



V Congreso Colombiano de Biología Computacional y Bioinformática

Ibagué, Construyendo Innovación y Desarrollo
2019

6 - 8 de Noviembre



**Ibagué, Tolima
Universidad del Tolima
Altos de Santa Helena**

**Auditorio mayor de la Ciencia
"Héctor Villarraga Sarmiento"
Auditorio mayor de la Música
Auditorio de la Facultad de Ciencias**

CONTENIDO

Áreas

- Biología de Sistemas
- Diseño de Software y Herramientas Bioinformáticas
- Genómica Comparativa
- Genómica Humana
- Metagenómica
- Genómica y Enfermedades Infecciosas
- Proteómica
- Transcriptómica
- Química Computacional

PONENCIAS ACEPTADAS POR EL COMITÉ CIENTÍFICO POR ÁREAS

Metagenómica		
Código	Ponente	Ponencia
CBC01	Nickole Villabona. Universidad de los Andes	¿Varía la Microbiota Intestinal en Abejorros del Neotrópico (<i>Bombus</i> sp.) en distintas altitudes?
CBC02	Vanessa Otero-Jiménez. Universidad Nacional de Colombia	Exploración de la estructura y el potencial funcional de la comunidad microbiana en condiciones de campo posterior a la incorporación de residuos agrícolas de arroz mediante metagenómica
CBC03	Miguel Ángel Giraldo. Universidad del Valle	Análisis de la composición microbiana y diversidad del subsuelo marino del Caribe colombiano
CBC04	Ángela Sofía García. Universidad de los Andes	Grupos de alimentos como descriptores de la variación en la microbiota intestinal
CBC05	María Juliana Rodríguez. Universidad de los Andes	Dissecting cocoa beans fermentation through metagenomics analysis
CBC06	Jenny Johana Gallo-Franco. Universidad del Valle	Variación de las comunidades bacterianas de <i>Anastrepha obliqua</i> (Diptera:Tephritidae) de acuerdo a su estadio de vida y la planta hospedera
CBC07	Leda Restrepo. Escuela Superior Politécnica del Litoral (Ecuador)	Metagenómica en acuicultura: una herramienta potencial para evaluación de probióticos eficientes en el manejo de enfermedades.
CBC08	Santiago Castaño. Universidad del Valle	Estudio comparativo del microbioma asociado a glándulas de veneno de tres escorpiones de Colombia
CBC09	Katherine Bedoya Urrego. Universidad de Antioquia	Dinámica de la diversidad microbiana en biosólidos generados en la planta de tratamiento de aguas residuales San Fernando
CBC10	Camilo Quiroga. Universidad de los Andes	Variación de la microbiota intestinal de monos churuco (<i>Lagothrix lagothricha</i>) durante un proceso de reintroducción
CBC11	Nicolás Forero-Pineda. Universidad Pedagógica y Tecnológica de Colombia	Análisis del microbioma y viroma de <i>Aedes aegypti</i> revela la presencia de <i>Aedes anphevirus</i> (AeAV) y <i>Wolbachia</i> sp. en el área metropolitana de Medellín, Colombia
CBC12	Camacho-Montealegre, Celia Marcela. Universidade Federal de Viçosa, Viçosa (Minas Gerais – Brasil)	Diversity of bacterial communities during bioremediation of an oil field soil contaminated with crude oil and salinity

