

Phân tích đánh giá hiệu năng hệ thống

Lập trình R cơ bản

Nguyễn Hải Châu

Trường Đại học Công nghệ
Đại học Quốc gia Hà Nội



The R Project for Statistical Computing

- R là một phần mềm miễn phí chuyên về tính toán thống kê và đồ thị
- R có thể chạy trên Linux, MacOS, Windows và nhiều hệ điều hành khác
- Tải miễn phí R tại: <https://www.r-project.org/>

R cơ bản

Khởi động R và xem hướng dẫn

- Trên Linux: gõ lệnh R, Windows: nháy đúp vào biểu tượng của R
- Sau khi dấu nhắc ">" của R hiện ra, gõ lệnh `help.start()`

```
[chau@dino arduino]$ R
```

```
R version 3.4.1 (2017-06-30) -- "Single Candle"  
Copyright (C) 2017 The R Foundation for Statistical Computing  
Platform: x86_64-redhat-linux-gnu (64-bit)
```

```
R is free software and comes with ABSOLUTELY NO WARRANTY.  
You are welcome to redistribute it under certain conditions.  
Type 'license()' or 'licence()' for distribution details.
```

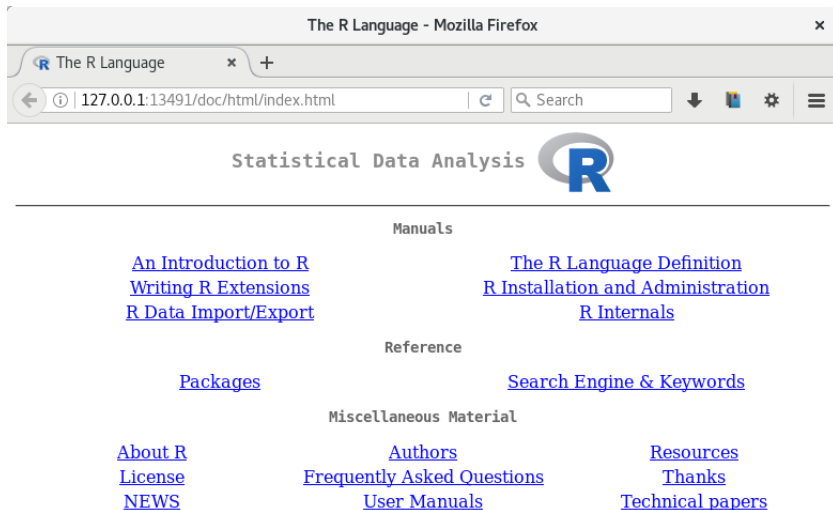
```
Natural language support but running in an English locale
```

```
R is a collaborative project with many contributors.  
Type 'contributors()' for more information and  
'citation()' on how to cite R or R packages in publications.
```

```
Type 'demo()' for some demos, 'help()' for on-line help, or  
'help.start()' for an HTML browser interface to help.  
Type 'q()' to quit R.
```

```
> help.start()  
starting httpd help server ... done  
If the browser launched by '/usr/bin/xdg-open' is already running, it is *not* restarted, and you  
itch to its window.  
Otherwise, be patient ...  
> █
```

Màn hình hướng dẫn



Các phép toán

Lưu ý các dòng có hai dấu '#' ở đầu dòng là kết quả thực hiện lệnh

```
5-1+10           # Cộng trừ
## [1] 14

7*10/2           # Nhân chia
## [1] 35

5.2^2.2          # Lũy thừa, hoặc 5.2**2.2
## [1] 37.60169

pi               # Số Pi
## [1] 3.141593

exp(1)           # Số e
## [1] 2.718282
```

Phép gán

```
x <- 5
x

## [1] 5

6 -> y
y

## [1] 6

z <- pi
z

## [1] 3.141593
```

Gọi hàm

```
print(x)           # In giá trị của x, print() là hàm có sẵn
```

```
## [1] 5
```

```
ls()               # Xem các đối tượng trong bộ nhớ
```

```
## [1] "a"          "addition" "ar"        "b"         "ch"        "dd"
## [7] "df"         "ft"        "ft1"       "ft2"       "i"         "int"
## [13] "j"          "l"         "m"         "myiris"    "mylist"    "s"
## [19] "simple"     "sp"        "str"       "tt"        "v"         "x"
## [25] "y"         "z"
```

```
rm(x)              # Xóa x, giải phóng bộ nhớ
```

```
ls()
## [1] "a"          "addition" "ar"        "b"         "ch"        "dd"
## [7] "df"         "ft"        "ft1"       "ft2"       "i"         "int"
## [13] "j"          "l"         "m"         "myiris"    "mylist"    "s"
## [19] "simple"     "sp"        "str"       "tt"        "v"         "y"
## [25] "z"
```


