## Expected TS that interact with HK (threshold: 10 %)

STRING	92.2 %	61.9 %	80.4 %	78.3 %	88.3 %
IMEx	87.1 %	38.2 %	56.9 %	61.6 %	81.2 %
HI-2012	73.3 %	18.1 %	28.7 %	47.3 %	66.6 %
Havugimana	89.8 %	52.6 %	59 %	68 %	90.1 %
Bossi	86.8 %	41.4 %	59.2 %	64.7 %	82.2 %
	Body Map	Gene Atlas	HPA	HPA AII	RNAseq Atlas

