

W-Seminararbeit aus dem Abiturjahrgang 2014/16

W-Seminar: Extrema

Seminarleiterin: Claudia Müller

Thema der Arbeit:

Wegfindung - Vergleich verschiedener Algorithmen

Verfasser:

Maximilian Léon Stark

Abgabetermin: 10. November 2015

Erreichte Punktzahl:

Unterschrift der Seminarleiterin/des Seminarleiters:

Inhaltsverzeichnis

1	Risikolaktor Navigationsgerat		3
2	Grundlagen und Terminologie		4
3	Aufbau und Bedienung des Programms PathFinder		5
4	Konstruktion eines Graphen in PathFinder		6
5	Visuelles Layout von Graphen		
6	Weg	gfindungs-Algorithmen	9
	6.1	Gröbste Züge von Intelligenz: Tiefensuche	10
	6.2	Erfunden in 20 Minuten: Der Dijkstra-Algorithmus	13
	6.3	Der Alleskönner: Der A*-Algorithmus	15
7	Vergleichsstatistik und Fazit		17
8	Schluss		18

1 Risikofaktor Navigationsgerät

"Wenn möglich, bitte wenden" auf der Autobahn. "Jetzt links abbiegen" im Kreisverkehr. Navigationssysteme können Todesfallen oder Verursacher schwerer Unglücke sein. Denn die Menschen vertrauen ihnen oft blind. So zum Beispiel erging es einem 33-jährigen im niedersächsischen Einbeck. Denn als die Polizei an der Unfallstelle eintraf, bot sich ihr ein kurioses Bild: Der Pkw steckte auf einer abwärtsführenden Fußgängertreppe fest. Jegliche Versuche des Fahrers, sein Fahrzeug zu befreien, blieben erfolglos. Bedanken darf sich dieser Mann, ebenso wie eine junge Frau, die aufgrund eines Tippfehlers in einem Ort 850 km entfernt vom gewünschten Ziel eintraf, bei der allzu freundlichen Stimme aus der Mittelkonsole [1]. Darum ist es umso wichtiger, dass "Navis" immer über aktuellste Kartendaten verfügen und auch ausgiebig auf Fehler geprüft werden.

Aber nicht nur detailreiche Straßeninformationen sind für ein gutes Navigationsgerät von Bedeutung, sondern auch die Verarbeitung dieser. Denn die Daten können noch so genau sein; wenn das Gerät keine vernünftigen Wege berechnen kann, ist es genau so unbrauchbar. Darum geht es in dieser Arbeit, nämlich die verschiedenen Methoden zur Wegberechnung in einem Straßen-Netz oder ähnlichem. Es werden drei Algorithmen vorgestellt und verglichen, um festzustellen, für welche Zwecke welche Methode am zielführendsten ist. Als Werkzeug zur genaueren Untersuchung und zur Erzeugung von Vergleichsstatistiken habe ich ein Programm namens PathFinder geschrieben, in dem die Algorithmen adaptiert sind. Die Ausführungen in dieser Arbeit sind in gewisser Weise als Bedienungsanleitung des Programms zu sehen, da sich sämtliche Darstellungen und Tabellendaten darauf stützen.

Mit der Mathematik als Leitfach, im Themenbereich von Extremwertproblemen, wird konkret das Problem des kürzesten Wegs in Angriff genommen. Der optimale, kürzeste Weg zeichnet sich aber nicht nur durch seine Eigenschaft, am schnellsten von A nach B zu gelangen, aus, sondern auch durch die für die Bestimmung dieses Wegs benötigte Zeit und den Rechenaufwand. Denn ein "Navi", das vier Stunden rechnet, um den besten Weg zu ermitteln, wird sich nicht bei den Konsumenten durchsetzen. Gleiches gilt aber auch für ein Gerät, welches den Fahrer ohne Rechenzeit über Feld- und Waldwege lotst. Es muss eine Balance zwischen Quantität und Qualität gefunden werden. Und wo diese Mitte liegt, gilt es nun herauszufinden.

2 Grundlagen und Terminologie

Zunächst werden in diesem Abschnitt die grundlegenden Begriffe der Graphen-Theorie geklärt. Auch Fachbegriffe aus der Implementierung durch die Informatik werden erläutert.

Generell sind Algorithmen eine festgelegte Abfolge von Schritten um Daten zu verarbeiten. In der Informatik sind diese einzelnen Schritte Befehle.

Die maximale Laufzeit eines Algorithmus, auch genannt Zeitkomplexität, wird in der "big-O"-Notation (engl. für "großes O") in Form des Landau-Symbols O angegeben. Dabei werden sämtliche kleineren Polynome aufgrund ihres geringeren Wachstums vernachlässigt. So zum Beispiel lässt sich ein Algorithmus, der in der Zeit $O(n^2 + 5n)$ abläuft, auf die Komplexität $O(n^2)$ reduzieren. Hierbei stellt n die Anzahl an Iterationen, also Schritten dar. Diese Angabe wird als primäres Vergleichskriterium von Laufzeiten verwendet [7].

