



Projet de fin d'étude informatique

Université Lille 1

Méthode de résolution pour le problème de planification des tâches multi-objectif

INRIA - Lille Nord Europe

Auteur: Emilie Allart Tuteurs: Sophie JACQUIN Laetitia JOURDAN

27 janvier 2016

Remerciements

Je remercie \dots

Contents

	Ren	ierciements	1	
	Intro	oduction	4	
1	Pos	ition du problème	5	
	1.1	JobShop	5	
	1.2		5	
2	Mét	thodes de résolution	7	
	2.1		7	
	$\frac{2.1}{2.2}$	NSGA II	9	
	2.3		9	
	۷.5	IDEA	Э	
3	Application au problème			
	3.1	Etat de l'art	10	
			10	
		•	12	
	3.2		12	
			12	
			13	
		0.2.2 Modelisation	LO	
4	Pro	tocole	L4	
	4.1	Jeu de données	14	
	4.2	Comparaison	14	
5	Rés	cultats et Discussion	15	
•		clusion		
			16	
	Ann		17	

Introduction

Dans le cadre de ma dernière année de master, j'ai effectué mon projet de fin d'étude à INRIA Lille Nord Europe dans l'équipe Dolphin, afin de mettre en place une nouvelle méthode de résolution pour le problème de planification des tâches multi-objectif, encadrée par Sophie Jacquin (INRIA) et Laetitia Jourdan (INRIA/CRIStAL). Je vais donc dans un premier temps, présenter INRIA et l'équipe Dolphin, puis Paradiseo et enfin le plan de mon rapport.

INRIA est un établissement public de recherche à caractère scientifique et technologique. Il a été créé en 1967 et a pour mission de produire une recherche d'excellence dans les champs informatiques et mathématiques des sciences du numérique et de garantir l'impact de cette recherche. Il couvre l'ensemble du spectre des recherches au coeur de ces domaines d'activités, et intervient sur les questions en lien avec le numérique, posées par les autres sciences et par les acteurs économiques et sociétaux. INRIA rassemble 1677 chercheurs de l'institut et 1772 universitaires ou chercheurs d'autres organismes, il compte plus de 4500 articles publiés en 2013 et est à l'origine de plus de 110 start-ups. L'institut est organisé en 8 centres :Bordeaux, Grenoble, Lille, Nancy, Rennes, Rocquencourt, Saclay et Sophia-Antipolis.

INRIA Lille - Nord Europe comporte 16 équipes de recherche et possède plusieurs partenariats tels que Lille1, Lille2, Lille3, Centrale Lille, le CNRS et le CWI. La stratégie du centre est de développer autour de la métropole lilloise un pôle d'excellence de rayonnement international (en priorité vers l'Europe du nord) et à fort impact local. Pour se faire, l'institut s'appuie sur des thématiques de recherche ambitieuses dans le domaine des sciences du numérique; l'intelligence des données et les systèmes logiciels adaptatifs, plus précisément :

- Internet des données et Internet des objets
- Couplage perception/action pour l'interaction homme-machine
- Modèle patient personnalisé dynamique
- Génie logiciel pour les systèmes éternels

L'équipe Dolphin (Discrete multi-objective Optimization for Large-scale Problems with Hybrid dIstributed techNiques) entretient plusieurs relations industrielles et internationales (EDF-GDF, bioinformatique, DHL, Univ. Montréal, ...) De nombreux secteurs de l'industrie sont concernés par des problèmes d'optimisation à grande échelle et complexes mettant en jeux des coûts financiers très importants et pour lesquels les décisions doivent être prises de façon optimales. Face à des applications qui nécessitent la résolution de problèmes de taille sans cesse croissante et ce dans des délais de plus en plus court, voire en temps réel, seule la mise en oeuvre conjointe des méthodes avancées issues de l'optimisation combinatoire en Recherche Opérationnelle, de la décision en IA

et de l'utilisation du Parallélisme et de la distribution permettrait d'aboutir à des solutions satisfaisantes.

L'équipe Dolphin a pour objectif la modélisation et la résolution parallèle de problèmes d'optimisation combinatoire (multi-objectifs) de grandes tailles. Des méthodes parallèles coopératives efficaces sont développées à partir de l'analyse de la structure du problème traité. Les problèmes ciblés appartiennent aussi bien à la classe des problèmes génériques (ordonnancement flow-shop, élaboration de tournées, etc...) que des problèmes industriels issue de la logistique, du transport, de l'énergie et de la bioinformatique.