Các đơn vị dữ liệu cơ bản của R được lưu trữ với cùng dung lượng bộ nhớ. Các kiểu đơn vị lưu trữ này được gọi là *mode*. R có các mode:

- LOGICAL: có hai giá trị TRUE, FALSE, có thể viết tắt T, F
- character
- numeric
- complex
- raw

Mode

```
mode(x <- integer())
```

```
## [1] "numeric"
```

```
mode(x <- double())
```

```
## [1] "numeric"
```

```
mode(x <- TRUE)
```

```
## [1] "logical"
```

```
mode(x <- 'a')
```

```
## [1] "character"
```

```
mode(x <- factor('a'))
```

```
## [1] "numeric"
```

Vector: Chỉ số, độ dài, tổng

```
x <- 0:9
x

## [1] 0 1 2 3 4 5 6 7 8 9

x[5]           # Chỉ số vector bắt đầu từ 1

## [1] 4

x <- c(1,3,2,6,7,-1,-8)
x[3]

## [1] 2

length(x)      # Độ dài vector

## [1] 7

sum(x)         # Tính tổng

## [1] 10
```

Vector: các phép toán số học

```
x <- 1.2: 6.4
```

```
x
```

```
## [1] 1.2 2.2 3.2 4.2 5.2 6.2
```

```
x*2
```

```
## [1] 2.4 4.4 6.4 8.4 10.4 12.4
```

```
x/2
```

```
## [1] 0.6 1.1 1.6 2.1 2.6 3.1
```

```
x-1
```

```
## [1] 0.2 1.2 2.2 3.2 4.2 5.2
```

Vector: tập con

```
x <- 15:30  
(c(x[5], x[9]))
```

```
## [1] 19 23
```

```
(x[c(5,9)])
```

```
## [1] 19 23
```

```
(x[-c(1, 6:11, 15)])
```

```
## [1] 16 17 18 19 26 27 28 30
```

Vector: giá trị null

```
(x <- c(10, 20, NA, 4, NA, 2))  
## [1] 10 20 NA 4 NA 2  
  
mean(x)  
## [1] NA  
  
(i <- is.na(x))  
## [1] FALSE FALSE TRUE FALSE TRUE FALSE  
  
(j <- !i)  
## [1] TRUE TRUE FALSE TRUE FALSE TRUE  
  
y <- x[!i]  
mean(y)  
## [1] 9  
  
mean(x, na.rm=TRUE)  
## [1] 9
```



Chia hai vector

```
(x <- seq(2, 10, by=2)) # Gán, đồng thời in giá trị của x
```

```
## [1] 2 4 6 8 10
```

```
(y <- 1:5)
```

```
## [1] 1 2 3 4 5
```

```
x/y
```

```
## [1] 2 2 2 2 2
```

Chia hai vector

```
(x <- seq(2, 10, by=1.5)) # Gán, đồng thời in giá trị của x
## [1] 2.0 3.5 5.0 6.5 8.0 9.5

(y <- 1:5)
## [1] 1 2 3 4 5

x/y

## Warning in x/y: longer object length is not a multiple of shorter object length
## [1] 2.000000 1.750000 1.666667 1.625000 1.600000 9.500000

(z <- 1:2)
## [1] 1 2

x/z

## [1] 2.00 1.75 5.00 3.25 8.00 4.75
```


Vector ký tự

```
(s <- c('Hà Nội', 'Huế', 'Sài Gòn'))
```

```
## [1] "Hà Nội" "Huế" "Sài Gòn"
```

```
paste(s[1], s[2], s[3])
```

```
## [1] "Hà Nội Huế Sài Gòn"
```

```
paste(s[1], s[2], s[3], sep="-")
```

```
## [1] "Hà Nội-Huế-Sài Gòn"
```

```
paste0(s[1], s[2], s[3])
```

```
## [1] "Hà NộiHuếSài Gòn"
```

```
paste0(s[1], s[2], s[3], sep='-')
```

```
## [1] "Hà NộiHuếSài Gòn-"
```