Genómica y Enfermedades Infecciosas		
Código	Ponente	Ponencia
CBC13	Laura Camelo. Universidad de los Andes	Phage-Host interaction prediction based on genomic composition signals
CBC14	Chica-Cárdenas Luis. Universidad de los Andes	Identificación de elementos extra-cromosomales pertenecientes al core viroma del intestino humano y perspectivas sobre sus dinámicas de modulación en el mismo
CBC15	Aura María Rodríguez. Universidad del Tolima	Análisis genómico comparativo de cepas de <i>Helicobacter pylori</i> : evidencia evolutiva de su patogenicidad
CBC16	Luz Stefany Botero R. Instituto Nacional de Salud	Detección <i>in-silico</i> de las regiones estructuradas conservadas de RNA del virus Zika y su potencial relación con algunos genes expresados en cerebro
CBC17	Mariana Vélez. Universidad de Antioquia	Pangenómica y resistoma en la definición de genes de resistencia de patógenos de bacterias MDR
CBC18	Luz Stefany Botero R. Universidad Nacional de Colombia	Un enfoque postmoderno en Bioinformática para recuperar e integrar <i>in silico</i> datos del virus Dengue
CBC19	María Carolina Sisco. Universidad Federal de Rio de Janeiro (Brasil)	Comparación genómica de micobacterias patógenas y no patógenas utilizando como modelo <i>Mycobacterium bovis</i> Bacilo Calmette-Guérin
CBC20	Ángela Peña-González. Georgia Institute of Technology (Atlanta, GA U.S.A)	Integrating Traditional Microbiology with Cutting-edge Metagenomics to Advance Pathogen Detection and To Elucidate Microbiome Signatures of <i>E. coli</i> Infection
CBC21	Margarett Cuello-Perez. Universidad del Norte	Análisis genómico de leptospirosis aisladas en Barranquilla, implicadas en salud humana
CBC22	Ary Rivillas Torres. Universidad Nacional de Colombia Sede Medellín	Detección y ensamblaje automático de genomas de virus en cultivos de papa (<i>Solanum tuberosum</i> y <i>S. phureja</i>) utilizando secuenciación de nueva generación (NGS)
CBC23	Marlen Carrillo. Universidad Cooperativa de Colombia	Análisis filogenético de cepas DENV-1 y DENV-2 circulantes en la frontera colombo-venezolana
CBC24	Juliana López Jiménez. Universidad de Antioquia	Análisis genómico de una especie epífita de <i>Pantoea</i> secuenciada a partir de tejido vegetal silvestre de una planta parásita colombiana
CBC25	Susana Giraldo Ramírez. Universidad Nacional de Colombia Sede Medellín	Detección molecular de un nepovirus infectando <i>Solanum phureja</i> en Antioquia
CBC26	Osorio-Mera David. Institución universitaria ITM	Diseño bioinformático de ARN guía para la edición génica de la polimerasa del VIH-1 mediada por CRISPR/Cas9

V Congreso Colombiano de Biología Computacional y Bioinformática

Ibagué, Construyendo Innovación y Desarrollo

2019

Biología de Sistemas		
Código	Ponente	Ponencia
CBC27	Héctor Ruiz-Moreno. Universidad de los Andes	Metabolic engineering strategies for enhanced outer membrane vesicle (OMV) production in <i>Escherichia coli</i>
CBC28	Albert Enrique Tafur Rangel. Universidad de los Andes	A computational method to increase glycerol consumption on <i>E. coli</i>
CBC29	Christopher Vaglio. Universidad de los Andes	Reconstrucción de redes metabólicas presentes en el proceso de fermentación del cacao para la producción de compuestos de interés comercial
CBC30	David Gómez-Ríos. Universidad de Antioquia	Modelado dinámico a escala genómica del metabolismo de <i>Streptomyces clavuligerus</i> : análisis de la respuesta metabólica al efecto de la captación de oxígeno en la biosíntesis de ácido clavulánico
CBC31	María Juliana Rodríguez Cubillos. Universidad de los Andes	Comparison between genome scale metabolic models of <i>Phytophthora infestans</i> and <i>Phytophthora betacei</i> : A key tool for understanding phytopathogens metabolic behaviors
CBC32	Jorge Alejandro Lopera-Rodríguez. Institución universitaria ITM	Análisis comparativo usando PLS-DA y máquinas de vectores de soporte en datos metabolómicos de exposición a organoclorados en cultivos celulares y en trabajadores agrícolas
CBC33	Adriana Gallego. Centro de Bioinformática y Biología Computacional de Colombia-BIOS	Red metabólica de la variedad colombiana de <i>Cannabis sativa</i> mango biche: un enfoque genómico y metabolómico
CBC34	Pablo Valderrama. Universidad de Antioquia	Biología de Sistemas en la construcción de redes proteómica del sistema inmune de los insectos: caso <i>Galleria mellonella</i>
CBC35	Luis G. González-Correa. Universidad de Antioquia	A first glance at the reconstruction of <i>Moniliophthora roreri</i> Genome-Scale Metabolic Network
CBC36	Lina Suarez Medina. Universidad de los Andes	Prediction of a shorter metabolic pathway to produce naringenin in <i>Escherichia coli</i> through <i>in silico</i> modeling
CBC37	Juan Camilo Arboleda Rivera. Universidad de Antioquia	Análisis de motivos de red en circuitos de regulación genética implicados en la formación de patrones en banda en un estadio de desarrollo embrionario
CBC38	Zaide Katherine Montes Ortiz. Universidad de los Andes	Predicción de receptores de dióxido de carbono en <i>Rhodnius prolixus</i> : una aproximación computacional
CBC39	Julián Camilo Martínez Guarnizo. Pontificia Universidad Javeriana	Modelamiento de la red metabólica de <i>Pseudomonas aeruginosa</i> para la síntesis biológica de Fenazina-1-Carboxilato
CBC40	Valeria Velásquez Zapata. Iowa State University (Ames, IA, USA)	Modeling effector-host interactions in the context of the barley protein interactome
CBC41	Juan José Rendón R. Inst. Tecnológico Metropolitano	A bioinformatics approach to understanding envenomation by Africanized honey bees