Die Graphen-Theorie dient als Basis dieser Arbeit. Zentrale Bedeutung hat der namensgebende $Graph\ G=(V,E)$, alternativ auch Netz genannt, welcher aus einer Menge von $Knoten\ V$ (von engl. "Vertex") und einer Menge $Kanten\ E$ (von engl. "Edge") besteht.

Zeichnerisch werden Knoten als Punkte oder Kreise dargestellt; Kanten als Verbindungslinien zwischen zwei Knoten. Jede Kante hat einen Startknoten und einen Endknoten.

Sobald sich keinerlei Kanten in der Darstellung kreuzen, wird ein Graph als planar bezeichnet. Wenn von einer gerichteten Kante die Rede ist, lässt sich diese als Pfeil interpretieren, da die Verbindung unidirektional gilt. Ebenso gibt es die gewichteten Kanten, denen nicht nur zwei Knoten zugeordnet werden, sondern zusätzlich noch ein Gewicht w (von engl. "Weight"), ein Zahlenwert, der als "Reise"-Kosten der Verbindung zwischen den beiden Knoten gesehen werden kann.

In der Wegfindung ist ein $Weg\ P$ (von engl. "Path") als geordnete Abfolge von Knoten definiert. Da in der Regel jedes Knotenpaar nur einfach verbunden ist, reicht in der Implementierung diese Annahme aus.

Unter *Backtracking* versteht man in der Wegfindung das rückwärtige Abbarbeiten der Suchergebnisse eines *Pathfinding-Algorithmus* vom *Zielknoten* aus.

Somit erhält man den gewünschten Weg als Ergebnis. Visuell wird der Graph durch

einen Layout-Algorithmus dargestellt, der allen Knoten durch gewisse Berechnungen Positionen zuteilt (vgl. Abschnitt 5).

Um ein Netz zu generieren, wird eine Zufallsfunktion verwendet. Hierzu wird ein standardisierter Pseudozufalls-Generator verwendet [2]. Dieser generiert kaum oder nur schwer vorhersagbare Abfolgen von Zahlen. Aufgrund der nicht echten Zufälligkeit wird ein sogenanntes Seed-System benutzt, eine spezielle Zahl, mit deren Übergabe an den Generator stets die selbe Zahlenfolge erzeugt werden kann.

3 Aufbau und Bedienung des Programms Path-Finder

Das selbstgeschriebene Programm *PathFinder*, im eigentlichen Fokus stehend, fungiert sowohl als visuelle Möglichkeit der Darstellung von *Graphen*, als auch als Quelle für Vergleichsdaten und Messungen in selbst erzeugten Szenarien. Geschrieben ist die Anwendung in der Programmiersprache *Java* unter Verwendung der *JavaFX*-Standardbibliothek [3] und umfasst über 3000 Zeilen Code in 39 Quelldateien.



Abb. 1: Die Start- und Hauptansicht von *PathFinder*

Auf den ersten Blick ist die Anwendungsoberfläche in zwei größere Bereiche aufgeteilt. Im linken, kleineren Seitenbereich
werden detaillierte Informationen über den
Graphen, bereits berechnete Wege und die
Konfigurationsmöglichkeiten neuer Wege, in
mehrere "Tabs" unterteilt, angezeigt. Der
große rechte Bereich, zu Beginn der Anwen-

dung nur mit "Erstellen Sie ein neues Netz..." (Abb. 1) beschriftet, dient als Hauptansicht von sowohl des *Graphen*, als auch der Vergleichsstatistiken und Tabellen.

Die Bedienung kann vollständig mit der Maus erfolgen, da sich sämtliche Funktionen
visuell intuitiv und minimalistisch präsentieren. Nur vereinzelt führen Tastatureingaben oder "Hotkeys" zu mehr Komfort oder Genauigkeit der Anwendung. So kann
beispielsweise das *Relayout* (siehe Abschnitt 5) des *Graphen* per "L" Taste, das *Ge-*nerieren (siehe Abschnitt 4) eines neuen *Netzes* unter Benutzung von "N" erfolgen.

¹siehe Anhang: CD-ROM

Konstruktion eines Graphen in PathFinder 4

Im nächsten Schritt wird nun ein Graph erzeugt und die Funktionsweise des Generators betrachtet. Durch Klicken auf "Erstellen Sie ein neues Netz..." wird ein Dialog-2),

(Abb.

geöffnet

Fenster

Abb. 2: Dialog zur *Netz*-Generierung

Abbruch

Ok

welches verschiedene Genererierungs-Parameter zur Konfiguration anbietet.

Unterteilt sind diese Einstellungen in zwei Bereiche: Generell und Erweitert. Generelle Optionen sind für den einfachen Gebrauch ausreichend mit einem Regler für die Größe s_q und ein Seed-Eingabefeld ausgestattet. Der Seed wird verwendet, um die Möglichkeit zu haben, in späteren Tests mit dem gleichen Graphen zu arbeiten.

