

# 通过 DNA 编码与肽展计算 对 AOPM-TX-VECS-IDUQ INITON 元基 解码推导

## 0.0.7 草稿

Yaoguang Luo  
Liuyang Deta Software Development Limited Company  
313699483@qq.com

**OUTLOOK:**看了一下有 14 页的样子, 因为都是推理逻辑 论证, 我会组织 5 页的文字进行详细描述. 同时最后中译英混合, 估计最终会有 40 页+

### KEYWORD

### ABSTRACT:

Main:

**1 甲基胞嘧啶在 DNA 编码 和 肽计算 中具体定义为 IDUQ-U 变嘧啶 The Methyl-cytosine and L-pyrimidine in DNA Catalytic Computing**

The Definition of The Methyl-cytosine in DNA Catalytic Computing and The Derivation of The IDUQ-U of The L-Pyrimidine

**OUTLOOK:** This paper implements the main function with the IDUQ-U[10][11][9], the L-Pyrimidine of the DNA catalytic computing for the continuing research. In order to build the humanoid DNA computer, the Author find out more results in this paper end conclusion.

**KEYWORD:** PDE[12], AOPM[7], VECS[8], IDUQ[10][11][9], DNA, L-PYRIMEDINE[12], INITONS[10], PURINE[13], METHYLCYTOSINE[13]

### ABSTRACT:

Since the Function INITONS of DETA ETL[2]. DETA parser[1], DETA socket PLSQL database[3], DETA prediction[6], DETA data processor[4] and DETA swap[5] etc of 18 projects then build the AOPM VECS IDUQ and The INITONS Catalytic Reflection Between Humanoid DNA and Nero Cell[10] 1.2.2 finished, The Author has been thinking that how to let the software programming code build as the AOPM VECS IDUQ link list. Until the AOPM-VECS-IDUQ Catalytic INITONS PDE LAW and Its Application[12]1.2.2 finished, Human begin to know that the DNA could be extended in an article.

## MAIN:

自从德塔 AOPM VECS IDUQ 的 DNA 意识编码 1.2.2 体系出来后, 我一直在思考 怎么进行单链化, 在 肽展公 式 1.2.2 推导 出来后, 我很惊讶, DNA 竟然可以展开成一篇文章, 我得到很多新奇的发现, 同时, 我还推出了变嘧啶 这个 莫须有的东西, 在不断的 推导和模拟我的语义词汇时候, 我发现, 变嘧啶成了不可缺失的组成部分. 于是觉得 有必要进行理论化的进行描述这个 莫须有的物质客观上是否真的存在. 是否有 合理性的分子表达式. 因为主观上 变嘧啶是 IDUQ 中的 U, DNA 和肽计算不可缺少的一个核心微元基单位, L pyrimidine Initon. 为了很好的描述这个 变嘧啶, 我开始观察 尿 嘧啶, 胞嘧啶, 鸟嘌呤, 腺嘌呤, 胸腺嘧啶, 在人卫九的生物化学与分子生物学中第 32 页 核苷酸嘌呤嘧啶结构式, 第 39 页, TAT 和 第 46 页 tRNA 以及 59 页 酶的给工作原理, 于是我首先确定嘧啶结构 如图 第 11 处, 我得到一个 通用嘧啶结构. 在肽展公式推导中, 我已经有了比较具体的完整的 逻辑公式, 比如  $C = U + D$ ,  $D = DD$ ,  $S = I + Q$ ,  $C = D$ ,  $I = U$ , 等, 我开始持续的绝对专注, 我只能依靠这些公式来推导 变嘧啶. 通过图片, 推导出 11 和 6, 7, 8, 我思考了下, 氨基 对上进行 5 碳环肽解, 腺嘧啶需要 共价氧, 那, 鸟嘌呤元基 C 上的公共价氧 应该对应的 UD 一定需要胺基来维持 DNA 平衡, 于是得到 9 和 10, 我不确定 10 的 第五个位置的氮是共价 NH, 还是不共价 NH<sub>2</sub>, 于是开始继续思考. 非常的幸运, 按照数字逻辑和离散数学 补码原理 推导 见 肽展公式 1.2.2 国家论著, 我得到了  $C = D$  这个公式, 同时又得到  $C = U + D$  这个公式, 于是我不妨大胆一点, U 应该类似 D, 变嘧啶应该类似 胞嘧啶的结构. 于是确定 苯环上第 5 位的氮应该是 共价存在. 于是得到了 13 的嘧啶物质. 我又迷惑了 13 不就是 胞嘧啶吗? 我思考了下,  $I = U$ , 我还有这个公式, 尿嘧啶推导 变嘧啶, 可是 13 是胞嘧啶呀. 开始疑惑了我的肽展公式有问题? 我一直在思考,  $I = U$ , U 和 胞嘧啶一样, 如果确定我的公式是正确的, 那我只有一个答案, 就是 U 包含 胞嘧啶. 结构 于是 我又看了下 胸腺嘧啶的甲基, 又看了 下 胞嘧啶++酸化成尿嘧啶, 我得到一种思路, 难道 尿嘧啶 通过碱化可得到一种包含胞嘧啶分子结构的氨基嘧啶? 氢氧化钠? 不, 那是烧碱, 烈着呢, 甲烷??? 甲烷又可能, 想起浏阳三中的罗 满生老师当年教这节课, ... 我又开始思考, 我来了些灵感, 人体的组织液里面 细胞核裂变怎么会有甲烷和烧碱呢? 除了胃和 放屁, 有甲烷, 硫酸, ... 硫酸, ,, 氨碱? 难道是氨碱? 尿嘧啶 与氨碱类, 可以得到 15 类 一大把 胞嘧啶族的分子, 我又看了下 胸腺嘧啶的甲基, 难道是氨碱? NH<sub>2</sub>CH<sub>3</sub>? 这就对上号了, 最终我的得到, 15 这个物质, 因为, 人体组织液里 不可能会有强碱分子的, 所以, 氨碱类这种弱碱性普遍存在的组织液里, 尿嘧啶可以被氨化 重复利用参与核计算.,

In that same time, the Author did research out a lot of results. For example L-Pyrimidine, Because of the large Derivations and monitors from the human thinking and mind cognition, It proofs that L-pyrimidine became the