Genómica Humana		
Código	Ponente	Ponencia
CBC42	María Camila Hoyos-Sánchez. Universidad de los Andes	Whole exome sequencing supports variant identification in a group of patients with acute leukemia from Fundación Santa Fe de Bogotá
CBC43	Daniel Fernando Molina Campos. Andrea Catalina Rubio Vargas. Universidad del Tolima	Relación de la homocigosidad genómica global y el cáncer colorrectal, en poblaciones mestizas colombianas
CBC44	Willian Orlando Castillo. University of Sao Paulo (Sao Paulo, Brazil)	Modelling tertiary structure of lncRNA related to Alzheimer's disease
CBC45	Carlos Puentes. Universidad del Tolima	Análisis de frecuencia y ancestría entre cinco comunidades indígenas de Colombia
CBC46	Andrés Castillo. Universidad del Valle	Comparación de exomas de pacientes con cáncer gástrico que presentaron progresión y regresión de la enfermedad
CBC47	Daniel Fernando Molina Campos. Andrea Catalina Rubio Vargas. Universidad del Tolima	Mapeo fino en regiones cromosómicas de riesgo al cáncer colorrectal en poblaciones mestizas colombianas
CBC48	Lucía Guerrero García. Universidad Nacional de Colombia	Identificación de motivos de regulación del factor de transcripción RUNX2
CBC49	Susana Novoa-Herrán. Instituto Nacional de Salud	Familia miR-34: Análisis bioinformático de redes potencialmente impactadas en lesión de cardiomiocitos expuestos a vesículas derivadas de células de melanoma tratadas con Doxorubicina
CBC50	Elkin Navarro Quiroz. Universidad Simón Bolívar	microRNAs in patients with Crohn's disease and its interaction with mechanisms of epigenetic regulation
CBC51	Cristian Arbey Velarde. Universidad Pontificia Bolivariana	Caracterización de la variación en genes implicados en la vía farmacocinética y farmacodinamia del clopidogrel y falla a la terapia en una muestra de población antioqueña de pacientes con síndrome coronario agudo
CBC52	Alejandro Mejía García. Universidad de Antioquia	Frecuencia de mutaciones en los genes BRCA1, BRCA2, PALB2, P53, PTEN, CHEK2, CDH1 en mujeres con cáncer de mama de Medellín, Cali y Barranquilla
CBC53	Fernando Rafael De la cruz López. Universidad del Norte	SNPs asociados con el endofenotipo nefritis lúpica pediátrica a partir del análisis de los datos completos del exoma. Un estudio piloto en pacientes colombianos.

V Congreso Colombiano de Biología Computacional y Bioinformática

Ibagué, Construyendo Innovación y Desarrollo

2019

CBC54	Stephany Rosero. Universidad de Nariño	Exómica de cáncer gástrico en pacientes del departamento de Nariño, en la búsqueda de marcadores terapéuticos
-------	--	---

Diseño de Software y Herramientas Bioinformáticas

Código	Ponente	Ponencia
CBC55	Daniel Mahecha. Universidad de los Andes	An open variants discovery and interpretation pipeline for analysis of individual high throughput DNA sequencing data of human patients
CBC56	Guillermo Rangel. University of Copenhagen (Denmark)	Artificial Intelligence in Phage Discovery
CBC57	David Guevara. Universidad de los Andes	Efficient de-novo assembly of long reads using undirected graphs
CBC58	Grisales-Vargas Cristian. Universidad de Antioquia	Pipeline bioinformático que permite identificar genes candidatos asociados a patogénesis
CBC59	Andrea Parra Salazar. Universidad de los Andes	Robust and efficient software platform for de novo genomic diversity analysis
CBC60	María Fernanda Pardo Pachón. Universidad javeriana	Astrocyte Neuron Simulation Environment Platform (ANSEP): Simulación metabólica basada en datos ómicos de modelos de astrocito-neurona para el estudio de enfermedades neurodegenerativas
CBC61	Juan Sebastián Andrade-Martínez. Universidad de los Andes	Simulación y Detección de Variantes Precisa, Eficiente, y Amigable al Usuario en Experimentos de TILLING
CBC62	Miguel Eduardo Guevara Burbano. Universidad del Valle	Escalabilidad en flujos de trabajo para el llamado de variantes de exomas en computación de alto rendimiento (HPC)
CBC63	Cindy Ulloa. Universidad de los Andes	ArtGel: Artificial Intelligence Gel Analysis Tool
CBC64	Luis Garreta. Universidad del Valle	Algoritmo para Simplificar Trayectorias de Plegamiento de Proteínas
CBC65	Luis Matiz Cerón. Universidad de los Andes	Bayesian Classifiers for the evaluation of genetic markers in plants
CBC66	Andrés Orrego. Universidad Nacional de Colombia - Sede Medellín	Clasificación de Péptidos Usando Algoritmos de Aprendizaje Automático
CBC67	Valentina Cobo Paz. Universidad Nacional de Colombia	Cacería de Virus: Metodología de clasificación con máquinas de aprendizaje para secuencias virales
CBC68	Diego Hernando Ceballos López. Universidad Autónoma de Manizales	A machine learning-based pipeline for the classification of CTX-M in metagenomics samples
CBC69	Liliana López-Kleine. Universidad Nacional de Colombia	Construction of Gene Regulatory Network using RNA Sequencing data
CBC70	Luis Garreta. Corporación colombiana de investigación agropecuaria, AGROSAVIA	Flujo de trabajo bioinformático para estudios de asociación de genoma completo en plantas de papa tetraploide
CBC71	Carlos Andrés Delgado. Universidad del Valle	Análisis de multifractalidad y robustez de la red de interacciones proteína-proteína de la levadura.