Le problème de planification des tâches (Job Shop Scheduling Problem) consiste à planifier le traitement d'un certain nombre de tâches par les machines d'un l'atelier. L'objectif le plus couramment etudié est de trouver le planning qui permette d'achever l'ensemble des tâches au plus tôt. Néanmoins, avec une politique du juste à temps, il est nécessaire de considérer simultanément, comme second critère, le respect maximal de dates d'échéance afin d'éviter les retards de livraison et les coûts de stockage. L'équipe Dolphin développe de nouvelles méthodes d'optimisation combinatoire multi-objectif pour ce problème, en particulier des métaheuristiques. Pour tester la qualité des méthodes proposées, il nous faut nous comparer aux méthodes existantes.

Position du problème

1.1 JobShop

Enoncé du problème

La planification de tâche (ou job shop scheduling) est un problème NP-complet. Il s'agit d'organiser N tâches au mieux en respectant des contraintes d'avance α et de retard β ainsi qu'une disponibilité des ressources r.

Pour calculer le coût d'un ordonnancement, on somme sur chaque tâche le calcul de l'avance ou du retard. L'avance étant la différence entre la complitude de la tâche i, notée C_i , c'est à dire le temps à laquelle elle est achevée, et la due date, notée d_i , le temps à laquelle elle aurait dûe être finie, le tout pondérée par le facteur β spécifique à cette tâche. Et inversement pour l'avance avec un facteur de pondération α . Les facteur α et β sont spécifique à chaque tâche car il est plus ou moins important selon la tâche de la finir dans les temps impartis. Cependant, il faut prendre garde à respecter la disponibilité r, une tâche ne peut pas être effectuée avant son temps r.

Modélisation mathématiques

On en tire donc formule ci-dessous :

$$\sum_{i=0}^{N} \max(\beta_i(C_i - d_i), \alpha_i(d_i - C_i))$$
 (1.1)

1.2 Optimisation multi-objectif

L'optimisation multi-objectif permet de résoudre des problèmes d'optimisation présentant plus d'un objectif. La formule ci-dessous représente un problème de minimisation multi-objectif.

Minimize
$$F(x) = \{f_1(x), f_2(x), ... f_M(x)\}\ x \in \Omega$$
 (1.2)

 Ω est l'espace de solution, x est une solution, $f_i(x)$ est la i^iem fonction objective et M donne le nombre d'objectif. Dans la plupart des cas, ces objectifs sont conflictuels, ce qui signifie que l'optimisation d'un objectif entraine la détérioration d'autres. Ici, comme le représente la formule ci-dessous, nos objectif à minimiser sont le retard et l'avance, deux objectifs opposés.

$$objectif1: earliness = \sum_{i=0}^{N} \alpha_i \max((d_i - C_i), 0)$$
(1.3)

$$objectif2: tardiness = \sum_{i=0}^{N} \beta_i \max((C_i - d_i), 0)$$
(1.4)

Le principe d'optimalité Pareto pour l'optimisation mutli-objectif est basé sur la relation de dominance Pareto. En supposant que les fonctions objectives sont à minimiser, une somution est dites dominante par rapport à une solution y si $\forall i \in 1,...,M, f_i(x) \leq f_i(y)$ et $\exists i \in 1,...,Mf_i(x) < f_i(y)$. Une solution x^* est Pareto optimale si elle n'est pas dominée par aucune solution de l'espace de solution. L'ensemble des solutions Pareto optimale est appelé l'ensemble Pareto optimal, et l'ensemble des vecteurs objectifs correspondant représente le front Pareto. Le but de la résolution de problèmes d'optimisation multi-objectifs (MOPs) concernant la Pareto optimalité, est de trouver l'ensemble Pareto optimal.

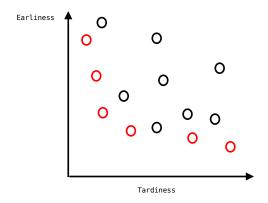


Figure 1.1: Front Pareto pour le problème de minimisation de retard et d'avance

 $\ensuremath{\mathsf{TODO}}$: détail de dominance Pareto + schéma cf
 Sophie's thesis

Méthodes de résolution

2.1 Principe générale

Algorithme évolutionnaire

Les algorithmes évolutionnaires sont inspirés du concept de sélection naturelle élaboré par Charles Darwin, d'ailleurs le vocabulaire employé découle de cette théorie.

