method_V1.1.pdf), last accessed 2020/11/09.

9 罗瑶光, IDUQ catalytic, Theory on Y AOGUANG's Array Split Peak Defect. [https://github.com/yaoguanguo/Deta\\_Resource/blob/master/Theory%20on%20Yaoguang's%20Split%20Peak%20Defect%201.020190908%20FIX.pdf](https://github.com/yaoguanguo/Deta_Resource/blob/master/Theory%20on%20Yaoguang's%20Split%20Peak%20Defect%201.020190908%20FIX.pdf), last accessed 2020/11/09.

10 罗瑶光, 罗荣武, 类人 DNA 与 神经元基于催化算子映射编码方式, CN 2020Z110333706.

11 YaoguangLuo, RongwuLuo, The INITONS Catalytic Reflection Between Humanoid DNA and Nero Cell, IE, ACM, 投稿 ID: A2050-ICITEE2020.

12 罗瑶光, AOPM VECS IDUQ 肽展公式推导与元基编码进化计算以及它的应用发现, CN 2020Z11L0356797.

13 查锡良, 人民卫生出版社, 生物化学与分子生物学, ISBN978-7-117-26624-6, Page32, Page39, Page46, Page59, Page203.