Química Computacional

Código	Ponente	Ponencia
CBC72	Andrés Felipe Vásquez. Universidad de los Andes	Molecular dynamics and metadynamics study on back pocket-binders of CDK2 and VEGFR2 as potential small-molecule dual inhibitors
CBC73	Sergio Alejandro Poveda Cuevas. University of Sao Paulo	Evaluation of the electrostatic epitopes for flaviviruses NS1 proteins by a computational approach
CBC74	Jesús Morales García. Universidad de los Andes	Enzymatic Hydrolysis Modeling of Whey Proteins for Obtaining Antioxidant Peptide
CBC75	Valderrama-Maya Margarita. Universidad EAFIT	Modelación de bicapas lipídicas y análisis de sus propiedades físicas mediante Dinámica Molecular
CBC76	Lina Pedraza. Universidad del Quindío	Selección de 5 posibles candidatos a inhibir <i>Toxoplasma gondii</i> aplicando el método QSAR y acoplamiento molecular
CBC77	Willian Orlando Castillo Ordoñez. Universidad del Cauca	Exploración <i>in silico</i> de compuestos de origen natural con potencial anti-Alzheimer
CBC79	Jorge Armando Juárez Monroy. Instituto Politécnico Nacional (CDMX, México)	Dinámica molecular del trómero de hemaglutinina del virus de la influenza AH1N1
CBC80	Lina Johanna Materón Cañarte. Universidad del Valle	Caracterización química <i>in-silico</i> de interacciones proteína-proteína tipo dominio-motivo para el estudio de las actividades patógeno-hospedero en modelos virales
CBC81	Laura Mercedes Rendón Romero. Instituto Politécnico Nacional (CDMX, México)	Tasa de mutación evolutiva y predicción de sitios de unión farmacológica en Bcl-2
CBC82	Andrea Angarita-Rodríguez. Universidad Militar Nueva Granada	Indole-Containing Phytoalexin-Based Bioisosteres as an Alternative for the Control of Phytopathogens: Exploring the Interaction between Antifungal Phytoalexin Analogs and <i>Fusarium</i> Enzymes
CBC83	Paula Andrea Giraldo. Universidad Nacional de Colombia	Propuesta metodológica para la evaluación de la interacción de péptidos formadores poro y membranas biológicas, mediante dinámica molecular.

V Congreso Colombiano de Biología Computacional y Bioinformática

Ibagué, Construyendo Innovación y Desarrollo

2019

CBC84	Ingrid Catalina Marmolejo Giraldo. Universidad del Valle	Diseño <i>in silico</i> de un nanoporo a base de silicio
CBC85	Yudibeth Sixto-López. Instituto Politécnico Nacional (CDMX, México)	Análisis estructural de la familia de HDACs mediante simulación por dinámica molecular