- La fonction objectif F est appelé fonction de fitness
- Les points de l'espace de recherche Ω (pour notre cas se sont des ordonnancement) sont appelés des individus (ou chromosomes)
- $\bullet\,$ L'ensemble des individus est une population
- Un tour de boucle principale de l'algorithme correspond à une génération

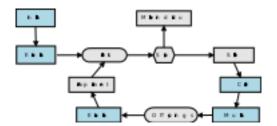


Figure 2.1: Schéma du déroulement de l'AE

L'espace de recherche est déterminé par le problème (la fonction objectif).

Initialisation

L'initialisation consiste à échantilloner le plus uniformément possible l'espace de recherche Ω . Pour le cas de ce projet, on génère aléatoirement des ordonnancements de job.

Avec l'aide d'opérateurs génétiques, de nouveaux individus sont créés à partir des individus sélectionnés au préalable. On distingue les opérateurs de croisement (ou crossover) et les opérateurs de mutation. Ces transformations

sont stochastiques, leur application nécessite des tirages aléatoires. Ainsi, tout opérateur doit respecter des conditions d'ergodicité (tous points de l'espace doit être ateignable).

Mutation

La mutation permet de parcourir l'ensemble de l'espace, de se diversifier. Elle est appliquée avec une probabilité P_m sur chaque individu et permet de modifier chacun aléatoirement. Les détails des opérateurs choisis pour ce projet sont détaillés dans le chapitre suivant.

Crossover

Ce croisement reflète la "transmission d'information génétique" des parents. Si deux chromosomes parents sont performants, on peut considérer le fait qu'un de leur enfant pourrait hériter des parties qui les rendent performants et être ainsi meilleurs encore. Le croisement est appliqué avec une certaine probabilité P_c , ainsi il est possible de conserver certain chromosome optimaux. On est dans le cadre d'une intensification (on garde les traits importants d'un individu). Il existe également une grande quantité d'opérateurs de crossover, ceux utilisés pour ce projet seront expliqués un peu plus loin.

Selection / Remplacement

L'intégration de l'idée darwinienne s'intègre sous la forme de deux étape dans l'algorithme : la sélection et le remplacement. Il existe deux type de procédures, la sélection déterministe lors de laquelle on sélectionne les meilleurs individus selon la fitness. Les individus moins performants sont totalement éliminés, seul les meilleurs restent, on parle d'élitisme. Et la sélection stochastique, le but est là aussi de sélectionner les meilleurs individus, mais de manière stochastique. Le meilleur n'est pas choisi à tous les coups.

- Le tirage de roulette consiste à donner à chaque individu une probabilité d'être sélectionné proportionnelle à sa performance.
- La selection par le rang consiste à faire une sélection en utilisant une roulette dont les portions sont proportionnelles au rang des individus.
- La selection par tournoi consiste à tirer T individus uniformément dans la population et à sélectionner le meilleur.

Les algorithmes évolutionnaires reposent donc sur 3 principes :

- Assignation d'une fitness: Le rôle de ce processus est de privilégier les solutions proches du front Pareto. Il doit permettre d'assurer la convergence de l'ensemble solution fourni par l'algorithme vers le front Pareto.
- Assignation d'une valeur de diversification : Cette stratégie a pour but d'éviter la convergence de la population vers un petit sous-ensemble de solutions du front Pareto et donc d'assurer la bonne diversité de l'ensemble solution.

• Élitisme : La notion d'élitisme a pour but de préserver et d'utiliser les solutions élites qui sont les solutions non dominées trouvées par l'algorithme.

TODO: Développer ces 3 points rapidement.

Plusieurs algorithmes évolutionnaires ont été proposés au cours du temps, on peut distinguer ceux utilisant directement le principe de dominance pour la procédure d'assignation de fitness et ceux utilisant des indicateurs de qualité.

2.2 NSGA II

Les algorithmes utilisant le principe de dominance sont ceux utilisant une procédure d'assignation de fitness basée sur la relation de dominance. Cette fitness permet de classer les individus en fonction de leur proximité avec le front Pareto mais elle ne garantit pas la construction d'une approximation du front ayant une bonne diversification. C'est pourquoi les individus se voient également assigner une mesure de diversification. Ainsi les individus sont classés en considérant dans un premier temps leur fitness puis leur mesure de diversification. Voici, par exemple, la description du NSGA II (Non-dominated Sorting Genetic Algorithm II)

- 1. Assignation de fitness : Profondeur de dominance.
- 2. Mesure de diversité: Plus proche voisin en utilisant la crowding distance.
- 3. Élitisme : Lors de l'étape de remplacement les individus parents et enfants sont classés selon leurs fitness, puis à fitness égale selon la valeur de leur apport en diversification, les meilleurs individus de ce classement sont ceux gardés pour constituer la génération suivante.