important part of the NLP and DNA catalytic computing. Then the Author begin to proof that Does the L-pyrimidine is a real thing in this real world? Does the L-pyrimidine which has its own chemical model. Since we have AOPM VECS IDUQ, the U/update is one of a basic initon, Not only The U/update initon is an important part of the DNA catalytic computing. It also is a basic part of the PDN extension initons. L-pyrimidine Initon. At the first, The Author named it as L-pyrimidine Initon, the first char of Luo, Liang, Li and Liu. (Author's family). Since we have uracil[13], cytosine[13], guanine[13], adenine[13] and thymine[13], From the Biochemistry and Molecular Biology, page 32, it shows the chemical model of the purines and pyrimidines. From the page 39, page 46 and page 59, it shows the TAT, tRNA, and Enzyme tasks. So, the Author did a definition of the common model of pyrimidine. The Author did an identification in a figure 1, identify 11: Since get a DNA PDE formula likes:  $C = U + D$ ,  $D = DD$ ,  $S = I + Q$ ,  $C = D$  and  $I = U$  etc[12]. Base on those formulas, Author could find out the figure 1, identify 11, 6, 7, 8 factors in the picture1, It shows with the amino pair, adenine and thymine need a covalent Oxygen. Also, cytosine and guanine need amino base, the Author proofs the DNA catalytic computing absolutely is an Accumulation of PLC digit logic computing. The 'covalent Oxygen' and 'Amino base' are the DNA Clock. Base from the human Heart heating. It shows the results figure 1, identify 9 and 10, For the position 5, which is NH or NH<sub>2</sub>, the author begin fall in thinking. From the 'Catalytic INITONS PDE LAW and Its Application's formula, it has  $C = D$ ,  $C = U + D + D$ , then could get  $U \rightarrow D$ , The model of L-pyrimidine will similar with cytosine. above all, it proofs that the position 5 of the pyrimidine is a covalent nitrogen. as the figure 1, identify 13. definitely, the figure 1, identify 13 is cytosine... please see the  $I = U$  formula.the uracil could be a L-pyrimidine, but L-pyrimidine similar with cytosine. if the PDE formula is a true function and the L-pyrimidine is not the same with cytosine, then proof L-pyrimidine contains cytosine. finally see thymine, the CH<sub>3</sub> with the position 1, the author think, NH<sub>2</sub>CH<sub>3</sub> add uracil could be a Methyl-cytosine. because

scientist is hard to find NaOH, CH<sub>4</sub>. in human's tissue fluid. only the result that is NH<sub>2</sub>CH<sub>3</sub> or Amino Alkali.