Proteómica		
Código	Ponente	Ponencia
CBC86	Andrés Felipe Cuspoca Orduz. Universidad Pedagógica y Tecnológica de Colombia (UPTC)	Abordaje inmunoinformático y dinámica molecular de regiones conservadas de la Fimbria P de <i>Escherichia coli</i> uropatógena
CBC87	Elías Cataño-Sánchez. Universidad de Antioquia	Análisis estructural de la Proteína Precursora de Amiloide, sustrato de la enzima γ -secretasa y su relación con la Enfermedad de Alzheimer familiar
CBC88	Paola Rojas. Universidad de los Andes	Primer análisis del repertorio de efectores apoplásticos en <i>Phytophthora betacei</i>
CBC89	Alejandro Soto-Ospina. Universidad de Antioquia	Protein Moonlighting: Structural predictive model of presenilin-2 (PSEN-2) protein and analysis of structural effects of familial Alzheimer's disease mutations
CBC90	Laura Arias. Universidad Antonio Nariño	Inhibición potencial del Clorpirifós a la enzima peróxido dismutasa de la abeja <i>Apis mellifera</i>
CBC91	Juan Camilo Arenas García. Universidad del Quindío	Identificación <i>in silico</i> y evaluación <i>in vitro</i> de un péptido dirigido a interactuar con la proteína ROP5 de <i>Toxoplasma gondii</i> RH derivado de la proteína IRGb2-b1-CIM
CBC92	Leidy C Villalobos G. Universidad Nacional de Colombia	Estudio del metabolismo del NAD ⁺ en protozoos de vida libre y parásitos
CBC93	Harry Castillo Plata. Universidad del Valle	Análisis bioinformático de variantes moleculares de la proteína miocilina en pacientes con riesgo de glaucoma
CBC94	Yehidi J. Medina A. Camila A. Lota. Universidad Antonio Nariño	Caracterización estructural de los posibles receptores del péptido-88 asociado a alteraciones de la barrera hematoencefálica
CBC95	Jaime H García E. Universidad Nacional de Colombia	En búsqueda de la NAD quinasa de <i>Trypanosoma cruzi</i>
CBC96	Diego A. Castiblanco. Wendy N. Rueda. Universidad Antonio Nariño	Predicción de la interacción de la cefalexina con una posible Serina- β -lactamasa de <i>Bacillus cereus</i>
CBC97	Diana Paola Díaz. Universidad Nacional de Colombia	Acercamiento bioinformático a una enzima clave en el metabolismo del NAD ⁺ en <i>Leishmania</i> : Nicotinato fosforibosiltransferasa (NAPRT)
CBC98	Cristian Felipe Siabato Vargas. Universidad Antonio Nariño	Búsqueda de enzimas con actividad ligninolítica y hemi-celulolítica de especies de hongos con posible aplicación a la industria textil
CBC99	Juan Manuel Matiz González. Pontificia Universidad Javeriana	Caracterización molecular <i>in silico</i> de la familia de proteínas ALBA en <i>Trypanosoma cruzi</i>
CBC100	Gilles Pieffet. Universidad Antonio Nariño	Diseño de un péptido antimicrobiano para prevenir la invasión de <i>Mycobacterium leprae</i> en la célula hospedera
CBC101	Nelson E. Arenas. Universidad Antonio Nariño	Identificación de un posible motivo en proteínas de choque frío que causa pausa ribosomal en <i>Escherichia coli</i>
CBC102	Laura Alejandra Vargas R. Universidad Antonio Nariño	Análisis estructural y funcional de la proteína MlaE del complejo transportador MlaFEDB de <i>Escherichia coli</i>
CBC127	Nicolás Contreras Bolívar. Pontificia Universidad Javeriana	Determinación bioinformática de la estructura tridimensional de la proteína β -fructosidasa y la predicción de su actividad biológica

Genómica Comparativa		
Código	Ponente	Ponencia
CBC103	Juan Sebastián Andrade-Martínez. Universidad de los Andes	aDisecionando a los Caudovirales: Evaluación de su Clasificación Interna y Potencial Relación Evolutiva con Tectiviridae
CBC104	Simón Orozco-Arias. Universidad Autónoma de Manizales	Identification and Annotation of LTR-retrotransposons: A challenge to understand the plant genome structure and evolution
CBC105	Violeta Calvo-Salazar. Universidad Autónoma Chapingo (UACH) (Texcoco, Méx., México)	Genomic regions associated with fruit quality and yield in 96 elite tomato lines
CBC106	Manuela Alejandra Moreno Carmona. Universidad del Tolima	Análisis de las alteraciones del genoma mitocondrial de insectos y su impacto en la evolución
CBC107	Laura Marcela Arias-Agudelo. Universidad de Antioquia	Análisis genómico comparativo con diferentes especies y subgenotipos del apicomplexa <i>Cryptosporidium</i>
CBC108	Andrés Felipe Cuspoca Orduz. Universidad Pedagógica y Tecnológica de Colombia (UPTC)	Identificación de un clúster de genes relacionados con la producción de sideróforos en <i>Escherichia coli</i> St131

