ECOLE NATIONALE DE LA STATISTIQUE ET DE L'ANALYSE DE L'INFORMATION



STAGE 2A

CREST

Modèles Additifs Généralisés pour des données imparfaitement observées

rédigé par BRUNET Hugo

Résumé

Lorem ipsum dolor sit amet. Ut expedita sunt est delectus quia ad nostrum delectus eum magni dolor. Eos nemo minima sit deleniti porro et necessitatibus minima ab quia necessitatibus in beatae autem et voluptas labore.

Lorem ipsum dolor sit amet. Ut expedita sunt est delectus quia ad nostrum delectus eum magni dolor. Eos nemo minima sit deleniti porro et necessitatibus minima ab quia necessitatibus in beatae autem et voluptas labore.

contribution

si jamais vous apercevez des fautes dans le polycopié, merci de rédiger une *issue* sur Github à l'adresse :

correctif



ENSAI-2A-stage-FGAM/issues

contact



mail DEV: hugo.brunet@eleve.ensai.fr

Notation	Signification
Category A	
Category B	

Table des matières

1	Chapter 1
	1.1
	1.2
	1.3
	1.4
	1.5
2	Chapter 2
	2.1
	2.2
	2.3
	2.4
	2.5
	2.0
3	Chapter 3
	3.1
	3.2
	3.3
	3.4
	3.5
Α	Some Appendix
	A.1 with subsection
	A.2 and another one
В	Code Examples

Table des figures

List of Algorithms

Chapitre 1

Chapter 1

Contents	
1.1	
1.2	
1.3	
1.4	
1.5	

- 1.1
- 1.2
- 1.3
- 1.4
- 1.5

Chapitre 2

Chapter 2

Contents																								
2.1																							2	
2.2																							2	
2.3																							2	
2.4																							2	
2.5																							2	

- 2.1
- 2.2
- 2.3
- 2.4
- 2.5

Chapitre 3

Chapter 3

Contents																									
3.1													 										3	3	
3.2													 										3	3	
3.3													 										3	3	
3.4																							3	3	
3.5				•			•				•												3	3	

- 3.1
- 3.2
- 3.3
- 3.4
- 3.5

Annexe A

Some Appendix

Contents	
A.1	with subsection i
A.2	and another one \hdots
A 1:H	a subsection

A.1 with subsection

A.2 and another one

Annexe B

Code Examples

```
# --- install --- #
install.packages(c("fda", "fda.usc"))

# --- general packages --- #
library(data.table)

# --- FDA packages --- #
library(fda)
library(fda.usc)
```

```
\mid X_1 \mid X_2 \mid \cdots \mid X_p \mid
    # | Jan 1st 12:00 | : | : |
2
    data <- fread("data.csv")</pre>
    # un individu = une ligne
    # donc pour une série temporelle, il faut transposer les observations et avoir la
    → suite des données disposées sur une ligne.
    fdata_standard_index <- fda.usc::fdata(</pre>
8
        mdata = t(X),
        argvals = to_unit_interval(
10
11
        \mbox{\tt\#} on doit ramener les dates dans l'intervalle [0,1]
^{12}
             data[, .(date)]
14
15
```

```
numbasis = num_basis__seq,
type.basis = "bspline",
verbose = TRUE
```

```
fda_optimal_basis <- ...
fdata_obj_temp <- fda_optimal_basis[["fdata.est"]]

fdata_obj <- fda.usc::fdata2fd(fdata_obj_temp)

fpca_result <- fda::pca.fd(

fdobj = fdata_obj,

nharm = 3,

# centrer les données

centerfns = TRUE

)</pre>
```

Regardons désormais à quoi ressemble la sortie :

Bibliographie

(1) A. Monfort C. Gourieroux and A. Trognon. Pseudo maximum likelihood methods: Theory. *The Econometric Society*, 52(3), 1984. pages 681-700. DOI: https://doi.org/10.2307/1913471.