Chỉ số ký tự của vector

```
x <- c(160, NA, 175, NA, 180)
y <- c(50, 65, 65, 80, 70)
names(x) <- c("Hà Nội", "Hải Phòng", "Nam Định", "Đà Nẵng", "Nha Trang")
cbind(x, y) # Đặt hai vector cạnh nhau theo dạng cột
```

```
##           x y
## Hà Nội   160 50
## Hải Phòng NA 65
## Nam Định 175 65
## Đà Nẵng  NA 80
## Nha Trang 180 70
```

```
names(x)
```

```
## [1] "Hà Nội"      "Hải Phòng"    "Nam Định"     "Đà Nẵng"      "Nha Trang"
```

```
names(y)
```

```
## NULL
```

```
x[c('Hà Nội', 'Nha Trang')] # Ok: x được đặt tên
```

```
##      Hà Nội Nha Trang
##      160      180
```

```
y[c('Hà Nội', 'Nha Trang')] # Fail: y không được đặt tên
```

```
## [1] NA NA
```

Toán tử logic

```
5 > 4; 5 < 4; 5 == 4; 5 != 4
```

```
## [1] TRUE  
## [1] FALSE  
## [1] FALSE  
## [1] TRUE
```

```
!(5 == 5)
```

```
## [1] FALSE
```

```
!(5 == 4)
```

```
## [1] TRUE
```

```
5 == 4 & 5 == 5
```

```
## [1] FALSE
```

```
5 == 4 | 5 == 5
```

```
## [1] TRUE
```

```
xor(TRUE, FALSE); xor(TRUE, TRUE)
```

```
## [1] TRUE  
## [1] FALSE
```

Một số giá trị đặc biệt

- NA: Giá trị null (không xác định)
- NaN: Not a number
- Inf: Infinity (vô cùng)

```
(x <- c(NA, 1 / 0, 0/0, -1/0, -Inf, Inf - Inf, Inf, 5))
```

```
## [1]    NA    Inf   NaN -Inf -Inf   NaN   Inf     5
```

```
is.na(x)
```

```
## [1]  TRUE FALSE  TRUE FALSE FALSE  TRUE FALSE FALSE
```

```
is.nan(x)
```

```
## [1] FALSE FALSE  TRUE FALSE FALSE  TRUE FALSE FALSE
```

```
x == Inf
```

```
## [1]    NA  TRUE    NA FALSE FALSE    NA  TRUE FALSE
```

Đối tượng

```
x <- 2                # Vector độ dài 1
x <- vector()         # Vector độ dài 0
x <- matrix()         # Ma trận 1 hàng 1 cột
x <- 'ĐHCN'           # Vector ký tự độ dài 1
x <- c('ĐHCN', 'ĐHQG') # Vector ký tự độ dài 2
x <- function() {}    # Hàm không có tham số
```

Cấu trúc điều khiển?

Rẽ nhánh

```
if (test) { # Test là biểu thức logic
  Thực hiện thao tác A
} else { # if có thể lồng nhau
  Thực hiện thao tác B
}
```

Vòng lặp for

```
x <- seq(10, 50, by=10)
x

## [1] 10 20 30 40 50

l <- length(x)
for (i in 1:l)
  if (x[i] < 30) {
    x[i] <- x[i] * 2
  } else {
    x[i] <- x[i] + 1
  }
x

## [1] 20 40 31 41 51
```


Vòng lặp vector hóa `sapply`

Tốc độ thực hiện của `sapply` nhanh hơn của `for`

```
x <- seq(10, 50, by=10)
x
```

```
## [1] 10 20 30 40 50
```

```
x <- sapply(x, function(j) {
  if (j < 30) {
    j*2
  } else {
    j+1
  }
})
x
```

```
## [1] 20 40 31 41 51
```

Hàm

Khai báo và sử dụng hàm:

```
# Khai báo
function.name <- function(arguments) {
  body and return values
}
# Sử dụng
function.name(arguments)
```

Có thể khai báo hàm trên một hoặc nhiều dòng:

```
simple <- function() {1}
simple()

## [1] 1

simple <- function() {
  1
}
simple()

## [1] 1
```

Hàm

Khai báo và sử dụng hàm:

```
addition <- function(x) {x+1}
```

```
addition(5)
```

```
## [1] 6
```

```
addition()
```

```
## Error in addition(): argument "x" is missing, with no default
```

```
addition <- function(x=0) {x+1} # Tham số vào ngầm định là 0
```

```
addition(5)
```

```
## [1] 6
```

```
addition()
```

```
## [1] 1
```