Im Erweitert-Bereich lässt sich die Generierung aufs Genaueste einstellen. So können die Anzahl an Maximalknoten n_{max} und die maximale Kanten-Anzahl e_{max} pro Knoten festgelegt werden. Ebenso kann die Wahl zwischen drei Typen t von Kanten getroffen werden: Ungerichtet, Gemischt und Gerichtet, was alle Kanten des zu generierenden Graphen betrifft. Die Option Gemischt bewirkt, dass die Gerichtetheit jeder Kante zufallsbedingt ist.

Durch Bestätigen per Klick auf "Ok" wird der Generator mit diesen Parametern gestartet und ein *Netz* erzeugt.

Zunächst wird der Seed für den Zufallsgenerator gesetzt. Danach wird aus den gegebenen Grenzwerten die tatsächliche Menge von Knoten berechnet und in den Graphen eingesetzt. Daraufhin wird für jeden Knoten eine Anzahl an Kanten bestimmt. Durch das "Clampen", d.h Einzwicken, Eingrenzen, der Start- und Generierungswerte durch

$$e = max\Big(1, R\Big(0, \min\Big(\frac{n}{2} - 1, e_{max}\Big)\Big)\Big)$$
$$\begin{pmatrix} max(a, b) \to \text{Gr\"oßere der beiden Parameter} \\ min(a, b) \to \text{Kleinere der beiden Parameter} \end{pmatrix}$$

wird gewährleistet, dass der Generator nicht mehr Kanten platzieren kann, als eindeutig möglich ist. Jetzt wird versucht, sämtliche Knoten durch zufällige Wahl mit einem anderen Knoten zu verbinden, wobei der jeweils gesuchte Knoten weder der Ausgangsknoten selbst, noch ein bereits verbundener Knoten sein soll. Sobald eine Kombination gefunden wurde, wird die entsprechende Kante mit einem ebenfalls

Alg. 1 Graph-Generator

```
geg.: Zufallsgenerator R, max. Kantengewicht W_{max} = 30
ges.: Graph g
 1: prozedur GENERIEREGRAPH(seed, s_a, n_{max}, e_{max}, t)
        setze Seed von R zu seed
 2:
                                         \triangleright Zufällige Anzahl im Interval |n_{max}/2; n_{max}|
        sei n R(n_{max}/2, n_{max}) * s_q
 3:
        füge n \ Knoten \ zu \ g \ hinzu
 4:
        für i = 0 \rightarrow n wiederhole
 5:
            sei e \ max(1, R(0, \min(n/2 - 1, e_{max})))
 6:
            für j = 0 \rightarrow e wiederhole
 7:
 8:
               sei index i
               wiederhole
 9:
10:
                   sei index R(0, n)
               solange index gleich i oder Knoten_i mit Knoten_{index} verbunden
11:
               sei e Kante von Knoten_i zu Knoten_{index}, Gewicht w = R(0, W_{max})
12:
               wenn t = \text{Gemischt oder } (t = \text{Gerichtet und } R() > R()) dann
13:
                                                                    \triangleright R > R = \text{Zufallstest}
14:
15:
                   setze e gerichtet
16:
               ende wenn
               füge e zu q hinzu
17:
            ende für
18:
        ende für
19:
20: ende prozedur
```

zufallsgenerierten Gewicht erstellt. Dann wird auf Basis des Kanten-Typs die Gerichtetheit bestimmt und schließlich wird die Kante im Graphen platziert (Alg. 1)².

5 Visuelles Layout von Graphen

In vorangegangen Abschnitten wurde das grundlegende Konzept eines *Graphen* bereits dargestellt. Wenn man sich nun mit der optimalen visuellen Darstellung eines *Graphen* auseinandersetzt, begibt man sich in die Thematik der *Layouts* (von engl. "Anordnung") eines *Graphen*.

Es gibt die verschiedensten Ansätze, zu einer übersichtlichen Visualisierung zu gelangen, darunter die force-directed algorithms (von engl. "kraft-gerichtet" oder "kraftbasiert")[4]. Diese simulieren ein einem großen Molekül ähnelndes Konstrukt, in dem verschiedene Kräfte, die von Knoten und Kanten ausgehen, aufeinander wirken. Das

²vgl. Anhang: GraphGenerator.java

Ziel solcher Simulationen ist das mechanische Equilibrium, die gegenseitige Aufhebung jeglicher wirkenden Kräfte.

Vorteile dieser Methode sind die enorme Flexibilität der Simulation und die sehr zufriedenstellenden Resultate in Bezug auf die *Planarität* des visualiserten *Graphen*. Als Nachteil lässt sich die mitunter sehr lange Laufzeit der Berechnung sehen, die benötigt wird, um ein akzeptables Ergebnis zu erhalten; insbesondere bei sehr großen *Netzen*.

Der in PathFinder verwendete Algorithmus ist der Fruchtermann-Reingold Algorithmus³, der 1991 von Thomas M. J. Fruchterman und Edward M. Reingold an der University of Illinois veröffentlicht wurde [6]. Ihre Methode verfolgt die Prinzipien, dass

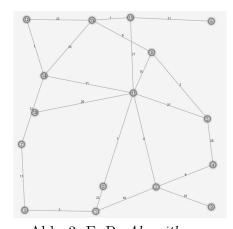


Abb. 3: F.-R. Algorithmus

verbundene *Knoten* nebeneinander liegen und sämtliche *Knoten* trotzdem nicht zu nahe beieinander platziert werden sollten.