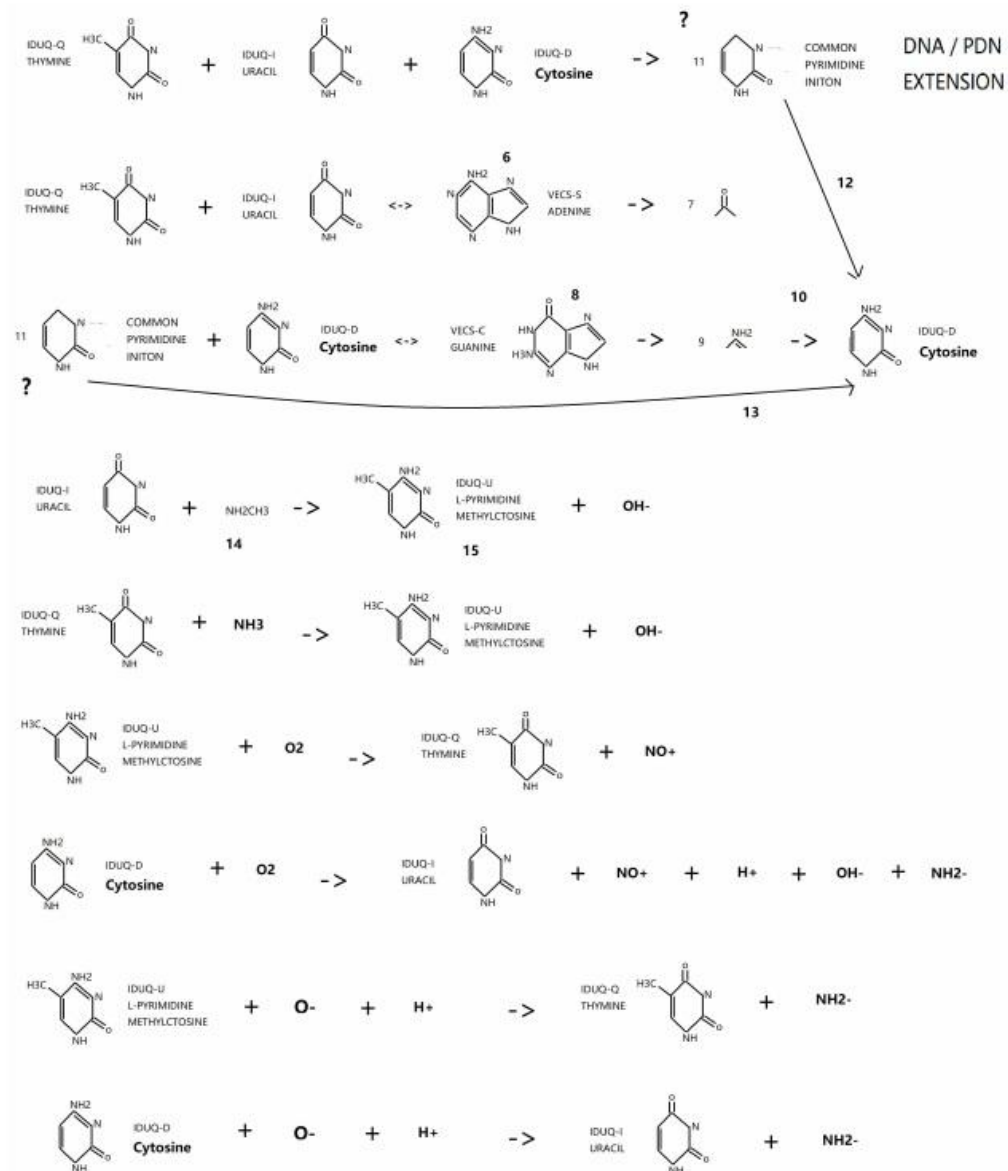


Figure 1

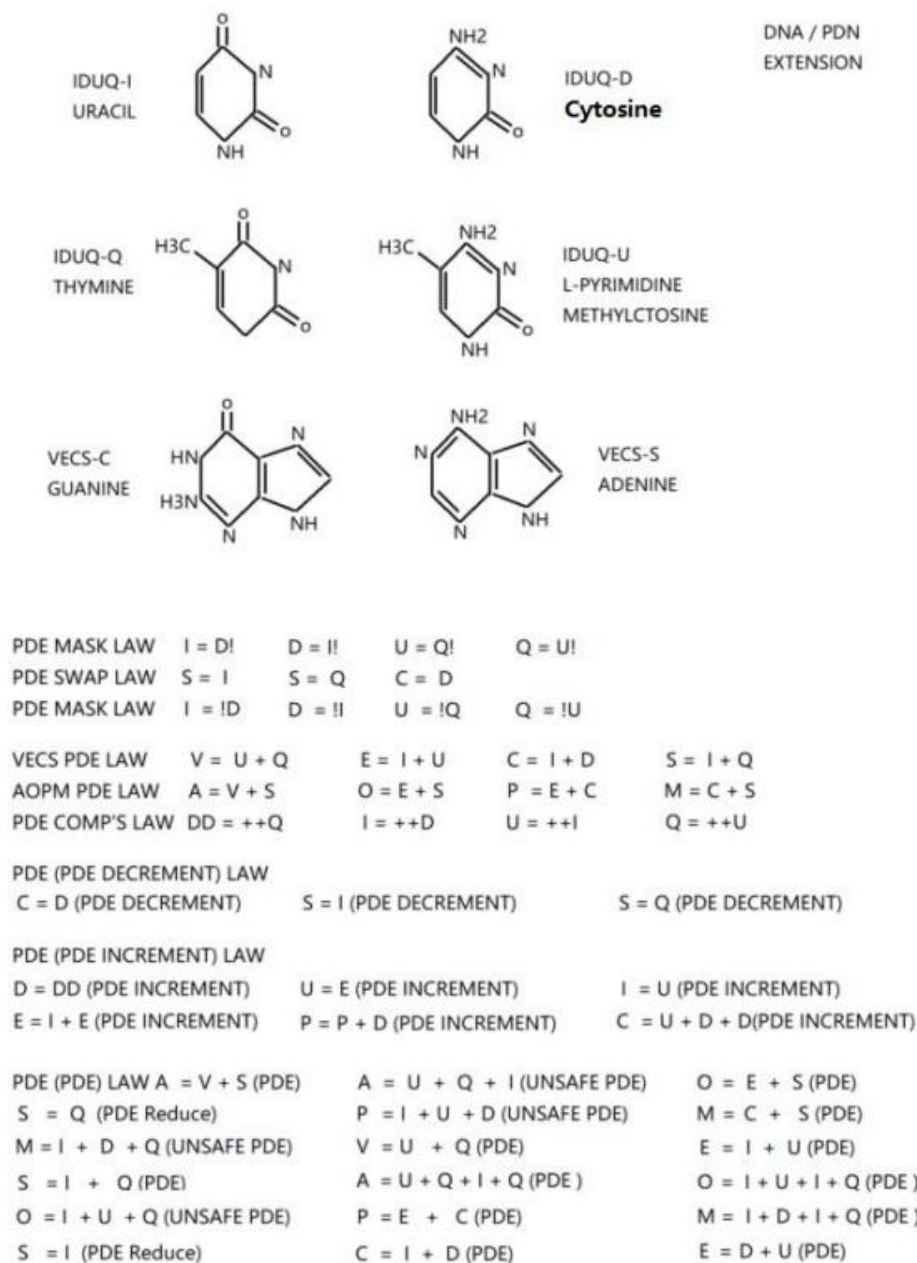


Figure 2

## CONCLUSION:

Author proofs the figure 1, 15 identify, Methylcytosine is a L-pyrimidine[12], Methylcytosine is a L-pyrimidine, is a AOPM\_VECS\_IDUQ-U initon (update part role) in DNA Catalytic computing, The Author named it as L-Pyrimidine, L, the first char of Luo, Liang, Li and Liu(Author's family name).

## 2 DNA 与 肽展公式 计算推导 变感腺嘌呤 与 尿变嘌呤结构

自从 DNA 编码[10], dna 计算[12], 肽展公式[12],变嘧啶和甲基胞嘧啶具体定义以及血氧峰时钟出发去模拟[14], IDUQ 元基已经破解. 作者开始跟进思考 设计, 通过 DNA 与 肽展公式 计算推导 变感腺嘌呤 与 尿变嘌呤的 具体结构已经有所突破. 如下.

出发点已经不再像前几年从无到有的过程了,现在,作者已经有 DNA 语义 AOPM[7] VECS[8] IDUQ[10] 12 元基 initions, 和具体的肽展公式, 以及 鸟嘌呤[13],腺嘌呤[13], 尿嘧啶[13], 胞嘧啶[13], 变嘧啶(甲基胞嘧啶), 胸腺嘧啶(甲基尿嘧啶)[13]. 具体结构.

作者思考方式比较朴素, 先从尿变嘌呤开始. 作者思考了下已经具备的推导公式

1 肽展公式 PDN EXTENSION LAW 肽展定理

$$E = I + U$$

2 染色体 语义分类 DNA 编码

VECS-E 执行元基. 和鸟嘌呤一类 属于动词.

3 肽展公式 PDN COMP'S LAW 离散补码定律

$$U = Q ++$$

4 血氧时钟计算峰 触发器 数字逻辑

推导:

1 于是作者首先可以得到一个通用的嘌呤结构.

2 通过 DNA 语义 可以得知, VECS-E 和 VECS-C 都属于动词, 属于酸性嘌呤结构含有共价氧.

3 通过  $E = I + U$  和  $U = Q ++$ , 可以推导出  $E = I + Q ++$ , 在血氧时钟峰来临时候触发肽补码 酸计算, 腺嘌呤变成尿变嘌呤.

4 同理 血氧时钟峰过后, 触发肽补码 碱计算, 鸟嘌呤变成变感腺嘌呤.

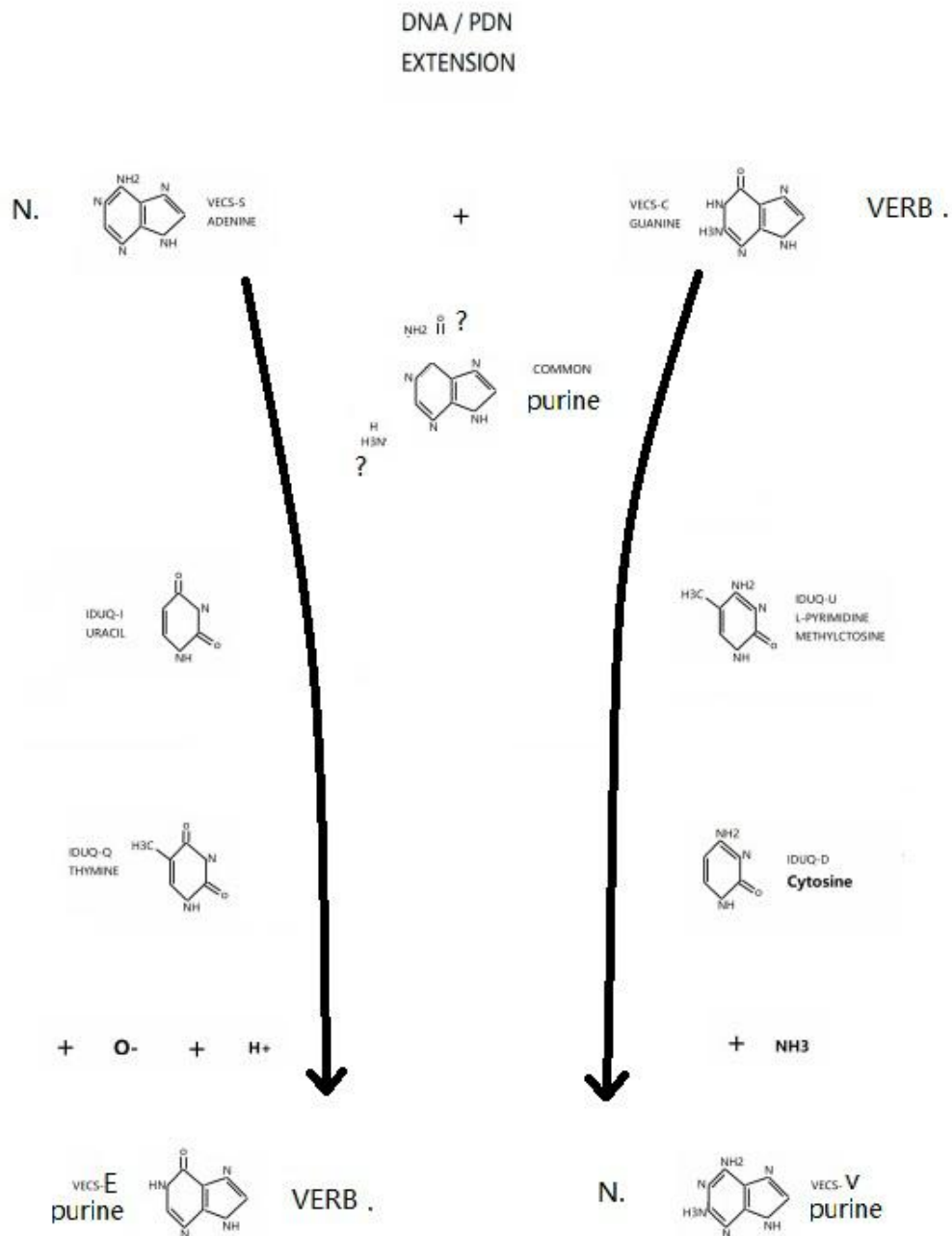


Figure 1

附加论证结论:

- 1 鸟嘌呤变成变感腺嘌呤 时候,因为是碱化, 所以 NH<sub>3</sub> 氨基保留. 逻辑正确.
- 2 在已经完整论证出 IDUQ 为 应激性 元组后,VECS 在酸碱血氧时钟峰下进行嘌呤动名词 补码变换 DNA 和肽展计算. 计算逻辑 为 变嘧啶 的 催化 ++ 和 - 如这篇文章描述的.
- 3 这篇文章中标名的名词 如 腺嘌呤 和 变感腺嘌呤, 其实 更严谨推导归纳 应为 动名词. 作为肽催化钥匙 驱动 在血氧峰时钟触发器中 逻辑驱动 DNA 和 RNA 的 肽计算.

4, 在 人卫 9 生物化学与分子生物学 第 203 页找到 VECS-E 执行元基 initon 尿变嘌呤 的 化学名为次黄嘌呤[13], 应文名为 Hypoxanthine.

5 在百度百科上搜索到 VECS-V 感知元基 initon 变感腺嘌呤 为 2Aminoaddinine, 2 氨基腺嘌呤.  
等下组织图片补充下.

### 3 DNA 计算 与 肽展公式 推导 AOPM-A 变胸腺苷, AOPM-O 尿胞变腺苷, AOPM-P 尿胞变鸟苷, AOPM-M 鸟腺苷的 S 形螺旋纹 血氧峰 触发器分子式 严谨完整过程

随着 VECS[15][8]-IDUQ[14][9][10][11][12]完整解码, AOPM[7]就简单了.准备描述下.

作者已经拥有 肽展公式[12]

$$A = V + S$$

$$O = E + S$$

$$P = E + C$$

$$M = C + S$$

可以归纳为:

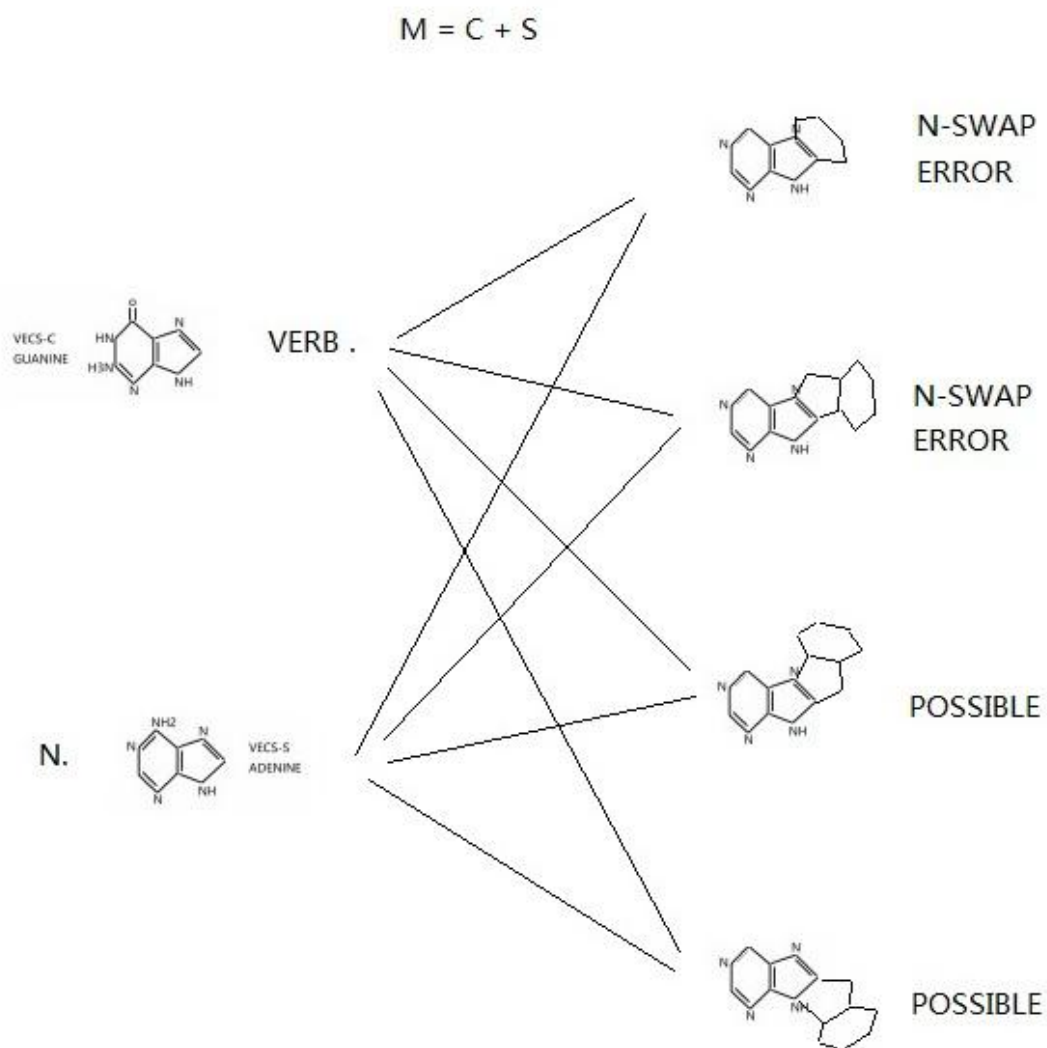
AOPM-A 变胸腺苷[12]: 组合成份为 变感腺嘌呤 - 腺嘌呤 苷.

AOPM-O 尿胞变腺苷[12]: 组合成份为 尿变嘌呤 - 腺嘌呤 苷.

