

Desarrollo de un modelo de Regresión para predecir el número de casos confirmados de personas con COVID-19

Autor: Bryam David Vega Moreno Maestro: Diego Quisi Materia: Simulación Universidad: Universidad Politécnica Salesiana Carrera: Ciencias de la computación

Actualmente, el covid se ha vuelto uno de los virus más trascendentales a nivel mundial, perjudicando económicamente a los paises, ademas de ello afecto en gran medida a los sistemas de salud que no estaban preparados para un virus como este. En nuestro específico, en Ecuador se ha desatado una creciente ola de contagios desde que inicio el virus, en donde hospitales estan al máximo de su capacidad y la mayoria de ellos no pueden atender a más

Introducción

personas. En este ocasión proponemos un modelo de regresión que nos permite predecir el número de personas que existiran en un determiado día, con la finalidad de poder tener un número cercano para estar preparados para lo que pueda pasar.

Librerias para la lectura y el análisis de datos

Desarrollo del modelo de regresión

import numpy as np

Librerias a importar

Librerías para realizar procesos de transformación y división de datos

In [3]: from sklearn.model_selection import train_test_split

In [2]: import pandas as pd

Librerias para realizar el proceso de regresión

In [4]: **from sklearn.linear_model import** LinearRegression from sklearn.pipeline import Pipeline from sklearn.preprocessing import PolynomialFeatures

Librerias para realizar las gráficas In [5]: import altair as alt

import matplotlib.pyplot as plt

Dataset

Para este análisis hemos preparado un dataset denominado covid.csv el cual es un dataset que tuvo un proceso de transformación mediante otros csv y se concentro la información para tener los datos de nuestro país que en este caso es Ecuador. El dataset contiene la siguiente información:

• date: Fecha en la que se obtiene los datos • death: Número de personas fallecidas por el virus • confirmed: Número de personas con el virus

• recovered: Número de personas recuperadas con el virus • day: Número del dīa de la pandemia a partir del 1/01/2020

In [8]: | df = pd.read_csv('./in/covid.csv') df.sample(5) Out[8]:

date confirmed deaths recovered day **393** 2021-03-29 325124 16746 281684 453 **314** 2021-01-09 220349 14177 190350 374 166302 **242** 2020-10-29 12622 141759 302

205920

56432

13948

4527

177951 353

27594 181

int64

int64

int64

174188 342

199332 382

In [9]: | df.info() <class 'pandas.core.frame.DataFrame'> RangeIndex: 409 entries, 0 to 408 Data columns (total 5 columns):

Column

In [17]: | df_copy = df.copy(deep=True)

282 2020-12-08 **322** 2021-01-17

In [19]: | df_copy.info()

293 2020-12-19

121 2020-06-30

Non-Null Count Dtype ----date 0 409 non-null object confirmed 409 non-null deaths 409 non-null 3 recovered 409 non-null 4 day

int64 409 non-null dtypes: int64(4), object(1) memory usage: 16.1+ KB Convertir datos para realizar un análisis exploratorio Un paso muy importante para realizar los modelos es realizar un análisis con el fin de ver como se esta comportando la data, en esta ocasión procedemos a hacer un proceso de transformación rápido para poder trabajar con el tipo de datos correctos

df_copy = df_copy.convert_dtypes()

In [18]: df_copy.sample(5) Out[18]: date confirmed deaths recovered day

231482

<class 'pandas.core.frame.DataFrame'> RangeIndex: 409 entries, 0 to 408 Data columns (total 5 columns):

df_copy['date'] = pd.to_datetime(df_copy['date'])

14319

299 2020-12-25 208828 13984 181618 359 **53** 2020-04-23 1328 113 11183 **311** 2021-01-06 217377 14146 190350 371

Column Non-Null Count Dtype ---------0 date 409 non-null datetime64[ns] confirmed 409 non-null Int64 409 non-null deaths Int64 recovered 409 non-null Int64 day 409 non-null Int64 dtypes: Int64(4), datetime64[ns](1)

memory usage: 17.7 KB

Análisis exploratorio

In [29]: | df_time = df_copy.set_index(['date'])

16469

321161

1029314 76863

1429745 118831

2217004 160481

4714534 379203

7472445 428747

9480656 505563

4416015 222210

df_time.drop('day',axis=1,inplace=True)

confirmed deaths recovered

423

12586

Como se comportan los datos en corte de cada mes

84

23439

210913

702114

978383

2521381

3008490

4009025

6333926

8151264

In [35]: df_time=df_time.resample('M').sum()

Ya con estos datos transformados, procedemos a realizar un análisis exploratorio para ver como se estan comportando nuestros datos

2020-08-31 3121790 189640 2020-09-30 3678159 304684

date

2020-03-31 2020-04-30

2020-05-31

2020-06-30

2020-07-31

2020-10-31

2021-02-28

2021-03-31

2021-04-30

2020-04-30

2020-05-31

2020-06-30

2020-07-31

2020-08-31

2020-09-30

2020-10-31

2020-11-30

2020-12-31

2021-01-31

2021-02-28

2021-03-31

2021-04-30

In [121]: df_diff

Out[121]:

Freq: M, dtype: Int64

confirmed

16469

304692

708153

400431

696796

894754

819399

346962

2008211

-5064641 -283353

date

2020-03-31 2020-04-30

2020-05-31

2020-06-30

2020-11-30

2020-12-31

2021-01-31

2021-02-28

2021-03-31

2021-04-30

In [40]: | df_time

Out[40]:

2020-11-30 5411330 390757 4740172 2020-12-31 6306084 430061 5504187 7125483 445664 6083704 2021-01-31

Personas que estan en tratamiento In [51]: | df_treatment = df_time['confirmed']-df_time['deaths']-df_time['recovered'] In [52]: df_treatment Out[52]: date 2020-03-31 15962

285136

741538

608800

1078140

410769

364985

326306

280401

371836

596115

709772

823829

437323

Número de contagios, muetras, recuperaciones se da entre meses In [46]: df_diff = df_time.diff() In [49]: | df_diff=df_diff.fillna(df_time.head(1).to_dict())

2020-07-31 787259 41650 276269 2020-08-31 904786 29159 1542998 2020-09-30 115044 487109 556369 2020-10-31 1036375 74519 1000535

731147

764015

579517

250222

1817338

-4394782

84

23355

187474

491201

deaths recovered

423

12163

64277

41968

11554

39304

15603

-16917

76816

Promedio de contiagios, muertes, recuperados In [58]: df_diff.mean() Out[58]: confirmed 315429.642857 15872.142857 deaths recovered 268320.142857 dtype: float64 **Gráficas** En esta gráfica estamos mostrante el comportamiento de los datos a lo largo del tiempo, como podemos apreciar, el número de confirmados recuperados tiene una tendencia paralela, es decir, a medida que se van confirmando casos, podriamos decir que una gran mayoria de ellas se recupera, mientras que el resto pueda estar en tratamiento o fallecido

y='value',

).interactive()

10,000,000

9,000,000

8,000,000

7,000,000

6,000,000

5,000,000

4,000,000

Out[123]:

color='variable'

3,000,000 2,000,000 1,000,000

sentido

2.5

2.0

1.0

0.5

0.92

Creación del modelo

Selección de feautres y target

contagios en un día a futuro

In [129]: features = df.iloc[:,4:5].values

target = df.iloc[:,1:2].values

Creación de un modelo de regesión

Linear Score : 0.9857429540365887

In [134]: model_linear = LinearRegression()

x='day', y='value',

350,000

300,000

250,000

200,000

-50,000

300,000

250,000

200,000

릝 150,000

100,000

50,000

-50,000

Conclusiones

mejorar las skills del lenguaje.

150

200

In [145]: model_poly = Pipeline([('poly', PolynomialFeatures(degree=4)),

200

250

day

300

250

300

350

400

polinomial a nuestro modelo de regresión podria ayudar a mejorar nuestro modelo. Por lo que procedemos a realizarlo

100

Out[144]:

color='variable'

0.93

0.94

dtype=object)

In [102]: | df_time['treatment'] = df_time['confirmed']-df_time['deaths']-df_time['recovered'] df_time[['deaths', 'recovered', 'treatment']].T.iloc[:,:5].plot(figsize = (50,10), kind='pie', subplots=True) Out[102]: array([<matplotlib.axes._subplots.AxesSubplot object at 0x7ffd15fc3cd0>, <matplotlib.axes._subplots.AxesSubplot object at 0x7ffd609f0550>, <matplotlib.axes._subplots.AxesSubplot object at 0x7ffd609cb880>,

> <matplotlib.axes._subplots.AxesSubplot object at 0x7ffd5fef7220>, <matplotlib.axes._subplots.AxesSubplot object at 0x7ffd60d90f40>],

August

October

December

February

In [123]: alt.Chart(df_time.drop('rate',axis=1).reset_index().melt('date')).mark_line().encode(

variable confirmed

deaths recovered

treatment

En esta gráfica mostramos el porcentaeje de personas recuperadas, fallecidas y en tratamiento, como podemos darnos cuente en la gráfica, podemos darnos

cuenta que el número de personas con tratamiento va disminuyendo a medida que se va aumentando el número de personas recuperadas lo cual tiene

Un análisis muy bueno seria ver la velocidad con la que el virus se propaga a lo largo del tiempo, esto es importante para ver cual es su frecuencia de

velocidad de propagación con el fin de entender como se esta compartando el virus en nuestro país. Como podemos ver en el histograma que presentamos a continuación la velocidad de propagación del virus es alta a medida que avanza el tiempo, lo interesante es darnos cuenta que es un virus muy contagioso

por lo que su velocidad de propagación no ha bajado de los 0.90 In [111]: df_time['rate'] = 1 - df_time['deaths']/df_time['confirmed'] df_time['rate'].plot(kind='hist',figsize=(10,7),bins=10,color='orange',alpha=0.5,title='Rate Virus',grid=True) Out[111]: <matplotlib.axes._subplots.AxesSubplot at 0x7ffd17f51d00> Rate Virus