Der Algorithmus versucht außerdem, alle Knoten n gleichmäßig innerhalb eines Rahmens zu verteilen, einer als Parameter w und h (von engl. "width" und "height") definierten Maximalfläche. Zunächst wird die Konstante k, die optimale Distanz zwischen Knoten, als

$$k = \sqrt{\frac{w \cdot h}{n}}$$

definiert. Sie findet Verwendung in den beiden $Kr\"{a}ften$ der Simulation. Die Kraft F_a beschreibt die Anziehung zwischen Knoten, F_r die Abstoßung dieser voneinander.

$$F_a(x) = \frac{x^2}{k} \qquad F_r(x) = \frac{k^2}{x}$$

Der Ablauf der Simulation lässt sich in drei Schritte zusammenfassen. Zuerst wird F_a , danach F_r , für jeden einzelnen Knoten berechnet. Im dritten Schritt werden die Effekte dieser berechneten Kräfte umgesetzt (Disposition), aber nur in durch die Temperatur begrenzter Länge. Die Temperatur ist ein Wert, der bei jedem Durchlauf des Algorithmus bis auf 0 verringert wird, um die Verschiebungen der Knoten immer präziser werden zu lassen. Anfangs wird der Wert beliebig festgelegt. Der vorgeschla-

³[5, Kapitel 12.3, S. 386f]

gene und damit auch in PathFinder umgesetzte Startwert t_0 , dessen Änderung auf der Funktion t(s) abgebildet wird, entspricht

$$t_0 = \frac{1}{10} \cdot w$$
 $t(s) = t_0 - \frac{t_0}{s_{max}} \cdot s$ $s_{max} = s_g \cdot 500$

Außerdem wird eine Maximalanzahl an Simulationsschritten s_{max} definiert, in deren Abhängigkeit die *Temperatur* verringert wird. In der Anwendung wird diese Maximalgröße wie angegeben berechnet, wobei s_g die bei der *Graph*-Erzeugung angegebene Größe ist. Somit erhält man in PathFinder folgende Gesamtfunktion:

$$t(s) = \frac{w}{10} - \frac{w}{s_g \cdot 5000} \cdot s$$

6 Wegfindungs-Algorithmen

Nachdem jetzt sowohl das Programm *PathFinder*, als auch die darin angewandten Methoden zur Generierung und Visualisierung von *Graphen* erläutert worden sind, wird nun auf die Wegfindung eingegangen.

Generell ist das Ziel des Pathfindings den kürzesten, optimalen oder hindernissärmsten Weg zwischen zwei Knoten zu finden, je nach Aufgabenstellung; und das so schnell und recheneffizient wie möglich. Nun könnte man ganz pragmatisch an die Umsetzung herangehen und einfach den Weg zwischen jedem im Graphen existierenden Knotenpaar vorberechnen und abspeichern. Somit können in der Anwendung selbst alle notwendigen Wegdaten bequem und schnell abgerufen werden. Nur hat ein solcher Algorithmus eine $Zeitkomplexität\ O(V^2)$, die für größere Graphen einfach untragbar ist (vgl. Unterabschnitt 6.2). Außerdem wächst die benötigte Speicherkapazität in gleichem Maße.

Man kann also nicht alles vorberechnen, sondern muss einen Großteil in "real time", also Echtzeit berechnen. In dieser Arbeit wird nur auf die vollständig in Echtzeit ablaufenden Umsetzungen eingegangen, doch Algorithmen wie Kontraktions-Hierarchien, die im Voraus eine kompaktere und performantere Version des gesamten Graphen errechnen, sind, besonders in sehr großen Netzwerken oder Systemen, von Bedeutung, da diese trotz des höheren Rechenaufwands enorm zu einer schnelleren Laufzeit beitragen [8].

Die nun folgenden Untersuchungen der einzelnen Algorithmen werden alle auf den

gleichen *Graphen* angewandt. Es wird ein *großer Graph* eingestellt und der Seed als 101115 bestimmt. Es wird immer der Weg vom *Knoten* Nr. 18 zu Nr. 14 gesucht.



Abb. 4: Weg-Konfiguration

Um in PathFinder Wege berechnen zu lassen, muss auf der linken Seite des Programms der "Wege"-Tab ausgewählt sein. (Abb. 4). Im oberen Teilbereich der erscheinenden Bedienungsoberfläche werden bereits erzeugte Wege mit Details über Start- und Zielknoten, als auch Gesamtgewicht und Algorithmus angezeigt. Durch Selektion eines Weges wird dessen Verlauf in der Hauptansicht des Graphen angezeigt. Außerdem werden durch die Selektion automatisch Start- und Zielknoten für eine mögliche Suche des gleichen Wegs, nur mit einer anderen Methode festgelegt, und farbig hervorgehoben (grün = Start, rot = Ziel)(vgl. Abb. 5). Denn das

Programm erlaubt nur die einmalige Suche von genau identischen Wegen mit dem selben Algorithmus.