2.3 IBEA

Plus récemment des méthodologies basées sur l'utilisation d'un ou plusieurs indicateurs de qualité permettant d'évaluer l'apport d'une solution d'un point de vue convergence et/ou diversification ont été proposées. Ces méthodes n'utilisent pas forcément les deux processus d'assignation car l'indicateur de performance peut être choisi par rapport au critère que l'on souhaite évaluer (convergence et/ou diversification). Parmis ces algorithmes nous comptons l'IBEA (Indicator-Based Evolutionary Algorithm) définit comme suit :

- 1. Assignation de fitness : Soit un indicateur binaire I, la fonction fitness se calcule comme suit : où est un réel à fixer. Cette fonction mesure la perte en qualité si la solution x est retirée de la poulation P.
- 2. Mesure de diversité : Aucune.
- 3. Elitisme : Remplacement élitiste. Les individus ayant les meilleurs fitness parmis les parents et les enfants sont sélectionnés pour appartenir à la génération suivante.

Application au problème

3.1 Etat de l'art

3.1.1 Choix des opérateurs de mutation

Après avoir étudier la littérature, nous avons découvert l'article de S. Kedad-Sidhoum et F. Sourd qui représente les données de façon originale. Il repose sur le principe d'idle time, c'est-à-dire qu'il est possible d'avoir une pause entre deux tâches pour répondre au mieux aux objectifs. Ainsi, une solution n'est pas représentée comme une suite de tâches mais comme une succession de blocs. Un bloc correspond à un ensembles de tâches successives ne nécessitant pas de pause. Chaque bloc, un temps de démarrage s est donné avec une sous-séquence de tâches ordonnées et adjacentes après s. L'atout de cet algorithme est de permettre une recherche rapide du voisinage. Pour cela, il permet premièrement, de faire un ensemble de changement au sein d'un bloc. Et deuxièmement, il utilise un opérateur temporel, qui permet de bouger en avant ou en arrière un bloc.

Pour résumer la modélisation mathématique. Pour chaque tâche J_i , nous utiliserons la function de coût

$$f_i(t) = \max(\beta_i(t - d_i), \alpha_i(d_i - t))$$

, qui indique le coût de J_i selon son temps de complétion t. Par exemple, le coût de l'ordonancement π , noté $c(\pi)$, est égal à

$$sum_{i=0}^{n} f_i(C_i)$$

. Les tâches d'un ordonnancement π sont partitionnées dans des blocs qui sont des séquences maximales de tâches ordonnancées sans pause. Posons $b(\pi)$ le nombre de blocs. De ce fait, les blocs d'un ordonnancement donné sont notés $B_1, B_2, ..., B_b$. |B| correspond au nombre de jobs dans le bloc B et $J_i{}^B, ..., J_{|B|}{}^B$ identifie le job de B indéxé dans l'ordre de π . De même, nous utilisons les notations $f_i{}^B$, $p_i{}^B$ et $C_i{}^B$.

Swap

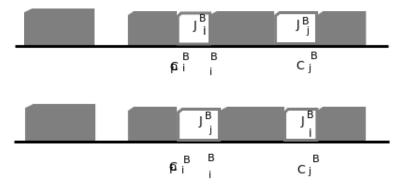


Figure 3.1: Swap de J_i^B et J_j^B

Avec un ordonnancement π , le voisinage de swap consiste à échanger la position de deux jobs J_i^B et J_j^B d'un même bloc. Sans entrer dans les détails, qui nécessiterait une longue démonstration, le voisinage complet de π est exploré en temps $O(n^2)$.

Extract-and-reinsert

Pour un ordonnancement π , le voisinage est obtenu en enlevant un job J de sa place dans π et en l'insérant devant ou derrière dans le même bloc. Les tâches du bloc sont décalées pour pouvoir insérer ce job à la position souhaitée. Pour un job $J_i{}^B$ d'un bloc B de π et une position $i \leq j \leq |B|$ telle que $i \neq j$, notons $[v_{ij}^B$ l'ordonnancement dérivé de π en décalant $J_i{}^B$ à une position derrière j dans B. Si on compare le voisinage de $v_{ij}{}^B$ et $v_{i,j-1}{}^B$ pour j < |B| et i < j, on peut

