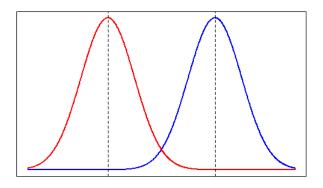
Explorando el Transcriptoma con Datos de Expresión Genética

Datos de Expresión Genética

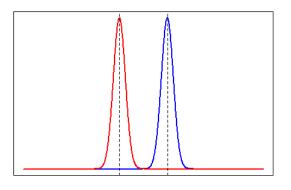
Yered Pita-Juárez

8/1/2015

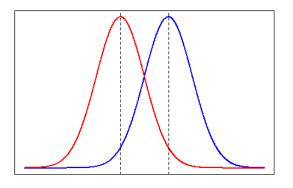
- Comparar 2 grupos
- Determinar si las medias de dos grupos son significativamente diferentes



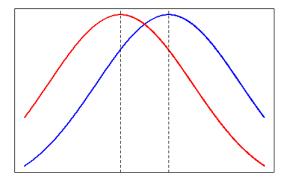
• ¿Qué tan diferentes pueden ser?

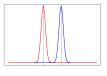


• ¿Qué tan diferentes pueden ser?



• ¿Qué tan diferentes pueden ser?



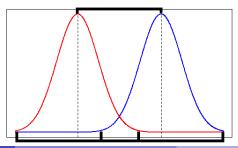






- La diferencia entre las medias es la misma
- Hay que tomar en cuenta la variabilidad de cada grupo
- Señal: diferencia entre las medias
- Ruido: la variabilidad de los grupos
- estadística T

$$T=rac{ extsf{señal}}{ extrm{ruido}}=rac{ar{X}_1-ar{X}_2}{ extsf{sd}(ar{X}_1-ar{X}_2)}$$



- H_0 : las medias son iguales vs. H_1 : las medias son diferentes
- $H_0: \mu_1 = \mu_2 \text{ vs. } H_1: \mu_1 \neq \mu_2$
- μ_1 y μ_2 son las medias verdaderas de los grupos
- Solo tenemos observaciones para cada grupo
- ullet Estimamos las medias usando los promedios $ar{X}_1$ y $ar{X}_2$

- ¿Cómo decidimos entre H_0 y H_1 ?
- Valor p: si H₀ es cierta, la probabilidad de observar una estadística al menos tan extrema como la observada
- Mientras mas pequeño sea el valor p, la evidencia en contra de H₀ es mayor
- Usamos el criterio α , rechazamos H_0 si

$$p \le \alpha$$

- Usualmente $\alpha = 0.05$
- En R, usa la función t.test
- t.test(x,y) compara las medias de los vectores x y y

Ejercicio

- Usa rnorm para generar dos vectores con la misma media y aplica la prueba de t usando t.test
- Usa rnorm para generar dos vectores con medias diferentes y aplica la prueba de t usando t.test



Ejercicio

- Descarga el archivo CdeC.RDS en tu working directory
 https://dl.dropboxusercontent.com/u/21912429/CdeC/CdeC.RDS
- Carga los datos en R usando

```
CdeC = readRDS("CdeC.RDS")
```

- CdeC es una lista con las edades de dos clubes de ciencia
- Calcula la edad promedio para cada club usando mean
- Determina si la edad promedio es significativamente diferente usando t.test

Comparaciones Múltiples

- Usar la prueba t para comparar muchas variables entre dos grupos
- ¿Cuántas veces vamos a rechazar H₀?
- Si usamos un valor α de 0.05, vamos a rechazar H_0 en el 5% de los casos al azar
- Sin ajustar los valores p nuestros resultados no son confiables

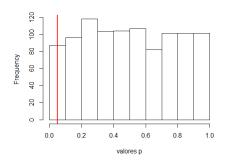
Simulación

- Vamos a generar 2 vectores con la misma media usando rnorm
- Vamos a usar la prueba de t para comparar las medias
- En este caso, H₀ siempre es cierta
- La desición correcta es no rechazar H₀
- Usando $\alpha =$ 0.05 vamos a estar equivocados en el 5% de los casos

```
sim <- function(n=10){
  x1 = rnorm(n)
  x2 = rnorm(n)
  tmp = t.test(x1,x2)
  tmp$p.value
}
res = replicate(1000,sim(n=30))</pre>
```

Simulación

```
hist(res,main="",xlab="valores p")
abline(v=0.05,col="red",lwd=2)
```



Ajuste

- Métodos para ajustar los valores p
- En este caso, al ajustarlos no deberiamos tener ningun valor p menor a 0.05

```
res_adj = p.adjust(res)
hist(res_adj,xlim=c(0,1),main="",xlab="valores p ajustados")
abline(v=0.05,col="red",lwd=2)
```