Im unteren Bereich können Start- und Zielknoten manuell in der Graphanzeige vorgenommen werden. Zudem kann der gewünschte Algorithmus ausgewählt werden und es wird eine Schaltfläche "animiert" angeboten. Durch deren Aktivierung wird die Funktionsweise der Suche Schritt für Schritt nachvollziehbar und verzögert dargestellt.

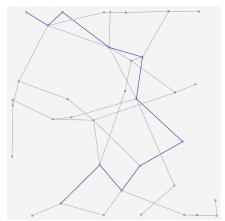
6.1 Gröbste Züge von Intelligenz: Tiefensuche

Die Tiefensuche, oder kurz DFS (von engl. "depth first search"), hat ihren Namen von ihrer Funktionalität. Der Kerngedanke hinter dem *Algorithmus* ist das kontinuierliche "Gehen" in eine Richtung, sprich der *Graph* wird so lange wie möglich in eine Richtung *traversiert* (lat. für "entlang gehen") und erst sobald das Voranschreiten nicht mehr gegeben ist, werden Schritte zurückgegangen und andere Richtungen gewählt.

Die Richtung wird in *PathFinder* durch das *Kantengewicht* bestimmt. Es werden alle anliegenden *Kanten* eines *Knoten* der Größe nach sortiert und die Unbesuchte mit dem geringsten *Gewicht* wird gewählt. Das setzt sich so lange fort, wie es noch unbesuchte *Knoten* im *Netz* gibt, oder das Ziel nicht erreicht wurde. Falls ein Weg gefunden wird, so wird, wie in allen weiteren vorgestellten *Algorithmen*, *Back*-

tracking angewandt⁴.

Die Tiefensuche hat eine Zeitkomplexität von $O(V+E)^5$, wobei V der Anzahl an Knoten, und E der Anzahl an Kanten entspricht. Abb. 5 zeigt das Ergebnis der



Tiefensuche im Fallbeispiel des Wegs von Knoten 18 zu 14. Es ergeben sich die Gesamtkosten $w_{dfs}=116$ durch Addition aller $e_{dfs}=10$ verwendeten Kantengewichte. Die gemessene Laufzeit der Wegsuche beträgt $t_{dfs}=72,61709\mu s$. Hierbei ist zu beachten, dass aufgrund von variierender Prozessorauslastung und Speicherbelegungen starke zeitliche Schwankungen zwischen wiederholten Suchabläufen bestehen. Aus die-

Abb. 5: Ergebnis der Tiefensuche wiederholten Suchabläufen bestehen. Aus diesem Grund ist die angegebene Laufzeit der Durchschnitt aus 100 aufeinanderfolgenden Abläufen.

Im Gegensatz zu den nachfolgend vorgestellten Algorithmen ist die Tiefensuche in PathFinder rekursiv, statt iterativ, implementiert. Das bedeutet, dass die Suche aus

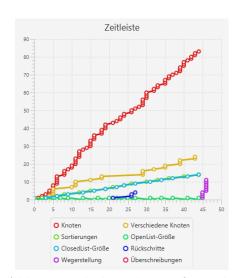


Abb. 6: Verhalten der Tiefensuche

ineinander verschachtelten Funktionsaufrufen besteht. Die Such-Funktion ruft sich selbst also mit neuen Parametern, dem aktuell untersuchten Knoten und dessen Vorgänger, selbst wiederholt auf und setzt so die Suche fort. Diese Verschachtlung wird entweder durch das Erreichen des Zielknotens oder der vollständigen Untersuchung des Graphen abgebrochen. Das hat mitunter negative Auswirkungen auf die Laufzeit, vereinfacht aber die Programmierung.

Neben der Gesamtlaufzeit wird in PathFinder

ebenfalls das Verhalten der Algorithmen aufgezeichnet. So kommt das Liniendiagramm in Abb. 6 zustande. Es werden Werte wie die Anzahl an inspizierten Knoten, bzw. verschiedenen Knoten, und Nummer von Sortier-Vorgängen in ein Anzahl-Zeit Diagramm eingetragen. Auf Daten wie die Open- und Closed-List Größe wird in Un-

⁴[9, Kapitel 22.3, S. 457f]

⁵[9, Kapitel 22.3, S. 459]

terabschnitt 6.3 eingegangen. Aus der Grafik lässt sich die lineare Funktionsweise der Tiefensuche herleiten, da sämtliche Graphen durch Mittelungsgeraden abgebildet werden können. Dies gibt weiteren Aufschluss auf die geringe *Intelligenz* der Tiefensuche, da sie keine Annäherungen an den *Zielknoten* versucht, sondern den gesamten *Graphen* gleichmäßig absucht.