V Congreso Colombiano de Biología Computacional y Bioinformática

Ibagué, Construyendo Innovación y Desarrollo

2019

CBC109	López-Álvarez, Diana. Universidad Nacional de Colombia Sede Palmira	Evaluación del dispositivo MinION para la secuenciación del genoma de la bacteria <i>Pseudomonas protegens</i> aislada de nemátodos en Guadua
CBC110	María Paula Montaña Lozano. Universidad del Tolima	Estudio comparativo del genoma mitocondrial en anfibios y reptiles: relación entre las reorganizaciones genómicas y la selección
CBC111	Vivian Johanna Boyacá Vásquez. Universidad Nacional de Colombia	Patogénesis de rizobacterias entomopatógenas de <i>Tecia solanivora</i> (LEPIDÓPTERA: GELECHIIDAE) mediante un acercamiento genómico
CBC112	Ana M. Leiva. International Center for Tropical Agriculture (CIAT)	Primer reporte y secuencia completa del genoma del virus del mosaico de la yuca de Sri Lanka aislado en Tailandia usando tecnología Nanopore
CBC113	Adriana Gallego. Centro de Bioinformática y Biología Computacional de Colombia-BIOS	Reconstrucción metabólica a escala genómica de cuatro especies vegetales de uso tradicional en Colombia con potencial en bioprospección
CBC114	Odacir José Romero Marriaga. Pontificia Universidad Javeriana	Caracterización del genoma de <i>Streptomyces pratensis</i> MCR24 con potencial para la degradación de material lignocelulósico
CBC115	Karen Melissa Cardona Tobar. Universidad Nacional de Colombia Sede Palmira	Mapeo de genes candidatos asociados a caracteres de crecimiento en ovinos criollos de pelo
CBC116	Jesús Mauricio Ochoa Capera. Universidad del Tolima	Análisis evolutivo del genoma mitocondrial en peces: relación entre la variabilidad genética y procesos adaptativos
CBC117	Andrea Restrepo Escobar. Universidad Nacional de Colombia Sede Medellín	Caracterización genómica del Potato mop-top virus (PMTV) infectando uchuva (<i>Physalis peruviana</i>) en Antioquia
CBC118	Jhon Henry Trujillo. Centro de investigación de la Caña de Azúcar de Colombia (CENICAÑA)	Ensamblaje del genoma la variedad CC 01-1940, un híbrido de caña de azúcar de gran productividad en la industria Colombiana
CBC119	Natalia Sofía Medina Camacho. Universidad del Tolima	Estudio comparativo del genoma mitocondrial en aves y el impacto de la variabilidad genética en la adaptación

Transcriptómica

Código	Ponente	Ponencia
CBC120	Adriana M. Gallego. Universidad de Antioquia	Análisis transcriptómicos y metabolómicos de la regulación lumínica de metabolitos secundarios de cacao
CBC121	Eliana Torres-Bedoya. Centro de investigación de la Caña de Azúcar de Colombia (CENICAÑA)	Transcriptómica comparativa para la predicción de genes de caña de azúcar (<i>Saccharum</i> spp.) con potencial para conferir tolerancia al déficit hídrico
CBC122	Diana Álvarez. CINVESTAV (México)	Análisis transcriptómico de cultivos primarios de retinoblastoma revela un núcleo central de mRNA compartido por todas las muestras
CBC123	Daniel Bautista. Universidad de los Andes	Transcriptomic Characterization of the Tree Tomato Response to Late Blight Caused by <i>Phytophthora betacei</i>
CBC124	Sara Coromoto Suárez Acevedo. Universidad Francisco de Paula Santander	Análisis transcripcionales <i>in vivo</i> revelan los mecanismos de virulencia de <i>Xanthomonas citri</i> subsp. <i>citri</i> durante la etapa inicial de la canchrosis de los cítricos
CBC125	Marcela Orjuela-Rodríguez. Universidad de Caldas	Análisis de expresión diferencial de canales de potasio dependientes de voltaje tipo Shaker en cáncer de cervix
CBC126	Velásquez C. Luisa. Universidad Nacional de Colombia	Receptores de toxinas Cry presentes en el transcriptoma de <i>Premnotrypes vorax</i> Hustache (Coleoptera: Curculionidae)

Lunes 4 de Noviembre

9:00	17:00	Universidad del Tolima Aulas de sistemas, Bloque 31, tercer piso	Introducción a las Redes Biológicas Orientadores: Alberto Santos Delgado, Yesid Cuesta Novo Nordisk Foundation Center for Protein Research, Copenhagen (Denmark) Universidad de Antioquía
9:00	15:00	Universidad del Tolima Aulas de sistemas, Bloque 31, tercer piso	Secuenciación de próxima generación aplicada a estudios de diversidad Orientador: Jorge Duitama (Universidad de los Andes) Desarrollador NGSEP (Next Generation Sequencing Experience Platform)

