

S2.02 - Exploration algorithmique d'un problème

Étape 2 : Recherche de plus courts chemins



Compte rendu de la deuxième partie :

Fonction « plus court chemin entre deux arrêts » en utilisant une heuristique dans un algorithme A* :

Code :

```
def getdistEstim(x,distance):
    return distance[indice_som(x)]

def Astar (depart,arrivee):
    start_time = time.time()
    #initialisation
    n = len(poids_bus)
    pred=[None]*n
    dist=[float("inf")]*n
    dist_estim=[float("inf")]*n #liste des distances estimée
    som=indice_som(depart)
    ferme = []#liste des sommets visités
    ouvert = []#liste des sommets dont on a calculé la distance
    estimée
    dist[indice_som(depart)]=0 #on met la distance du sommet de
    depart a 0
    ferme.append(depart)
    while nom(som) != arrivee: #tant que le sommets actuel n'est pas
    le sommet d'arrivée
        if voisin(nom(som)) != []: #si le sommet a des voisins
            for i in voisin(nom(som)):#on estime les longueurs de
            chaque voisins du sommets actuel
                if i not in ferme:# si le voisin n'est pas dans
                la liste des sommets fermé
                    if i not in ouvert or
                    dist[indice_som(i)]>dist[som] + poids_bus[som][indice_som(i)]: #si
                    on ne l'a pas encore ouvert(calcul de dist_estim) ou si le nouveau
                    chemin est meilleur que l'ancien
                        dist[indice_som(i)] = dist[som] +
                    poids_bus[som][indice_som(i)] #on met a jour la distance pour aller
                    a i avec la distance du sommet actuel
                        dist_estim[indice_som(i)] =
                    dist[indice_som(i)] + distarrets(i,arrivee) # on calcul la distance
                    estimé avec la distance du sommets actuel + la distance pour aller
                    du sommet actuel au voisin + la distance du voisin au somemt
                    d'arrivée
                        ouvert.append(i) # on ajoute ce sommet
                    voisin aux sommets ouverts
                        pred[indice_som(i)] = nom(som) #on met
                    le sommet actuel comme predecesseur du voisin
                        # on prend le meilleur nouveau sommet dans la liste
                    des sommets ouverts
                        ouvert=sorted(ouvert,key=lambda x:
                    getdistEstim(x,dist_estim),reverse=True) # on tri la liste des
```

```

sommets ouverts par leurs distances estimées de la plus grande a la
plus petite
        som = indice_som(ouvert.pop()) # on definie le
sommets de liste comme
        ferme.append(nom(som))
        # cas d'une impasse
        else: # on elimine cette possibilte de chemin et on reviens
au sommet precedent
        ferme.append(nom(som))
        som = indice_som(pred[som])
#remplissage de la liste des predecesseurs du sommets arrivee
liste = []
liste.append(arrivee)
a = arrivee
while a != depart:
    liste.insert(0,pred[indice_som(a)])
    a = pred[indice_som(a)]
print("--- %s seconds ---" % (time.time() - start_time))
return(liste,dist[indice_som(arrivee)])

```

Explication de l'algorithme:

L'algorithme "A*", contrairement aux algorithmes vus précédemment ne cherche pas à trouver les chemins les plus court vers chacun des sommets mais directement le chemin le plus court du sommet de départ jusqu'au sommet d'arrivée.

Il est assez proche de l'algorithme de Dijkstra car il choisit chaque fois le meilleur sommet, pour cela il utilise une fonction dite heuristique.

Pour notre part la fonction heuristique utilisée est la distance géographique entre un sommet et le sommet d'arrivée. Pour que le chemin trouvé soit bien le meilleur, cette fonction heuristique doit être "admissible" ce qui signifie qu'elle ne surestime pas la distance calculée. L'algorithme se place sur le sommet de départ et ajoute le sommet voisin à "liste ouverte", la liste des sommets considérés comme ouvert car on a calculé leur distance estimée grâce a la formule : $F(n) = G(n) + H(n)$ ou $F(n)$ donne la distance estimée de n , G la distance du sommet actuel vers le sommet n et $H(n)$ la distance heuristique de n . Chaque fois qu'il veut choisir le prochain sommet, on prend le sommet de la liste ouverte qui est triée dans l'ordre décroissant de distance estimée donc on prend le sommet avec la plus petite distance estimée et on l'enlève pour l'ajouter à la "liste fermé", la liste des sommets déjà visité.