Um den Codeauszug in Alg. 2⁶ möglichst gering zu halten, wird hier die *iterative* Version vorgestellt. Dabei erfolgt die Suche durch eine *explizit* festgelegte Wiederholungsschleife "solange [...] wiederhole" (Alg. 2, Z. 4).

```
Alg. 2 Tiefensuche
```

```
geg.: Graph G = (V, E)
ges.: Weg P_{ab} von n_a nach n_b
 1: prozedur TIEFENSUCHE(n_a, n_b)
       markiere alle Knoten in G als unbesucht, außer n_a
 2:
       sei n_x aktiver Knoten n_a
 3:
       solange nicht alle Knoten besucht sind wiederhole
 4:
          wenn n_x ist n_b dann
 5:
              erschließe Weg P_{ab} durch Vorgänger und beende Suche
 6:
          ende wenn
 7:
          wenn n_x keine unbesuchten Nachbarn hat dann
 8:
              sei n_x Vorgänger von n_x
 9:
10:
          sonst
11:
              sortiere unbesuchte Nachbarn von n_x
              sei n_{next} unbesuchter Nachbar mit geringstem Kantengewicht
12:
              setze n_x als Vorgänger von n_{next}
13:
14:
              sei n_x n_{next}
          ende wenn
15:
       ende solange
16:
17: ende prozedur
```

Durch den "brute-force" -Charakter (engl. für "rohe Gewalt") der Tiefensuche ist ihr Einsatz in Szenarien von großen Graphen und benötigter hoher Rechengeschwindigkeit nicht zu empfehlen, denn das simple Ausprobieren von beinahe allen möglichen Wegen ist in keiner Weise als effizient, geschweige denn "intelligent" zu bezeichnen. Tatsächlich wird der Algorithmus hauptsächlich für einen komplett anderen Zweck als die Wegfindung zwischen zwei Knoten verwendet. Vielmehr kommt er beim Traversieren des gesamten Graphen zum Einsatz, um beispielsweise einen gewissen Knoten zu suchen oder den Graphen in einen depth-first Baum, also eine

⁶vgl. Anhang: DFS.java

alternative Variante der Datenrepräsentation, umzuwandeln. In der Datenverarbeitung entspricht ein *Baum* bildlich einem umgedrehten natürlichen Baum mit einer Wurzel und sich immer weiter aufteilenden, einzelnen "Ästen" und stellt somit eine Daten-*Hierarchie* dar.

6.2 Erfunden in 20 Minuten: Der Dijkstra-Algorithmus

"Eines Morgens war ich mit meiner Freundin in Amsterdam shoppen, und müde setzten wir uns in ein Terassencafé, tranken eine Tasse Kaffee [...] und dann entwarf ich den Algorithmus. Wie gesagt, es war eine 20-Minuten Erfindung."⁷ (Edsger W. Dijkstra).

Im Zusammenhang mit seiner Präsentation für die Eröffnung des ARMAC⁸ 1956, entwarf der niederländische Informatiker Edsger Wybe Dijkstra einen *Algorithmus* zur Ermittlung des kürzesten Wegs von Rotterdam nach Groningen – in einem Café, innerhalb von 20 Minuten. Der *Algorithmus* (Alg. 3⁹) funktioniert wie folgt:

```
Alg. 3 Dijkstra-Algorithmus
```

```
geg.: Graph G = (V, E)
ges.: Weg P_{ab} von n_a nach n_b
 1: prozedur DIJKSTRA(n_a, n_b)
       setze die Distanz jedes Knotens auf \infty
 2:
       sei Q Liste aller Knoten
 3:
       setze Distanz von n_a auf 0
 4:
       solange Q nicht leer ist wiederhole
 5:
          sei u Knoten mit geringster Distanz aus Q
 6:
 7:
          wenn u ist n_b dann
              erschließe Weg P_{ab} durch Vorgänger und beende Suche
 8:
          ende wenn
 9:
          entferne u aus Q
10:
          für jeden Nachbarn l von u wiederhole
11:
              sei a Distanz_u + Kantengewicht_{ul}
12:
              wenn a < Distanz_l dann
13:
14:
                 setze Distanz von l auf a
                 setze u als Vorgänger von l
15:
              ende wenn
16:
          ende für
17:
       ende solange
18:
19: ende prozedur
```

⁷[10, (engl.), S. 42f]

 $^{^8}$ Automatische Rechenmaschine Mathematisches Zentrum, Amsterdam

⁹vgl. Anhang: Dijkstra.java

Zunächst wird die Distanz, also die Entfernung vom Startknoten n_a aus, auf ∞ gesetzt. Nicht dass die Entfernung tatsächlich als unendlich betrachtet wird, sondern

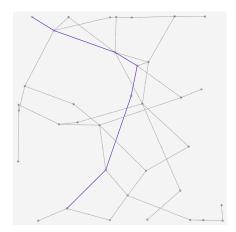


Abb. 7: Ergebnis von Dijkstras Algorithmus

dieser "Wert" gilt auch als Zeichen, dass die entsprechenden *Knoten* noch unbesucht sind.