Martes 5 de Noviembre

8:30	17:00	Universidad del Tolima Aulas de sistemas, Bloque 31, tercer piso	Computational analysis of short and long microbiome sequencing reads Orientador: Daniel Huson (University of Tuebingen, Germany) MEGAN developer (Toolbox for interactively analyzing microbiome data)
8:30	15:00	Universidad del Tolima Aulas de sistemas, Bloque 31, tercer piso	Introducción a las Redes Biológicas Orientadores: Alberto Santos Delgado, Yesid Cuesta Novo Nordisk Foundation Center for Protein Research, Copenhagen (Denmark) Universidad de Antioquía
12:30	19:00	Universidad del Tolima Aulas de sistemas, Bloque 31, tercer piso	Análisis de transcriptomas Orientador: Juan F. Alzate Restrepo (Universidad de Antioquía) Director Centro Nacional de Secuenciación Genómica
8:30	17:00	Universidad del Tolima Facultad de Ciencias	Segundo simposio nacional de estudiantes de bioinformática RSG-Colombia Orientador: Yesid Cuesta Auditorio Facultad de Ciencias

CURSOS PRECONGRESO

V Congreso Colombiano de Biología Computacional y Bioinformática

Ibagué, Construyendo Innovación y Desarrollo
2019

DÍA 1		Miércoles 6 de Noviembre
8:00	9:00	INSTALACIÓN GENERAL Pasillo Auditorio mayor de la Academia "Héctor Villarraga Sarmiento", Bloque 33, Universidad del Tolima Registro de participantes y entrega de escarapelas
9:00	10:00	INAUGURACIÓN Auditorio mayor de la Academia "Héctor Villarraga Sarmiento" ACTOS PROTOCOLARIOS Palabras de Bienvenida: Dr. Omar Mejía Patiño, Rector Universidad del Tolima Palabras Presidente Comité Organizador: Daniel A. Urrea M., Decano Facultad de Ciencias
10:00	10:45	CONFERENCIA PLENARIA INAUGURAL NACIONAL "Construcción de modelos genómicos de referencia en organismos complejos no modelo" Prof Juan Fernando Álzate Restrepo Centro Nacional de Secuenciación Genómica, Universidad de Antioquía. Preside: Daniel Urrea
10:50	11:35	CONFERENCIA PLENARIA INAUGURAL INTERNACIONAL "Long reads and whole genomes from microbiome samples" Prof Daniel Huson University of Tuebingen. Preside: Alejandro Reyes
12:00	14:00	Almuerzo
Ponencia orales libres por áreas		
		Auditorio mayor de la Academia Moderador: Daniel Urrea
		Auditorio mayor de la Música Moderador: Jorge Duitama
14:00	14:15	CBC01
14:20	14:35	CBC02
14:40	14:55	CBC03
15:00	15:15	CBC04
15:20	15:35	CBC05
15:40	15:55	CBC06
16:00	16:15	CBC07
Café y refrigerio		
16:30	16:45	CBC08
16:50	17:05	CBC09
17:10	17:25	CBC10
17:30	17:45	CBC11
17:50	18:05	CBC12
18:10	18:25	CBC13
18:30	19:30	Cóctel de Bienvenida Pasillo Auditorio mayor de la Academia "Héctor Villarraga Sarmiento"