Sử dụng các thư viện

Nạp/gỡ một thư viện

- R có nhiều thư viện core và cộng đồng đóng góp
- Thư viện được cộng đồng đóng góp được liệt kê ở <https://cran.r-project.org/web/packages/>

```
library(epiR)      # Nạp thư viện

## Package epiR 0.9-87 is loaded
## Type help(epi.about) for summary information
##

detach('package:epiR', unload=TRUE)    # Gỡ thư viện đã nạp
```

Cài đặt/xóa thư viện

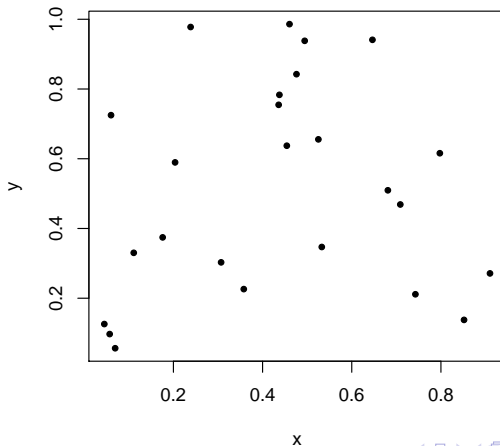
- Trên Linux: Chỉ có root được cài đặt/xóa thư viện trên R của hệ thống. Người sử dụng thông thường chỉ được cài đặt/xóa thư viện trên bản R của cá nhân
- Khi cài đặt thư viện, cần chỉ ra địa chỉ lưu trữ, nếu không R sẽ tự động đưa ra menu chọn

```
install.packages('ggplot2')      # R sẽ đưa ra menu chọn địa chỉ lưu trữ  
remove.packages('ggplot2')      # Xóa thư viện vừa cài đặt  
# Chỉ ra địa chỉ lưu trữ  
install.packages('ggplot2', repo='http://cran.asm.ac.jp')
```

Đồ thị

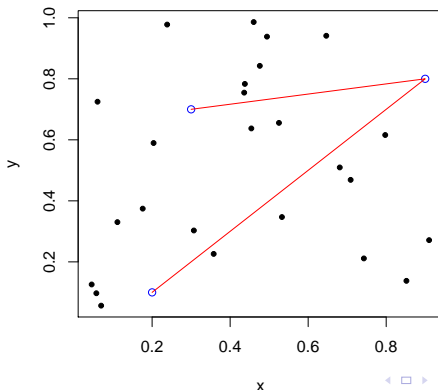
Các hàm đồ thị bậc cao

```
x <- runif(25) ; y <- runif(25) ; plot(x, y, pch=20) # Scatter plot
```



Các hàm đồ thị bậc thấp

```
plot(x, y, pch=20) # Scatter plot  
a <- c(0.2, 0.9, 0.3); b <- c(0.1, 0.8, 0.7)  
points(a, b, col='blue')  
lines(a, b, col='red')
```



Ghi đồ thị ra file raster

```
png('myplot.png', width=640, height=640) # Sử dụng hàm jpeg() cho định dạng JPEG
plot(x, y, pch=20) # Scatter plot
a <- c(0.2, 0.9, 0.3); b <- c(0.1, 0.8, 0.7)
points(a, b, col='blue')
lines(a, b, col='red')
dev.off()

## pdf
## 2

system('ls -l myplot.png', intern=TRUE) # Lệnh shell trên Linux

## [1] "-rw-rw-r-- 1 chau chau 13749 Sep  4 06:56 myplot.png"
```

Ghi đồ thị ra file vector

```
setEPS()
postscript('myplot.eps')
plot(x, y, pch=20) # Scatter plot
a <- c(0.2, 0.9, 0.3); b <- c(0.1, 0.8, 0.7)
points(a, b, col='blue')
lines(a, b, col='red')
dev.off()

## pdf
## 2

system('ls -l myplot.eps', intern=TRUE) # Lệnh shell trên Linux

## [1] "-rw-rw-r-- 1 chau chau 4895 Sep  4 06:56 myplot.eps"
```