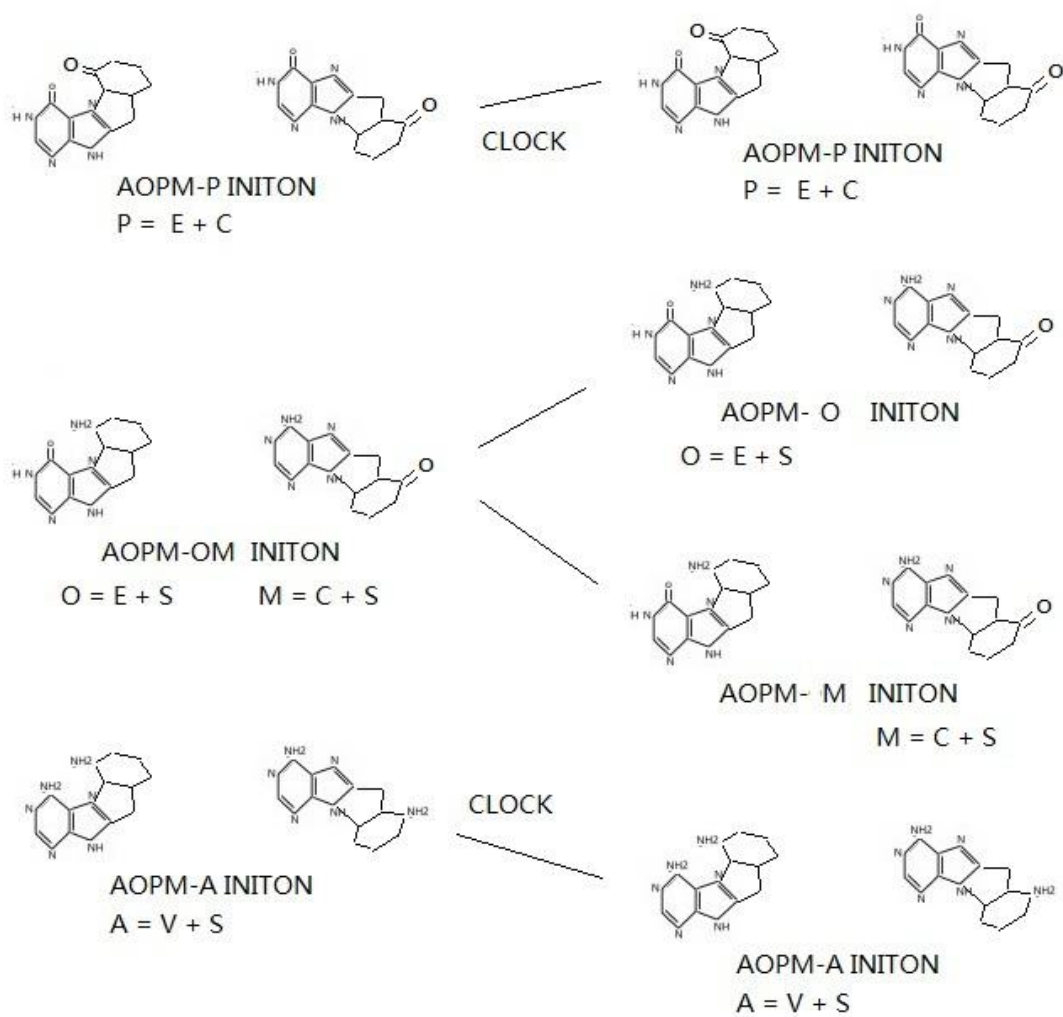
AOPM-P 尿胞变鸟苷[12]: 组合成份为 尿变嘌呤 - 鸟嘌呤 苷.

AOPM-M 鸟腺苷[12]: 组合成份为 鸟嘌呤 - 腺嘌呤 苷.



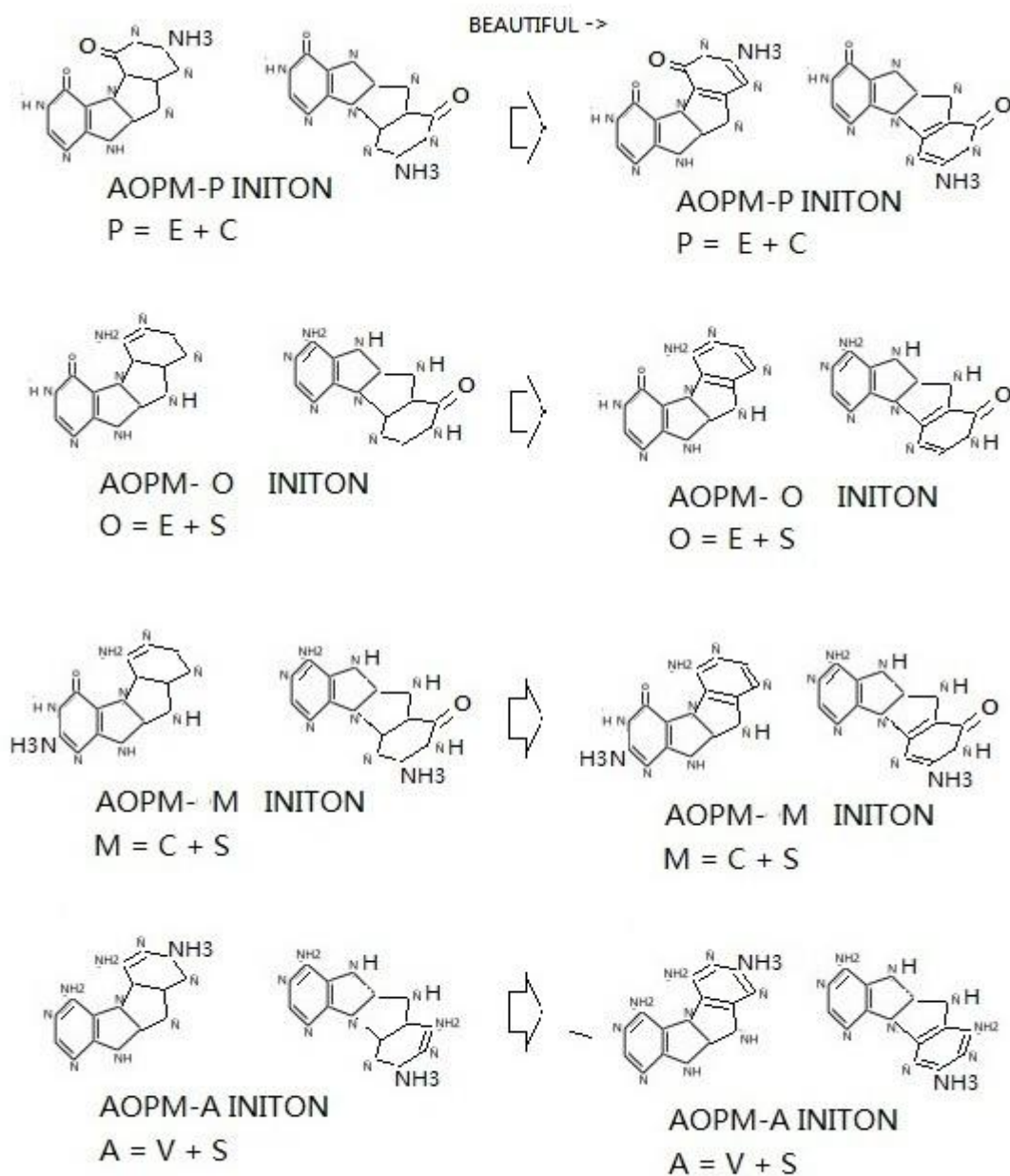


作者可以推论出在 DNA 计算[12]中, 核苷的降解 聚合 变换, 起主导作用仍是 变嘧啶(甲基胞嘧啶)[14] 作为肽  
 钥匙,在血氧峰 心跳时钟[14]下 做 酸碱触发器信号的 数字逻辑计算[14]. 大体归纳出图中右边 4 种重要特征  
 属性类.