Chaque fois que le nouveau meilleur sommet est choisi, dans le cas où c'est un voisin du sommet actuel et qu'il n'est pas déjà ouvert ou qu'il améliore l'ancien chemin du sommet actuel vers lui, on donne pour prédécesseur au nouveau meilleur sommet le sommet actuel et on lui attribue la nouvelle distance calculée à partir du sommet actuel.

On répète cette opération jusqu'à que le sommet actuel soit le sommet d'arrivée

On peut maintenant retrouver facilement le chemin en ajoutant les prédécesseurs de chaque sommet en partant de l'arrivée jusqu'au départ. La distance finale est la distance du sommet d'arrivée

Amélioration de dijkstra:

L'algorithme de Dijkstra utilise une liste dont on récupère le sommet. Grâce à une fonction "extract_min()" qui parcourt toute la liste, donc sa complexité est de $O(n)$.

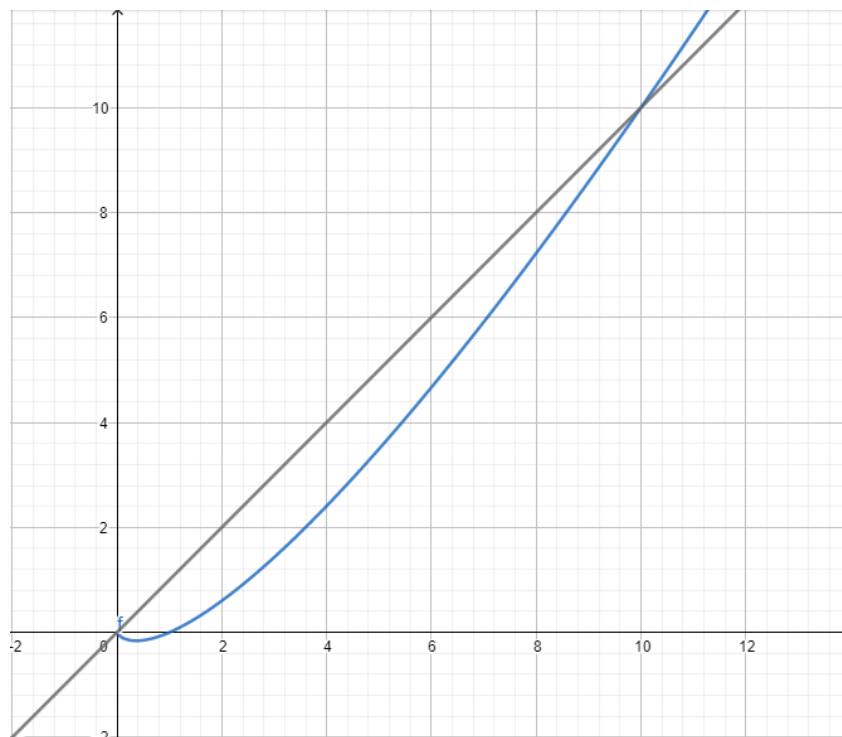
Pour améliorer la complexité de l'algorithme de Dijkstra nous avons utilisé une file de priorité. Pour cela nous avons utilisé une simple liste qui, chaque fois que des nouveaux éléments sont ajoutés, est triée (en fonction de la distance) pour que le premier élément de cette liste soit le meilleur nouveau sommet.

L'algorithme de tri utilisé est Timsort dont la complexité moyenne est $O(n \cdot \log(n))$. L'algorithme Timsort est plus efficace dans notre cas car à l'inverse de la fonction "extract_min()", on ne parcourt pas toute la liste.