Các kiểu dữ liệu trong R

Kiểu dữ liệu

- `factor`: Dữ liệu phân loại, có thể có thứ tự hoặc không (liên hệ kiểu `enum` trong C)
- `numeric`, `integer`: Kiểu số thực, nguyên
- `character`: Kiểu ký tự
- `Date`: Kiểu ngày tháng
- Để xem kiểu của một đối tượng, dùng hàm `class`
- Để chuyển đổi kiểu, dùng hàm `as.x`, trong đó `x` trùng với các kiểu tương ứng. Ví dụ: `as.integer`, `as.factor`

Kiểu dữ liệu factor

```
ft <- c('Thấp', 'Trung bình', 'Cao')
class(ft)      # Xem kiểu của ft

## [1] "character"

ft1 <- factor(ft)
ft2 <- factor(ft, order=TRUE)
ft1

## [1] Thấp      Trung bình Cao
## Levels: Cao Thấp Trung bình

ft2

## [1] Thấp      Trung bình Cao
## Levels: Cao < Thấp < Trung bình

ft2 <- factor(ft2, levels(ft2)[c(2,3,1)])
ft2

## [1] Thấp      Trung bình Cao
## Levels: Thấp < Trung bình < Cao
```

Kiểu dữ liệu factor

```
class(ft1)
## [1] "factor"

class(ft2)
## [1] "ordered" "factor"

is.ordered(ft1)
## [1] FALSE

is.ordered(ft2)
## [1] TRUE
```

Kiểu dữ liệu numeric, integer

```
z <- c(1.1, 2.2, 3.4)
i <- c(1, 2, 3)
class(z)

## [1] "numeric"

class(y)

## [1] "numeric"

i <- as.integer(i)
class(i)

## [1] "integer"
```


Kiểu dữ liệu character

```
str <- 'ABCDEF'
nchar(str)          # Độ dài string

## [1] 6

substr(str, 2, 3) # Lấy chuỗi con từ vị trí thứ 2 đến vị trí thứ 3

## [1] "BC"

ar <- c('abcd', 'ef', 'x')
nchar(ar)

## [1] 4 2 1

substr(ar, 2, 3)

## [1] "bc" "f"  ""
```

Kiểu dữ liệu Date

```
dd <- Sys.Date()
tt <- Sys.time()
class(dd)

## [1] "Date"

dd

## [1] "2017-09-04"

class(tt)

## [1] "POSIXct" "POSIXt"

tt

## [1] "2017-09-04 06:56:59 +07"
```

Kiểu dữ liệu matrix, array

- Vector: mảng (array) 1 chiều
- matrix: array hai chiều
- array có thể có $k > 2$ chiều

```
(v <- c(1,2,3))  
  
## [1] 1 2 3  
  
(m <- matrix(c(1,2,3,4,5,6), nrow=2, ncol=3, byrow=T))  
  
##      [,1] [,2] [,3]  
## [1,]  1   2   3  
## [2,]  4   5   6  
  
(m <- matrix(c(1,2,3,4,5,6), nrow=2, ncol=3, byrow=F))  
  
##      [,1] [,2] [,3]  
## [1,]  1   3   5  
## [2,]  2   4   6  
  
m[1,2]  
  
## [1] 3
```

Kiểu dữ liệu matrix, array

```
v <- 1 : 24  
(a <- array(v, dim = c(3, 5, 2)))
```

```
## , , 1
```

```
##
```

```
##      [,1] [,2] [,3] [,4] [,5]
```

```
## [1,]    1    4    7   10   13
```

```
## [2,]    2    5    8   11   14
```

```
## [3,]    3    6    9   12   15
```

```
##
```

```
## , , 2
```

```
##
```

```
##      [,1] [,2] [,3] [,4] [,5]
```

```
## [1,]   16   19   22    1    4
```

```
## [2,]   17   20   23    2    5
```

```
## [3,]   18   21   24    3    6
```

```
a[2,3,1]
```

```
## [1] 8
```

```
a[3,4,2]
```

```
## [1] 3
```

Kiểu dữ liệu list

- Kiểu dữ liệu này có thể chứa bất kỳ đối tượng nào
- Có thể truy cập đến các đối tượng trong list qua chỉ số hoặc tên

```
ch <- letters[1:5]
int <- as.integer(1:7)
m <- matrix(runif(10), nrow=2, byrow=T)
(mylist <- list(ch, int, m))

## [[1]]
## [1] "a" "b" "c" "d" "e"
##
## [[2]]
## [1] 1 2 3 4 5 6 7
##
## [[3]]
##           [,1]      [,2]      [,3]      [,4]      [,5]
## [1,] 0.1957738 0.4242057 0.5632126 0.3628713 0.8350565
## [2,] 0.9336440 0.4088234 0.7965890 0.6108089 0.8841672

mylist[[1]]

## [1] "a" "b" "c" "d" "e"
```