Schnellere, aber dadurch komplexere, Umsetzungen des Algorithmus verwenden statt einer einfachen Liste Q eine Priority-Queue (für engl. "Prioritäts-Warteschlange"), die auch interne Sortieroptimierungen zur Steigerung der Gesamtlaufzeit verwendet. Eine Liste lässt sich als normale Auflistung der einzelnen Elemente ansehen, die keinerlei Sonderberechnungen vor-

nimmt, wodurch die Zeitkomplexität $O(V^2)$ beträgt. Diese Auflistung wird nun Stück für Stück, in sortierter Reihenfolge, abgearbeitet.

Für die Nachbarn des aktuell günstigsten Knotens wird die Distanz vom Startknoten n_a aus berechnet, und gegebenenfalls ausgebessert, falls ein kürzerer Weg gefunden werden sollte. Sobald der Zielknoten zur Behandlung ansteht, wird die Suche beendet, da ausreichend Schritte erfolgt sind. Dijkstras Algorithmus unternimmt also, im Gegensatz zur zuvor

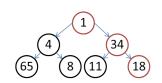


Abb. 8: Problem von Greedy Algorithmen

behandelten Tiefensuche, intelligente Schritte zur Eingrenzung des Zielknotens.

Darum zählt der Dijkstra-Algorithmus zur Kategorie der Greedy-Algorithmen, die

Zeitleiste 110 70 60 50 40

Abb. 9: Verhalten des Dijkstra-

Algorithmus

sich durch die Eigenschaft auszeichnen, von ihrem aktuellen Standpunkt aus immer das nächste lokale Maximum zu suchen. Abb. 8 veranschaulicht die Problematik von dieser Art Alqorithmus, denn es wird nicht das globale Maximum von $1 \rightarrow 4 \rightarrow 65 = 70$, sondern nur das jeweils lokale Maximum, mit einem Ergebnis von 53, erzielt.

Im direkten Vergleich von Abb. 5 und Abb. 7 wird ersichtlich, dass Dijkstras Algorithmus zu einem besseren Ergebnis gekommen ist. In der Durchschnitts-Messung ergeben $t_{dijkstra}=223,76864\mu s$ deutlich mehr Zeitaufwand als bei der Tiefensuche. Denn es werden mehr Knoten-Abfragen $n_{dijkstra} = 115$ durchgeführt und durch die Warteschleifenfunktionsweise von Q werden die bisherigen Suchergebnisse $sort_{dijkstra} = 30$ mal umsortiert (vgl. Alg. 3, Z. 6). Durch die 32 Überschreibungen, die im Fallbeispiel stattfanden, wird die trotz des höheren Rechenaufwands ebenfalls geringe Laufzeit erzielt. Somit kommt der Dijkstra-Algorithmus in $e_{dijkstra} = 6$ Schritten mit einem Gesamtgewicht von $w_{dijkstra} = 78$ zum Zielknoten.

Anders als die Tiefensuche, findet der *Dijkstra*-Algorithmus tatsächlich Verwendung in der Wegfindung, auch bei Navigationsgeräten. Denn schließlich wurde er ja dazu entworfen, den kürzesten *Weg* zwischen zwei Städten zu finden. Allerdings werden heute zahlreich optimierte Versionen verwendet, darunter der A*-Algorithmus, der als Nächstes und Letztes untersucht wird.

6.3 Der Alleskönner: Der A*-Algorithmus

Der größte Nachteil des zuvor behandelten Dijkstra-Algorithmus ist das Besuchen von zu vielen Knoten, die von Anfang an aus der Suche ausgeschlossen werden könnten. Der A* (gesprochen "A star" oder "A Stern") -Algorithmus basiert auf Dijkstras Konzept, doch er erzielt weitaus bessere Ergebnisse durch Verwendung von Heuristiken.

Erstmals veröffentlicht wurde der A*-Algorithmus 1968 von Peter Hart, Nils Nilsson und Bertram Raphael, am Stanford Research Institute¹⁰ [11].

Kern des von ihnen vorgestellten Algorithmus ist die Kosten-Funktion

$$f(n) = g(n) + h(n)$$

die sich aus einer Funktion der $tats \ddot{a}chlichen Kosten g(n)$ und den $heuristisch gesch \ddot{a}tzten Kosten h(n)$ zusammensetzt.

Heuristik (von altgr. εὑρίσχειν heuriskein "entdecken") wird die Methode der Problemlösung trotz unzureichendes Wissens genannt. Genauigkeit und Vollständigkeit der Lösung werden gegen Geschwindigkeit eingetauscht. Denn heuristische Ansätze verwenden Schätzungen und Behauptungen, die die "Zukunft", also einen zukünftigen Stand der Simulation oder Problemsituation betreffen, und handelt nach diesen. Pe-

¹⁰Heute bekannt als SRI International

ter M. Todd und Gerd Gigerenzer verfassten 1999 ein Paper zu Heuristik und ratio-nalem Denken, "Simple heuristics that make us smart" [12], worin beschrieben wird, wie heuristische Schätzungen beim Treffen von Entscheidungen eine Rolle spielen. Im A*-Algorithmus wird die heuristische Komponente h(n) zur Eingrenzung der Suche zum Zielknoten verwendet.