Grâce au tri, la liste des sommets à visiter est déjà ordonnée et à chaque nouveau sommet, on obtient les distances des voisins du sommet actuel.

Or il n'y a jamais plus de 10 voisins, donc pas plus de 10 nouvelles valeurs à trier, nous sommes donc dans le cas où n appartient à l'intervalle $[0, 10]$.

Dans ce cas, la complexité de Timsort est inférieure à celle de la fonction extract_min().



Timsort

Extract_min()

Comparer l'efficacité des différents algorithmes :

On a utilisé dans la bibliothèque time la fonction time ()

Qui va afficher le temps d'exécution

On a testé le temps d'exécution des programmes

```
start_time = time.time()  
/programme/  
print("--- %s seconds ---" % (time.time() - start_time))
```

Test avec NOVE comme arrêt de départ et AGUI comme arrêt d'arrivé

Algorithme	Temps d'exécution	Retour d'exécution
Floyd Warshall	9.99 secondes	['NOVE', 'CANT', 'TREY', 'PLAT', 'PCAS', 'OCEAN', 'COTE', 'CAMA', 'MTRS', 'CITA', 'MAUB', 'GRBY2', 'ECHM', 'HDVBAY', 'BASQ-PDB', 'PAUL', 'STLE', 'LACH', 'MARO', 'VILL', 'BEYR', 'UNION', 'LEMB', 'BRNM', 'MANG', 'LOUT', 'MOUR', 'CHSN', 'AGUI', 11444.513027872961]
Bellman	1.036 secondes	
Dijkstra	1.374 secondes	
Dijkstra2 (avec queue de priorité)	0.956 secondes	
A* (avec queue de priorité)	0.013 secondes	

Complexité de l'algorithme de Floyd Warshall :

On a séparé l'algorithme de la fonction pour qu'il s'exécute qu'une seule fois. La création des matrices prédécesseurs, distances et l'application de l'algorithme de Floyd Warshall pour créer la matrice finale s'exécute dès le début du programme. Ensuite on a une fonction qui récupère depuis la matrice final le chemin le plus court entre deux arrêts.

La complexité moyenne de l'algorithme de Floyd Warshall est de $O(N^3)$

Il y a trois itérations imbriquées c'est-à-dire que la première boucle itère n fois la deuxième qui itère n fois la troisième boucle qui itère n fois.

Avec n pour nombre d'arrêts.

Complexité de Bellman :

Il y a au plus N itérations, chacune d'entre elles consistant à regarder les prédécesseurs de tous les sommets, c'est-à-dire exactement les M arcs. Avec une liste d'adjacence comme structure de données du graphe, on a une complexité de $O(N.M)$

Complexité de Dijkstra :

Lorsque la structure de données utilisé est une liste adjacente simple la complexité globale de l'algorithme est de $O(N^2)$

En utilisant une structure de données plus complexe comme la queue de priorité il est possible d'améliorer l'algorithme avec une complexité de $O(M.\log(N))$

Complexité de A^* :

Dans cette algorithme le pire cas, serait de visiter tous les nœuds N .

La complexité globale de l'algorithme est de $O(N)$ où N est le nombre de nœuds explorés.

Pour respecter cette complexité il faut que l'heuristique soit admissible.