Una vez analizado los datos, procedemos a realizar la creación del modelo con el fin de poder escoger el mejor modelo para este tipo datos

0.96

Con el análisis de datos realizado, podemos darnos cuenta que nuestros datos tienen una tendencia a la alza, de manera lineal, por lo tanto un modelo de regresion seria ideal para poder estos datos. Lo primero que procedemos a hacer es obtener nuestro features y targets para poder hacer una división de

En este caso escogimos como features la columna days debido a que dicha columna juega el rol más improtante como hemos visto a lo largo del análisis, si bien en el análisis tratamos la columna date, no podemos utilizarla debido a ser un tipo de dato fecha, por lo que el día equivale a la fecha lo cual lo hace el feature más importate. Por otro lado escogimos la columna confirmed como nuestro target debido a que eso es lo que deseamos predecir, el número de

0.97

0.95

datos en entrenamiento y test para poder entrenar a nuestro modelo y despues testearlo con los datos de test.

Con estos datos dividos procedemos a realizar los modelos de regresión, a continuación procedemos a realizarlos.

División de train y test Una vez que ya tenemos nuestro conjunto de datos de entrada y salida, procedemos a dividir dichos datos en train y test a fin de realizar entreamiento con los datos de train y las pruebas con los datos de test, para ello hacemos uso de la libreria train_test_split. A continuación mostramos el código para realiarlo In [131]: X_train, X_test, y_train, y_test = train_test_split(features, target, test_size=0.2)

model_linear = model_linear.fit(X_train,y_train)

In [136]: print("Linear Score : ", model_linear.score(X_test, y_test))

alt.Chart(data_linear.melt('day')).mark_line().encode(

).properties(title='test vs predictions').interactive()

test vs predictions

Como podemos apreciar nuestro modelo lineal tiene una score de 0.98 lo cual es alto. Pero, seria mejor ver una gráfica de la misma con el fin de ver si nuestro modelo no tiene problema de overfitting In [144]: | data_linear=pd.DataFrame({'day':X_test.reshape(-1),'y':y_test.reshape(-1),'y_pred':model_linear.predict(X_test).resh

variable

y_pred

Como habiamos dicho, nuestros datos tienen una tendencia creciente y lineal, por lo que un modelo de regresión lineal es adecuado para este problema,

para ello utilizamos el modelo LinearRegression para proceder a hacer nuestro entrenamiento y después las pruebas de nuestro modelo

글 150,000-100,000 50,000

450

('linear', LinearRegression(fit_intercept=True))])

Como podemos apreciar, nuestro modelo no sufre de overfitting,aunque tenemos la linea la cual se ajusta a los datos correctamente, podemos notar algo interesante, si bien dijimos que tiene una tendencia creciente, podemos notar que nuestro datos tienen una forma polinomial, por lo que agregar un grado

model_poly = model_poly.fit(X_train,y_train) In [147]: print("Poly Score : ", model_poly.score(X_test, y_test)) Poly Score : 0.9990288410813205 Como podemos notar, nuestro modelo polinomial tiene un mejor score y esto es gracias al comportamiento de nuestros datos, procedemos a graficarlo para ver si no existe un problema de overfitting y mejoramos la curva In [148]: data_poly=pd.DataFrame({'day':X_test.reshape(-1),'y':y_test.reshape(-1),'y_pred':model_poly.predict(X_test).reshape(alt.Chart(data_poly.melt('day')).mark_line().encode(x='day', y='value', color='variable').properties(title='test vs predictions').interactive() Out[148]: test vs predictions 350,000 variable y_pred

A lo largo de este informe hemos podido notar que realizar un análisis es un proceso importante para poder darnos cuenta como se estan comportando nuestro conjunto de datos, de la misma manera revisamos dos tipos de regresiones con el fin de ver cual es modelo que mejor se ajusta a nuestros datos y nos dimos cuenta que el modelo polinomial resulto ser el mejor modelo para este caso, ojo digo para este caso ya que no siempre sera el mejor, eso dependera de como se comportan los datos y del tratamiento que le demos a los mismos. Ademas de este informe, el cual presenta un análisis de todo lo realizado, se decidio tratar de automatizar dicho modelo, con la finaliadd de utilizarlo en producción cuando sea necesario, para ello creamos un entorno virtual con todas las librerias que se necesitan. Dicho programa automatiza el proceso de carga, transformación de datos, obtención de features, target, obtención del mejor modelo, ademas de ello exporta el modelo para poder ser utiliado en cualquier sitio web. A continuación dejo el comando que se requeire para poder ejecutar dicho programa: python main.py in/covid.csv

afecta en gran forma el ajuste a los datos, en este caso podemos decir que nuestro mejor modelo sera el modelo polinomial

Podemos apreciar que realmente no existe problemas de overfitting y que nuestro modelo se ajusta a los datos, es interesante ver como el grado polinomial

Con ello ya no solamente pensamos en utilizar el modelo en cuadernos jupyter sino también utilizamos python de una manera más profesional con el fin de