Wie im Kontext von Straßennetzen üblich, wird h(n) in PathFinder durch die "Luftlinie" zwischen zwei Knoten repräsentiert, also die pythagoräische Distanz $d = \sqrt{(\Delta x)^2 + (\Delta y)^2}$ der Knoten voneinander.

Alg. 4 A*-Algorithmus

```
geg.: Graph G = (V, E)
ges.: Weg P_{ab} von n_a nach n_b
 1: prozedur ASTAR(n_a, n_b)
       sei O Open-List
 2:
       \mathbf{sei}\ C Closed-List
 3:
       setze g von n_a auf 0 und errechne h von n_a
 4:
       füge n_a zu O hinzu
 5:
       solange O nicht leer ist wiederhole
 6:
           sei u Knoten mit geringstem f_u = g_u + h_u aus O
 7:
           verschiebe u von O nach C
 8:
 9:
           wenn u ist n_b dann
              erschließe Weg P_{ab} durch Vorgänger in C und beende Suche
10:
           ende wenn
11:
           für jeden Nachbarn l von u wiederhole
12:
              wenn l in O ist dann
13:
                  aktualisiere f_l und Vorgänger, falls günstiger
14:
              sonst wenn l nicht in C ist dann
15:
                  setze g_l = g_u + Kantengewicht_{ul} und errechne h_l
16:
                  setze u als Vorgänger von l
17:
                  füge l zu O hinzu
18:
19:
              ende wenn
           ende für
20:
21:
       ende solange
22: ende prozedur
```

7 Vergleichsstatistik und Fazit

8 Schluss

Literatur

[1] Stern.de: Kuriose Navi-Unfälle

http://www.stern.de/digital/technik/navi-missgeschicke-in-100-meternfahren-sie——in-den-fluss-3087618.html

zul. abgerufen am 27.10.15

[2] Java Zufalls-Funktion http://docs.oracle.com/javase/7/docs/api/java/util/Random.html zul. abgerufen am 18.10.15

[3] JavaFX-Homepage http://docs.oracle.com/javase/8/javafx/get-started-tutorial/jfx-overview.htm zul. abgerufen am 14.10.15

[4] Stephen G. Kobourov "Spring embedders and force directed graph drawing algorithms.", 2012 http://arxiv.org/pdf/1201.3011v1.pdf zul. abgerufen am 24.10.15

[5] Stephen G. Kobourov "Force-Directed Drawing Algorithms", 2013 https://cs.brown.edu/ rt/gdhandbook/chapters/force-directed.pdf zul. abgerufen am 30.10.15

[6] Thomas M. J. Fruchterman und Edward M. Reingold "Graph drawing by force-directed placement", 1991 ftp://ftp.mathe2.uni-bayreuth.de/axel/papers/reingold:graph_drawing_by_force_directed_placement.pdf zul. abgerufen am 24.10.15

[7] Donald E. Knuth "Big Omicron and big Omega and big Theta", S. 18–24, 1976 http://www.phil.uu.nl/datastructuren/09-10/knuth_big_omicron.pdf zul. abgerufen am 30.10.15

[8] Robert Geisberger

"Contraction Hierarchies: Faster and Simpler Hierarchical Routing in Road Networks", 2008

http://algo2.iti.kit.edu/schultes/hwy/contract.pdf zul. abgerufen am 30.10.15

[9] Thomas H. Cormen

"Introduction to Algorithms", 2. Ausgabe, 2001 http://www.mif.vu.lt/ \sim valdas/ALGORITMAI/LITERATURA/Cormen/Cormen.pdf zul. abgerufen am 30.10.15

[10] Thomas J. Misa und Philip L. Frana

"An interview with Edsger W. Dijkstra"

Commun. ACM, 53(8):41–47, 2010

http://dl.acm.org/citation.cfm?doid=1787234.1787249

zul. abgerufen am 01.11.15

[11] P.E. Hart, N.J. Nilsson, und B. Raphael

"A formal basis for the heuristic determination of minimum cost paths" Systems Science and Cybernetics, IEEE Transactions on, 4(2):100–107, 1968 http://ai.stanford.edu/~nilsson/OnlinePubs-Nils/PublishedPapers/astar.pdf zul. abgerufen am 03.11.15

[12] Peter M. Todd und Gerd Gigerenzer

"Précis of 'Simple heuristics that make us smart'", S. 727–780, 2000 http://psy2.ucsd.edu/~mckenzie/ToddGigerenzer2000BBS.pdf zul. abgerufen am 03.11.15

Erklärung

ich erklare mennit, dass ich die	e Seminararben Offile Tremue mille			
angefertigt und nur die im Litera	turverzeichnis angeführten Quellen			
und Hilfsmittel benützt habe.				
lch bin damit einverstanden, dass	innerhalb der Schule von Dritten in			
diese Seminararbeit Einsicht genommen werden kann.				
,	den			
(Ort)	(Datum)			

(Unterschrift Schüler)