Codes Complet :

```
def Belmann(arret_dep, arret_arriv):

    #Création d'un dictionnaire contenant pour clé le nom des arrêts, pour première valeur
    #la distance entre les arrêts en partant du premier arrêt
    #comme deuxième valeur le prédécesseur
    #On attribuera à la valeur de départ la distance 0
    dist_pred={arrets: [float('inf'), None] for arrets in noms_arrets}
    dist_pred[arret_dep][0] = 0

    #Fonction de relachement d'un arrêt
    def relachement(a, b):
        arret1=a
        arret2=b
        if dist_pred[arret2][0] > dist_pred[arret1][0] + distarc(arret1, arret2):
            dist_pred[arret2][0] = dist_pred[arret1][0] + distarrets(arret1, arret2)
            dist_pred[arret2][1] = arret1

    #Boucle allant de 0 à 464 (autant de tours de boucles que d'arrêts)
    for i in range(0, len(poids_bus)-1):
        #Boucle qui parcourt tous les arrêts possible
        for j in noms_arrets:
            #Boucle qui parcourt tous les voisins de l'arrêt traité
            for k in voisin(j):
                relachement(k, j)

    #Création de la matrice résultat
    liste_result=[arret_arriv]
    #Ajout du prédécesseur de l'arrêt d'arrivée
    pred_tmp = dist_pred[arret_arriv][1]
    liste_result.insert(0, pred_tmp)
    #Boucle qui va ajouter tous les arrêts du chemin entre l'arrêt de départ et l'arrêt d'arrivée
    while pred_tmp!=arret_dep:
        pred_tmp=dist_pred[pred_tmp][1]
        liste_result.insert(0, pred_tmp)
```

```

#Ajout de la distance à la liste résultat
liste_result.append(dist_pred[arret_arriv][0])
return liste_result

#print(Belmann('NOVE','AGUI'))

```

```

def extract_min(sommets,distance):
    min = sommets[0]
    #print(min)
    #print(indice_som(min))
    for i in range(len(sommets)):
        # print(dist[indice_som(min)])
        # print(L[i])
        # print(indice_som(L[i]))
        # print(indice_som(min))
        if distance[indice_som(sommets[i])] < distance[indice_som(min)]:
            min = sommets[i]
    return min

```

```

def dijkstra(depart,arrivee):
    n = len(poids_bus)
    pred=[None]*n
    dist=[float("inf")]*n
    a_traiter=noms_arrets.copy()
    som=indice_som(depart)
    dist[indice_som(depart)]=0
    while a_traiter != []:
        for i in voisin(nom(som)):
            if i in a_traiter:
                if dist[som] + poids_bus[som][indice_som(i)] < dist[indice_som(i)]:
                    if pred[som] != i: # evite les boucles
                        dist[indice_som(i)] = dist[som] + poids_bus[som][indice_som(i)]
                        pred[indice_som(i)]=nom(som)
        som = indice_som(extract_min(a_traiter, dist))

```



```

        a_traiter.remove(nom(som))
    liste = []
    liste.append(arrivee)
    a = arrivee
    while a != depart:
        liste.insert(0,pred[indice_som(a)])
        a = pred[indice_som(a)]
    return liste,dist[indice_som(arrivee)]

#print(dijkstra('NOVE','AGUI'))

def min_estim(traité,dist_estim):
    min = indice_som(traité[0])
    for i in range(len(traité)):
        if dist_estim[indice_som(traité[0])] < dist_estim[min]:
            min = indice_som(traité[0])
    return nom(min) #le nom du sommet de distance estimée minimale

def successeur(sommet):
    suc=[]
    n = len(mat_bus)
    for i in range(n):
        if mat_bus[indice_som(sommet)][i]==1:
            suc.append(nom(i))
    return(suc)

def getdistEstim(x,distance):
    return distance[indice_som(x)]

def Astar (depart,arrivee):
    n = len(poids_bus)
    pred=[None]*n
    pred[indice_som(depart)]=depart
    dist=[float("inf")]*n
    dist_estim=[float("inf")]*n
    som=indice_som(depart)
    som_visite = []#liste des sommets visités
    traité = []#liste des sommets qui sont traité pour trouver le nouveaux sommet de meilleur chemin
    dist[indice_som(depart)]=0
    som_visite.append(depart)