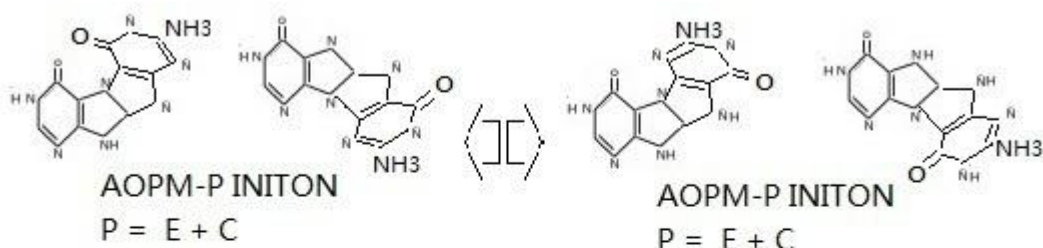


另外作者得到一些推导结论,

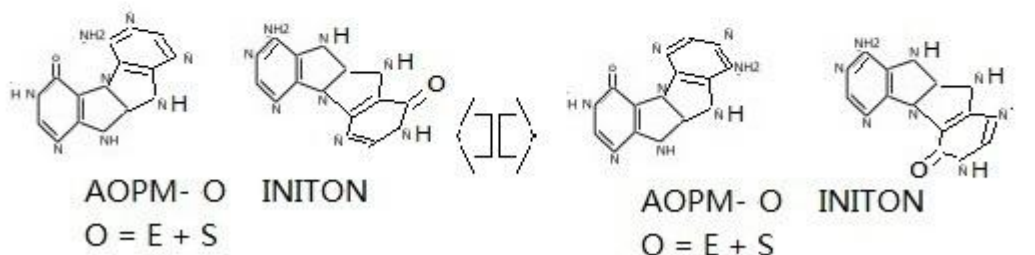
1 这些苷糖 正如 DNA 计算 1.2.2 版本中,作者描述的, 其具备 动名词的固定描述作用,在人类语义中,已经存在的定义为 形容词 谓语等. 属于智慧性 词汇 DNA[11] 标识. 将图中左边进行完善下 可以得到右边这种弧形分子结构.



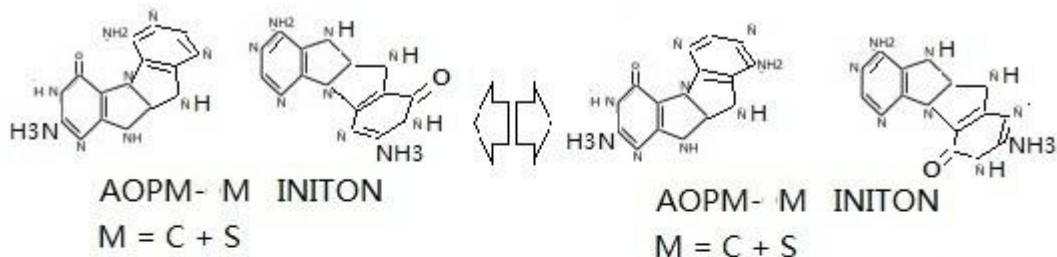
将图中左边的环苷 向右边进行 S 形 变换,便能生成一种固定的 AOPM 弧形链条. 可以概率性 结合成 DNA 螺旋. 图中包含 腺嘌呤[13], 鸟嘌呤[13], 变感腺嘌呤[15]和 尿变嘌呤[15]的 AOPM 肽展计算弧



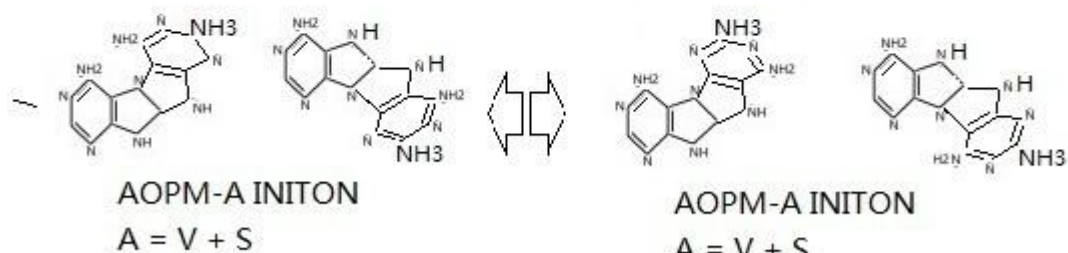
S LINK- DNA PAIR



S LINK- DNA PAIR



S LINK- DNA PAIR



S LINK- DNA PAIR

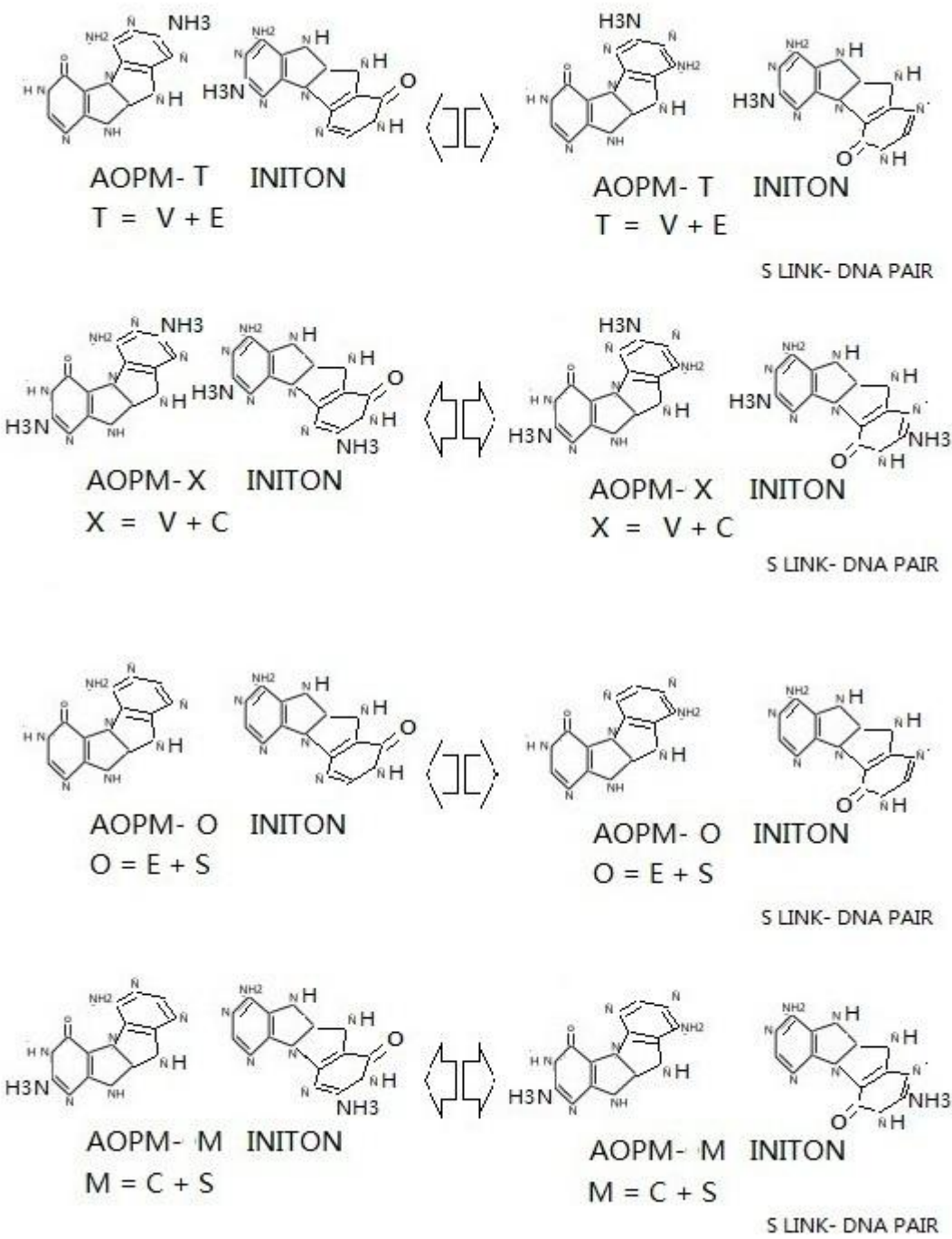
结论:

- 1 作者在世界首次推导出带具体语义功能的 DNA 的 肽展计算弧 initon 单元.
- 2 AOPM initon 形成的弧单元 具备形成链式 结构催化可能.
- 3 心跳带来的血氧时钟峰 同样可以对 AOPM 元基进行 DNA 催化计算. 形成生物计算机.
- 4 生化学上的人工多肽 和 人造大分子, 可以基于此文进行扩展研发. 世界史首次通过 语义 DNA 和 肽展公式 进行具体逻辑论证.
- 5 永生的基础理论已经趋于完善. 同时 费罗蒙完整解码. (希望人类将这技术用于正道.(改变生产力, 发展生产力, 适应环境, 优化完善环境, 保护环境, 创造更好的环境...))
- 6 罗瑶光先生的 AOPM VECS IDUQ 12 元基 initon DNA 催化计算算子 于今天彻底解码.

7 通过观测, 发现 T 和 X 的真实存在性. 于是补充在这里,作者定义为触发 AOPM-OP-T 和 AOPM-OP-X 中文命名为

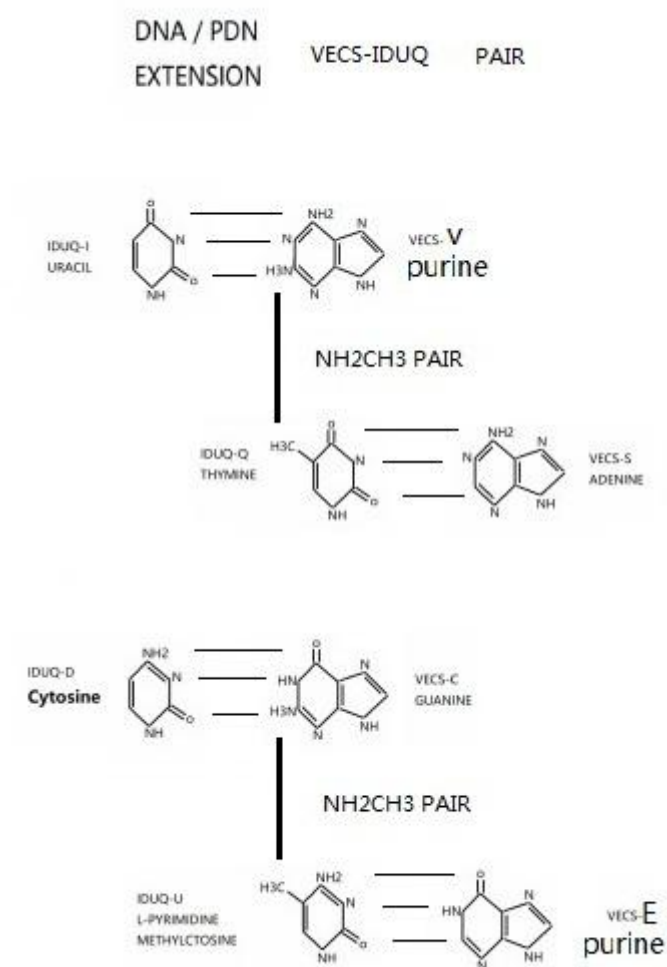
触发 TRIGGER： AOPM-OP-T  变感腺尿变苷

探索 EXPLORE： AOPM-OP-X  变感腺鸟苷



稍后组织成格式论文和英文版本.

似乎不是尽头,做了些伪碱基对 计算观测,发现 如下结构:



我陷入了沉思,这种合理的碱基对我能具体定义为 VECS-IDUQ 碱基对,如果 嘌呤用类似的嘧啶替换,我能引出如下 IDUQ-IDUQ 嘧啶对.作用为 DNA 的伪托执行和肽展计算代谢.