Kiểu dữ liệu list

```
ch <- letters[1:5]
int <- as.integer(1:7)
m <- matrix(runif(10), nrow=2, byrow=T)
(mylist <- list(letter=ch, int=int, mat=m))

## $letter
## [1] "a" "b" "c" "d" "e"
##
## $int
## [1] 1 2 3 4 5 6 7
##
## $mat
##           [,1]      [,2]      [,3]      [,4]      [,5]
## [1,] 0.8350613 0.9397688 0.8035827 0.6942886 0.4209943
## [2,] 0.7192759 0.6079472 0.7527440 0.8535885 0.6045554

mylist$letter

## [1] "a" "b" "c" "d" "e"

mylist[[1]]

## [1] "a" "b" "c" "d" "e"
```

Kiểu dữ liệu data.frame

- data.frame có thể hiểu như một bảng trong SQL, mỗi cột của data.frame chứa các phần tử dữ liệu cùng kiểu
- Các hàng chứa các phần tử thuộc các kiểu dữ liệu khác nhau

```
# Dữ liệu iris của Fisher ở dạng data frame
```

```
head(iris)
```

```
##   Sepal.Length Sepal.Width Petal.Length Petal.Width Species
## 1         5.1         3.5         1.4         0.2   setosa
## 2         4.9         3.0         1.4         0.2   setosa
## 3         4.7         3.2         1.3         0.2   setosa
## 4         4.6         3.1         1.5         0.2   setosa
## 5         5.0         3.6         1.4         0.2   setosa
## 6         5.4         3.9         1.7         0.4   setosa
```

```
str(iris)
```

```
## 'data.frame': 150 obs. of  5 variables:
##  $ Sepal.Length: num  5.1 4.9 4.7 4.6 5 5.4 4.6 5 4.4 4.9 ...
##  $ Sepal.Width : num  3.5 3 3.2 3.1 3.6 3.9 3.4 3.4 2.9 3.1 ...
##  $ Petal.Length: num  1.4 1.4 1.3 1.5 1.4 1.7 1.4 1.5 1.4 1.5 ...
##  $ Petal.Width : num  0.2 0.2 0.2 0.2 0.2 0.4 0.3 0.2 0.2 0.1 ...
##  $ Species     : Factor w/ 3 levels "setosa","versicolor",...: 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 ...
```

Truy cập đến các phần tử dữ liệu của `data.frame`

```
iris[2,3]
```

```
## [1] 1.4
```

```
iris[3,2]
```

```
## [1] 3.2
```

```
iris$Sepal.Width[3] # Tương đương với iris[3,2]
```

```
## [1] 3.2
```


Vào/ra dữ liệu với data.frame

```
write.csv(iris, 'iris.csv', row.names=F)
system('ls -l iris.csv; head -3 iris.csv', intern=T)
```

```
## [1] "-rw-rw-r-- 1 chau chau 4026 Sep  4 06:56 iris.csv"
## [2] "\"Sepal.Length\", \"Sepal.Width\", \"Petal.Length\", \"Petal.Width\", \"Species\""
## [3] "5.1,3.5,1.4,0.2,\"setosa\""
## [4] "4.9,3,1.4,0.2,\"setosa\""
```

```
myiris <- read.csv('iris.csv', sep=',', header=T)
head(myiris)
```

```
##   Sepal.Length Sepal.Width Petal.Length Petal.Width Species
## 1           5.1           3.5           1.4           0.2   setosa
## 2           4.9           3.0           1.4           0.2   setosa
## 3           4.7           3.2           1.3           0.2   setosa
## 4           4.6           3.1           1.5           0.2   setosa
## 5           5.0           3.6           1.4           0.2   setosa
## 6           5.4           3.9           1.7           0.4   setosa
```

Thao tác dữ liệu với `data.frame`

- Có nhiều thư viện thao tác dữ liệu với `data.frame`. Tham khảo `dplyr`, `tidyr`, `data.table`
- Thư viện tổng hợp: `tidyverse`