```

```

while nom(som) != arrivee: #tant que le sommets actuel n'est pas le sommet d'arrivée
    if voisin(nom(som)) != []:
        for i in voisin(nom(som)): #on estime les longueurs de chaque successeurs du sommets actuel
            if i not in som_visite:
                if i not in traité or dist[indice_som(i)] > dist[som] + poids_bus[som][indice_som(i)]: #si on ne l'a pas
encore traité ou si le nouveau chemin est meilleur
                    dist[indice_som(i)] = dist[som] + poids_bus[som][indice_som(i)]
                    dist_estim[indice_som(i)] = dist[indice_som(i)] + distarrets(i, arrivee)
                    traité.append(i)
                    pred[indice_som(i)] = nom(som)

                # on prend le nouveau meilleur sommet et on lui attribue pour predecesseur le sommet actuel
                traité = sorted(traité, key=lambda x: getdistEstim(x, dist_estim), reverse=True)
                som = indice_som(traité.pop())
                som_visite.append(nom(som))

            # cas d'une impasse
        else: # on elimine cette possibilité de chemin et on reviens au sommet precedent
            som_visite.append(nom(som))
            som = indice_som(pred[som])

#remplissage de la liste des predecesseurs du sommets arrivee
liste = []
liste.append(arrivee)
a = arrivee
while a != depart:
    liste.insert(0, pred[indice_som(a)])
    a = pred[indice_som(a)]
return(liste, dist[indice_som(arrivee)])

```

```

#print(Astar('NOVE', 'AGUI'))

```

```

def getdist(x, distance):
    return distance[indice_som(x)]

```

```

def dijkstra2(depart, arrivee):
    n = len(poids_bus)
    pred = [None] * n
    dist = [float("inf")] * n
    dist[indice_som(depart)] = 0
    a_traiter = noms_arrets.copy()
    som = indice_som(depart)

```

```

while a_traiter != []:
    for i in voisin(nom(som)):
        if i in a_traiter:
            if dist[som] + poids_bus[som][indice_som(i)] < dist[indice_som(i)]:
                if pred[som] != i: # evite les boucles
                    dist[indice_som(i)] = dist[som] + poids_bus[som][indice_som(i)]
                    pred[indice_som(i)] = nom(som)
            a_traiter = sorted(a_traiter, key=lambda x: getdist(x, dist), reverse=True)
            som = indice_som(a_traiter.pop()) # on enleve le sommet de meilleur chemin en haut de la queue de priorité
liste = []
liste.append(arrivee)
a = arrivee
while a != depart:
    liste.insert(0, pred[indice_som(a)])
    a = pred[indice_som(a)]
return liste, dist[indice_som(arrivee)]

```

```

#print(dijkstra2('NOVE', 'AGUI'))

```

```

#Matrice des prédécesseurs

```

```

mat_pred = []
for i in (noms_arrets):
    ligne = []
    for j in (noms_arrets):
        if j in voisin(i):
            ligne.append(indice_som(i))
        else:
            ligne.append(0)
    mat_pred.append(ligne)
#print(mat_pred)

```

```

#Matrice des distances

```

```

mat_dist = []
for i in (noms_arrets):
    ligne = []
    for j in (noms_arrets):
        if distarc(i, j) < 1:
            ligne.append(float("inf"))
        else:

```

```
        ligne.append(distarc(i,j))
    mat_dist.append(ligne)
# print(mat_dist)
```

#Application de l'algorithme de Floyd Warshall

```
for t in range (len(noms_arrets)):
    for u in range (len(noms_arrets)):
        for v in range (len(noms_arrets)):
            nouvellesDistances = mat_dist[u][t] + mat_dist[t][v]
            if nouvellesDistances < mat_dist[u][v]:
                mat_dist[u][v] = nouvellesDistances
                mat_pred[u][v] = mat_pred[t][v]
```

#FLOYD WARSHALL

```
def FloydWarshall(arret_dep, arret_arriv):
```

#Extraction du chemin le plus court

```
    source = indice_som(arret_dep)
    destination = indice_som(arret_arriv)
    pile_result = [arret_arriv]
    distance_final=0
    while nom(destination)!=arret_dep:
        x=mat_pred[source][destination]
        pile_result.append(nom(x))
        y=mat_dist[x][destination]
        distance_final=distance_final+y
        destination=x
```

#Création de la matrice résultat

```
    mat_result = []
    while pile_result!=[]:
        s=pile_result.pop(len(pile_result)-1)
        mat_result.append(s)
    mat_result.append(distance_final)
    return mat_result
```

```
# print(FloydWarshall('NOVE','AGUI'))
```