V Congreso Colombiano de Biología Computacional y Bioinformática

Ibagué, Construyendo Innovación y Desarrollo

2019

DÍA 2		Jueves 7 de Noviembre		
		Auditorio mayor de la Academia	Auditorio mayor de la Música	
8:00	8:40	CONFERENCIA PLENARIA “Predicción de segundos usos para el tratamiento de la leishmaniasis, validación in vitro y simulaciones farmacocinéticas” Prof Carlos Muskus PECET, Universidad de Antioquía Preside: Daniel Urrea	CONFERENCIA PLENARIA “Construcción de software para genómica comparativa y de poblaciones aplicado al desarrollo de recursos genéticos en frijol lima” Prof Jorge Duitama TICSw, Universidad de los Andes Preside: Alejandro reyes	
Ponencia orales libres por áreas				
		Auditorio mayor de la Academia Moderador: Carlos Muskus	Auditorio mayor de la Música Moderador: Daniel Urrea	Auditorio Facultad de Ciencias Moderador: Olimpo García
8:45	9:00	CBC27	CBC42	CBC72
9:00	9:15	CBC28	CBC43	CBC73
9:20	9:35	CBC29	CBC44	CBC74
9:40	9:55	CBC30	CBC45	CBC75
10:00	10:15	CBC31	CBC46	CBC76
10:15	10:30	Café y refrigerio		
10:30	10:45	CBC32	CBC47	CBC77
10:50	11:05	CBC33	CBC48	CBC79
11:10	11:25	CBC34	CBC49	CBC80
11:30	11:45	CBC35	CBC50	CBC81
11:50	12:05	CBC36	CBC51	CBC82
12:10	12:25	CBC37	CBC52	
12:30	14:00	Almuerzo		
		Auditorio mayor de la Academia	Auditorio mayor de la Música	
14:00	14:40	CONFERENCIA PLENARIA “Del Cacao al Rio Bogotá, lo que los Microbiomas nos dicen sobre la biodiversidad Colombiana” Prof Alejandro Reyes Director BCEM, Universidad de los Andes Preside: Carlos Muskus	CONFERENCIA PLENARIA “Host-parasite interaction and autoimmunity: weaving biological networks” Prof Yesid Cuesta RSG Colombia, Universidad de Antioquía, Universidad CES Preside: Jorge Duitama	
Presentaciones orales libres por áreas				
		Auditorio mayor de la Academia “Héctor Villarraga Sarmiento” Moderador: Alejandro Reyes	Auditorio mayor de la Música Moderador: Yesid Cuesta	Auditorio Facultad de Ciencias Moderador: Carlos Prada
15:00	15:15	CBC38	CBC53	CBC83
15:20	15:35	CBC39	CBC54	CBC84
15:40	15:55	CBC40	CBC86	CBC85
16:00	16:15	CBC41	CBC87	CBC98
16:15	16:30	Café y refrigerio		
16:30	16:45	CBC88	CBC93	CBC99
16:50	17:05	CBC89	CBC94	CBC100
17:10	17:25	CBC90	CBC95	CBC101
17:30	17:45	CBC91	CBC96	CBC102
17:50	18:05	CBC92	CBC97	CBC127
18:15	19:15	Reunión Sociedad Colombiana de Bioinformática y Biología Computacional (SC2B2) Auditorio Facultad de Ciencias		

V Congreso Colombiano de Biología Computacional y Bioinformática

Ibagué, Construyendo Innovación y Desarrollo

2019

DÍA 3		Viernes 8 de Noviembre			
Ponencia orales libres por áreas					
		Auditorio mayor de la Academia Moderador: Jorge Duitama	Auditorio mayor de la Música Moderador: Daniel Urrea	Auditorio Facultad de Ciencias Moderador: Carlos Prada	
8:00	8:15	CBC55	CBC69		CBC103
8:20	8:35	CBC56	CBC70		CBC104
8:40	8:55	CBC57	CBC71		CBC105
9:00	9:15	CBC58	CBC117		CBC106
9:20	9:35	CBC59	CBC118		CBC107
9:40	9:55	CBC60	CBC119		CBC108
10:00	10:15	CBC61	CBC120		CBC109
10:15	10:30	Café y refrigerio			
10:35	10:50	CBC62	CBC121	CBC110	
10:55	11:10	CBC63	CBC122	CBC111	
11:15	11:30	CBC64	CBC123	CBC112	
11:35	11:50	CBC65	CBC124	CBC113	
11:55	12:10	CBC66	CBC125	CBC114	
12:15	12:30	CBC67	CBC126	CBC115	
12:35	12:50	CBC68		CBC116	
12:50	14:30	Almuerzo			
		Auditorio mayor de la Academia “Héctor Villarraga Sarmiento”			
14:30	15:00	Biología computacional y la academia “Oportunidades de formación en Colombia”			
15:00	15:40	CONFERENCIAS PLENARIAS NACIONALES “Estrategias de la química computacional para predecir teóricamente modos de acción de potenciales moléculas antioxidantes” Prof Edison Osorio Universidad de Ibagué Preside: Olimpo García			
15:40	16:30	“Aprendizaje Multi-vista para integración en multi-ómicas” Prof Luis Fernando Niño Universidad Nacional de Colombia, Sede Bogotá Preside: Yesid Cuesta			
16:30	16:45	Café			
17:45	17:25	CONFERENCIA PLENARIA INTERNACIONAL DE CLAUSURA “Towards Clinical Interpretation of Proteomics Data Using Connective Knowledge” Alberto Santos Delgado Novo Nordisk Foundation Center for Protein Research, Copenhagen (Denmark) Preside: Yesid Cuesta			
17:30	18:00	ACTO DE CLAUSURA Palabras del Director de la Oficina de Investigaciones y Desarrollo Científico Prof Jonh Jairo Méndez Universidad del Tolima Presentación grupo de danzas de la Universidad del Tolima			
Marcha final					