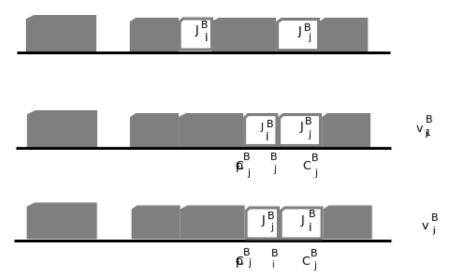


Figure 3.2: Extrait et reinsert J_i^B à la position j-1 et j

voir que la seule différence est la position de ${\cal J}_i{}^B$ et ${\cal J}_j{}^B.$ Donc, on a :

$$c(v_{ij}^B) - c(v_{i,j-1}^B) = f_i{}^B(C_j{}^B) + f_j{}^B(C_j{}^B - p_i{}^B) - f_i{}^B(C_j{}^B - p_j{}^B) - f_j{}^B(C_j{}^B)$$

Ce qui signifie que $c(v_{ij}^B)$ peut être dérivé de $c(v_{i,j-1}^B)$ en O(1). On a O(|B|) insertions possible pour tous les jobs de B, donc le voisinage associé à B peut être exploré en temps $O(|B|^2)$. C'est pourquoi, le voisinage de tout bloc est exploré en temps $O(n^2)$.

subblock shift

Si on considère un sous bloc B de π , sa fonction de coût locale est donnée par $\delta_B(t) = \sum_{i \in B} f_i(C_i + t)$ représente le coût de variation quand le bloc est décalé de t. La longueur du décalage est correspond à la taille maximum telle que la partie gauche ne change pas et l'ordonnancement reste faisable.

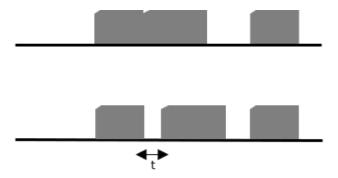


Figure 3.3: Décalage d'un sous-bloc de B

3.1.2 Choix des opérateurs de crossover

Après analyse de la littérature, nous avons relevé 3 opérateurs intéressant. Le 2-point qui est un classique mais reste le meilleur. L'utilisation de Masque et LOX. Au niveau performance, on sait que 2-point > LOX > Masque > PMX > CX. TODO à développer

2-point

Hybrid genetic algo with dominance prop

LOX

An adaptative GA for solving single ...

Masque

JIT single mach scheduling

3.2 Implémentation

3.2.1 Paradiseo

Toutes les méthodes présentées ont été implémentées à l'aide du logiciel Paradiseo. Paradiseo est un logiciel open-source qui fournit des framework permettant d'implémenter facilement des métaheuristiques. Expliquer le but + Schéma

3.2.2 Modélisation

Schéma de la structure des données

Protocole

4.1 Jeu de données

4.2 Comparaison

influence des différents opérateurs $\mathrm{mut}(0.1 \dots 1.0) \; \mathrm{cross}(0.1 \dots 1.0) \; \mathrm{Sur}$ différents jeu de données

Résultats et Discussion

graphe et analyse

Conclusion

Les compétences acquises

Grâce au travail effectué à INRIA, j'ai pu acquérir plusieurs compétences:

Les apports personnelles

Les apports à l'entreprise

Ajout de fonctionnalité à Paradiseo Comparatif d'algo

${\bf Glossaire}$

INRIA Institut National de Recherche en Informatique et en Automatique
CRIStal Centre de Recherche en Informatique, Signal et Automatique de Lille
CNRS Centre National de la Recherche Scientifique
CWI Centrum Wiskunde Informatica, organisme de recherche d'Amsterdam

Références

- Biblio TODO
- http://www.inria.fr/
- $\bullet \ \, \rm http://dolphin.lille.inria.fr/$
- http://vision.ucsd.edu/sagarwal/nsga2.pdf
- $\bullet \ http://www.tik.ee.ethz.ch/sop/publicationListFiles/zk2004a.pdf$
- $\bullet \ \, http://paradiseo.gforge.inria.fr/index.php$
- \bullet https://hal.inria.fr/inria-00376770/document
- A. Liefooghe, L. Jourdan, and E-G. Talbi. A software framework based on a conceptual unified model for evolutionary multiobjective optimization: Paradiseo-moeo. European Journal of Operational Research, 209(2):104–112, 2011.
- S.Jacquin. Hybridation des métaheuristiques et de la programmation dynamique pour les problèmes d'optimisation mono et multi-objectif : Application à la production d'énergie.