Các hàm thống kê mô tả và đồ thị

Trung bình, trung vị, phương sai, độ lệch chuẩn

```
mean(x)           # Trung bình
## [1] 0.4312446

median(x)         # Trung vị
## [1] 0.4543482

var(x)            # Phương sai
## [1] 0.0702071

sd(x)             # Độ lệch chuẩn
## [1] 0.2649662
```

Biểu đồ barplot

```
arth <- read.csv('arth.csv')

## Warning in file(file, "rt"): cannot open file 'arth.csv': No such file or directory
## Error in file(file, "rt"): cannot open the connection

barplot(table(arth$Improved)) # Hiệu quả chữa bệnh

## Error in table(arth$Improved): object 'arth' not found

plot(table(arth$Improved, arth$Sex)) # Hiệu quả chữa bệnh chia theo giới tính

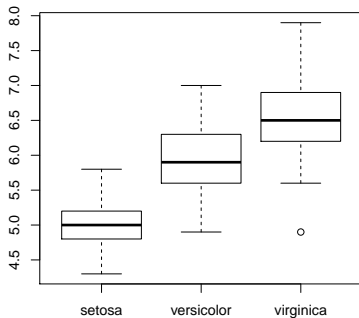
## Error in table(arth$Improved, arth$Sex): object 'arth' not found
```

Biểu đồ boxplot

```
head(iris, 3)
```

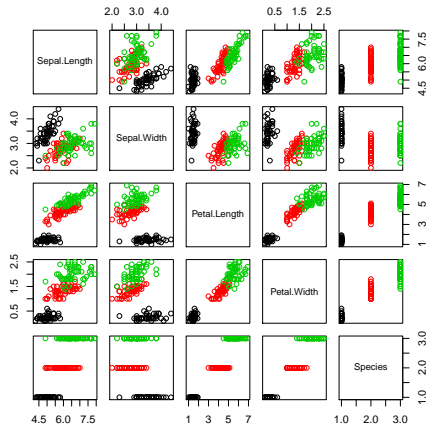
```
##   Sepal.Length Sepal.Width Petal.Length Petal.Width Species
## 1         5.1         3.5         1.4         0.2   setosa
## 2         4.9         3.0         1.4         0.2   setosa
## 3         4.7         3.2         1.3         0.2   setosa
```

```
boxplot(data=iris, Sepal.Length~Species)
```



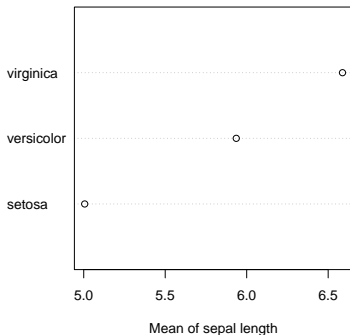
Biểu đồ scatterplot

```
plot(iris, col=iris$Species)
```



Biểu đồ dotchart

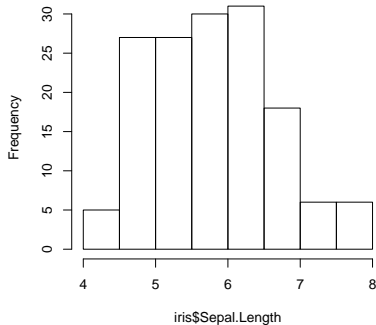
```
library(tidyverse)
df <- iris %>% group_by(Species) %>% summarise(sepalmean = mean(Sepal.Length))
sp <- df$sepalmean
names(sp) <- df$Species
dotchart(sp, xlab='Mean of sepal length')
```



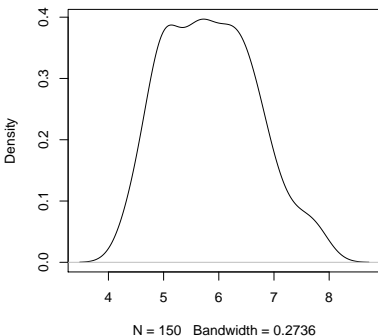
Biểu đồ histogram và density

```
hist(iris$Sepal.Length, breaks=10)  
plot(density(iris$Sepal.Length))
```

Histogram of iris\$Sepal.Length



density.default(x = iris\$Sepal.Length)



Biểu đồ densityplot với thư viện lattice

```
library(lattice)  
densityplot(x=iris$Sepal.Length, xlab='Sepal Length')  
densityplot(x=iris$Sepal.Length, group=iris$Species, xlab='Sepal Length')
```