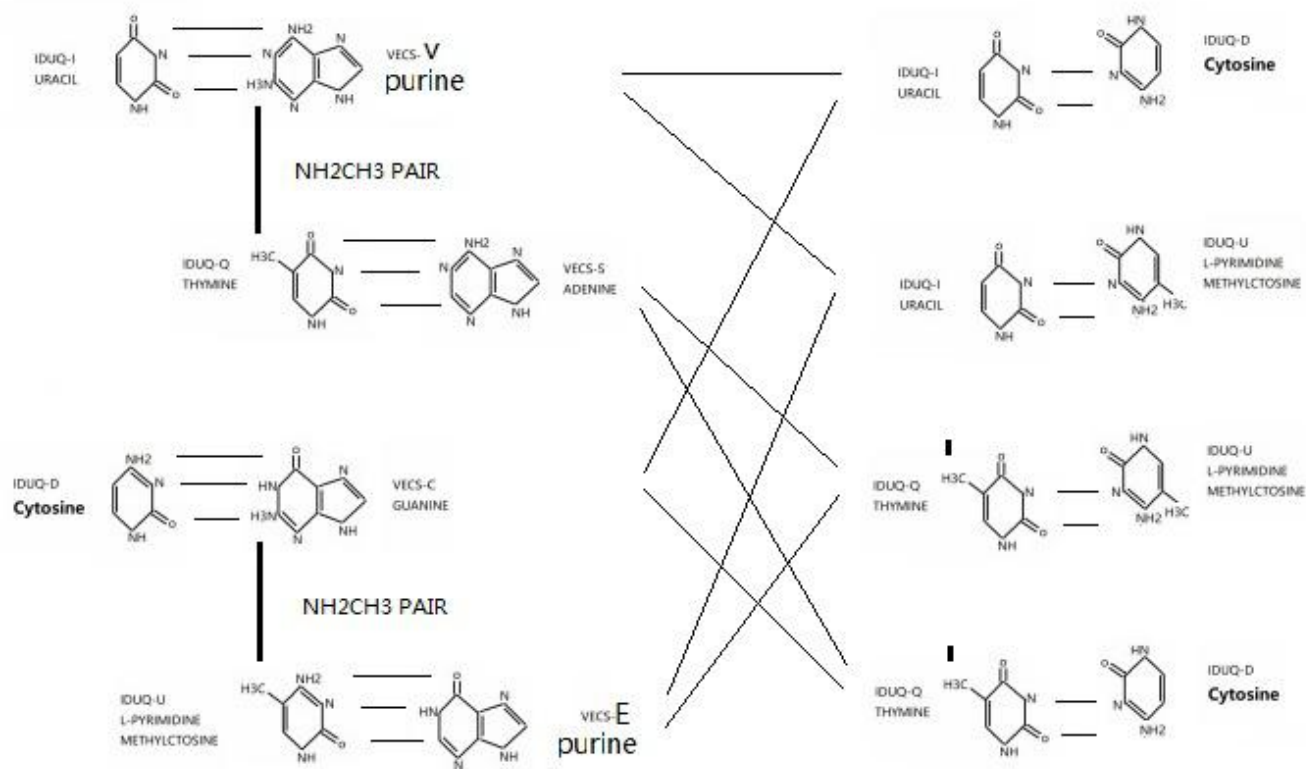
DNA / PDN  
EXTENSION

VECS-IDUQ

PAIR



IDUQ-IDUQ PAIR



罗瑶光

浏阳

20201125~26



## REFERENCE:

- 1.Yaoguang Luo, DETA PARSER, National Copyright Administration of China, CN3951366, (2019).
- 2.Yaoguang Luo, DETA ETL, National Copyright Administration of China, CN4240558, (2019).
- 3.Yaoguang Luo, DETA Socket DB, National Copyright Administration of China, CN4317518, (2019).
- 4.Yaoguang Luo, Data Processor API, National Copyright Administration of China, CN4584594, (2018).
- 5.Yaoguang Luo, Data Swap, National Copyright Administration of China, CN4607950, (2019).
- 6.Yaoguang Luo, Data prediction, National Copyright Administration of China, CN5447819, (2020).
- 7.Yaoguang Luo, AOPM, AOPM Open Source System On SDLC Theory,  
[https://github.com/yaoguanguo/Deta\\_Resource/blob/master/AOPM%20System%20On%20VPCS.pdf](https://github.com/yaoguanguo/Deta_Resource/blob/master/AOPM%20System%20On%20VPCS.pdf), last accessed 2020/11/09.
- 8.Yaoguang Luo, VECS, VPCS Backend Theory And Its Application.  
[https://github.com/yaoguanguo/Deta\\_Resource/blob/master/VPCS-Method\\_V1.1.pdf](https://github.com/yaoguanguo/Deta_Resource/blob/master/VPCS-Method_V1.1.pdf), last accessed 2020/11/09.
- 9.Yaoguang Luo, IDUQ catalytic, Theory on Y AOGUANG's Array Split Peak Defect.  
[https://github.com/yaoguanguo/Deta\\_Resource/blob/master/Theory%20on%20Yaoguang's%20Split%20Peak%20Defect%201.020190908%20FIX.pdf](https://github.com/yaoguanguo/Deta_Resource/blob/master/Theory%20on%20Yaoguang's%20Split%20Peak%20Defect%201.020190908%20FIX.pdf), last accessed 2020/11/09.
- 10.Yaoguang Luo, Rongwu Luo, The INITONS Catalytic Reflection Between Humanoid DNA and Nero Cell1.2.2, National Copyright Administration of China, CN2020Z11L0333706, (2020).
- 11.YaoguangLuo, RongwuLuo, The INITONS Catalytic Reflection Between Humanoid DNA and Nero Cell, IE, ACM, Pending ID: A2050-ICITEE2020.
- 12.YaoguangLuo, AOPM-VECS-IDUQ Catalytic INITONS PDE LAW and Its Application , CN 2020Z11L0356797.
- 13.Xilaing Cha, Biochemistry and Molecular Biology, People's Medical Publishing House, ISBN978-7-117-26624-6, Page32, Page39, Page46, Page59, Page203
- 14 YaoguangLuo, L-Pyrimidine. CC 4.0 BY-SA: [https://blog.csdn.net/weixin\\_38249398/article/details/109990693](https://blog.csdn.net/weixin_38249398/article/details/109990693), last accessed 2020/11/09.  
pdf-backup: Github:  
[https://github.com/yaoguanguo/Deta\\_Resource/blob/master/L-pyrimidine%201.2.3%20English%E5%8F%98%E5%98%A7%E5%95%B6%E5%88%86%E5%AD%90%E5%BC%8F%E6%8E%A8%E5%AF%BC.pdf](https://github.com/yaoguanguo/Deta_Resource/blob/master/L-pyrimidine%201.2.3%20English%E5%8F%98%E5%98%A7%E5%95%B6%E5%88%86%E5%AD%90%E5%BC%8F%E6%8E%A8%E5%AF%BC.pdf)  
pdf-backup: Gitee:  
<https://gitee.com/DetaChina/collection-of-papers-by-deta/blob/master/L-pyrimidine%201.2.3%20English%E5%8F%98%E5%98%A7%E5%95%B6%E5%88%86%E5%AD%90%E5%BC%8F%E6%8E%A8%E5%AF%BC.pdf>
- 15 YaoguangLuo, DNA 与 肽展公式 计算推导 变感腺嘌呤 与 尿变嘌呤结构 手稿. CC 4.0 BY-SA:  
本文链接: [https://blog.csdn.net/weixin\\_38249398/article/details/110083736](https://blog.csdn.net/weixin_38249398/article/details/110083736)



- 1 罗瑶光, 德塔语言图灵工程 API\_10\_6\_1, CN 3951366.
- 2 罗瑶光, 数据分析算法引擎系统 1.0.2, CN 4584594.
- 3 罗瑶光, 德塔数据结构变量快速转换 引擎系统, CN 4607950.
- 4 罗瑶光, 德塔 Socket 流可编程数据库语言引擎系统 API1.0.0, CN 4317518.
- 5 罗瑶光, 数据预测引擎系统 API1.0.0, CN5447819.
- 6 罗瑶光, 德塔 ETL 可视化数据分析引擎系统 API1.0.2, CN4240558.
- 7 罗瑶光, AOPM, AOPM Open Source System On SDLC Theory,  
[https://github.com/yaoguanguo/Deta\\_Resource/blob/master/AOPM%20System%20on%20VPCS.pdf](https://github.com/yaoguanguo/Deta_Resource/blob/master/AOPM%20System%20on%20VPCS.pdf), last accessed 2020/11/09.
- 8 罗瑶光, VECS, VPCS Backend Theory And Its Application.  
[https://github.com/yaoguanguo/Deta\\_Resource/blob/master/VPCS-Method\\_V1.1.pdf](https://github.com/yaoguanguo/Deta_Resource/blob/master/VPCS-Method_V1.1.pdf), last accessed 2020/11/09.
- 9 罗瑶光, IDUQ catalytic, Theory on Y AOGUANG's Array Split Peak Defect.  
[https://github.com/yaoguanguo/Deta\\_Resource/blob/master/Theory%20on%20Yaoguang's%20Split%20Peak%20Defect%201.020190908%20FIX.pdf](https://github.com/yaoguanguo/Deta_Resource/blob/master/Theory%20on%20Yaoguang's%20Split%20Peak%20Defect%201.020190908%20FIX.pdf), last accessed 2020/11/09.
- 10 罗瑶光, 罗荣武, 类人 DNA 与 神经元基于催化算子映射编码方式, CN 2020Z1110333706.
- 11 YaoguangLuo, RongwuLuo, The INITONS Catalytic Reflection Between Humanoid DNA and Nero Cell, IE, ACM, 投稿 ID: A2050-ICITEE2020.
- 12 罗瑶光, AOPM VECS IDUQ 肽展公式推导与元基编码进化计算以及它的应用发现, CN 2020Z111L0356797.
- 13 查锡良, 人民卫生出版社, 生物化学与分子生物学, ISBN978-7-117-26624-6, Page32, Page39, Page46, Page59, Page203