

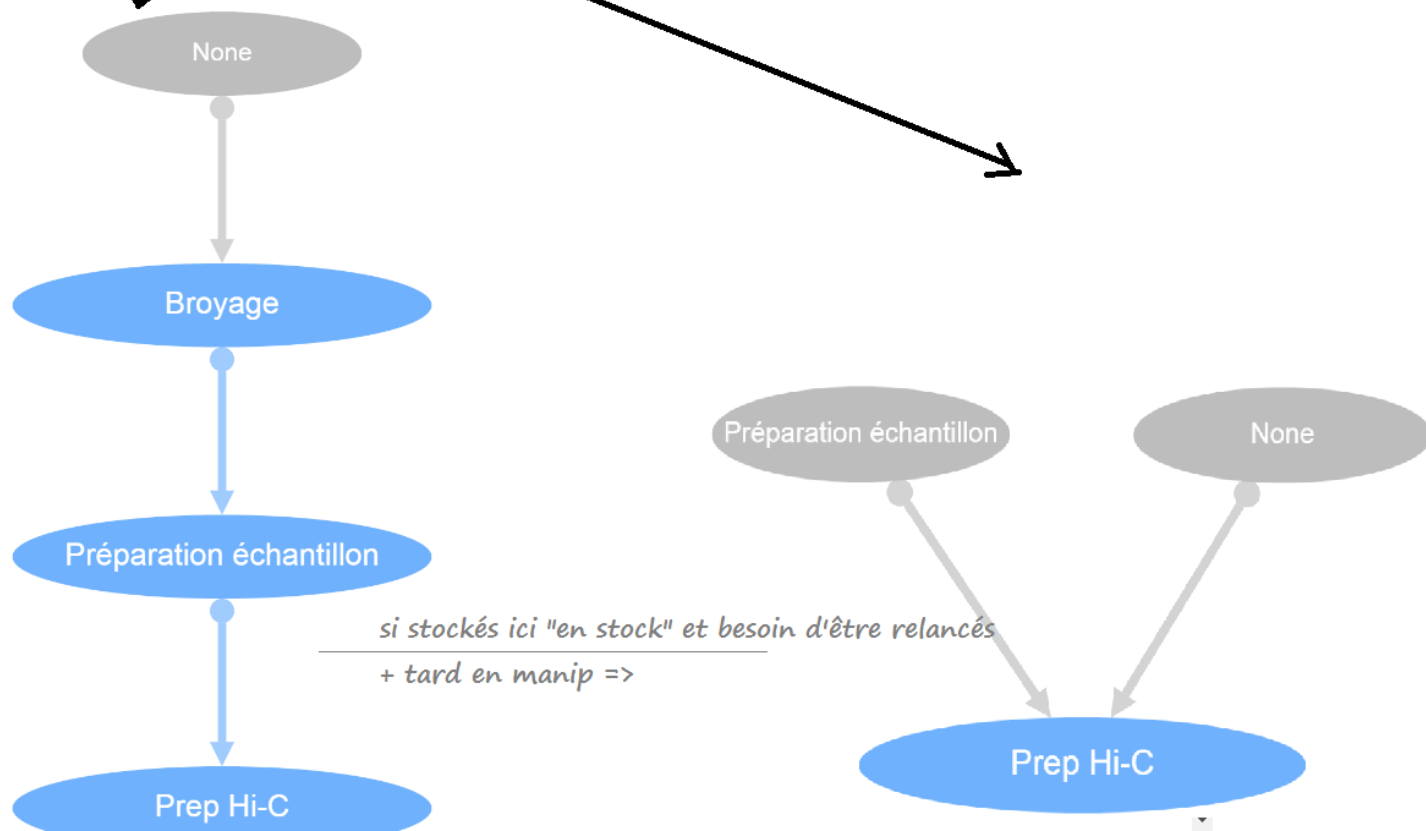
Filtres Filtres supplémentaires Colonnes supplémentaires

Préparation échantillon (Cryo)broyage, Prep Echantillon, Prep Hi-C  
Prep. Hi-C à partir aliquot prep. ech.

Projets Echantillons Catégorie support Container depuis le (jj/mm/aaaa) Container jusqu'au (jj/mm/aaaa)  
Container valide ? Regex pour code support Regex pour code container Issu du type d'exp. Container créé par

Taille (10) 0 Résultat(s)

Support container	Catégorie support	Ligne	Colonne	Code Container	Issu du type d'expérience	Projet(s)	Nb d'échantillons	Echantillon(s)	Nb de contenus	Tag	Concentration Container	Unité Concentration	Etat container	Résolutions	Container valide ?	Création container	Container créé par	Stockage	Type Processus
-------------------	-------------------	-------	---------	----------------	---------------------------	-----------	-------------------	----------------	----------------	-----	-------------------------	---------------------	----------------	-------------	--------------------	--------------------	--------------------	----------	----------------



Hi-C Dovetail:

- Tissu animal
- tissu plante
- Culture cellulaire
- sang

Hi-C Arima:

- Tissu animal (large)
- Tissu animal (small)
- Tissu plante
- Cellules animales
- Mammalian Cell lines

Omni-C Dovetail:

- Nucleated Blood
- Animal Tissue (other than insects and marine invertebrates)
- Insects and marine invertebrates
- Plant
- Mammalian Cells
- Mammalian Tissue
- Mammalian blood

extraction  
ADN HPM

extraction  
ADN/ARN

mapping "commun" "générique" projet  
ech biologique => projet ADN

extraction  
ADN

PROCESS Broyage, Prep ech, Prep Hi-C

pas de type banque

CYX\_A  
Echantillon biologique

none  
tube 1

plante 300mg, 250mg, 1-2g, ...

fixation tissus  
cross link

(déjà fait pour Arima - plante - noté dans ech. biologique déclaré)

Arima  
Pore-C

(cryo)  
Broyage

1 => N

point d'arrêt / (stockage)

Dovetail fixation tissus cross link

centri, lavage

dovetail omni-C  
cond. différentes nucléase  
digestion

3 lysats

isolement noyaux

Arima

point d'arrêt / stockage / reprise

pte qté reverse cross link pour qubit + bioanalyzer  
(calcul rendement sur 60µl et visualiser état digestion chromatine)  
choix d'un lysat (ou pool de 2)

QC

(pool)

tous dans le QC et arrêt process pour le "sacrifié",  
exp suivante pour les autres  
OU QC sur 1 seul (et arrêt process) et report des  
valeurs QC sur les autres (à la main sur containers)  
sans passer par un QC

omni-C

(digestion / enzyme)  
ligation des 2 fragments  
cross link reverse

in : Ech. biologique  
~100mg

- propriété content sur protocole
- + prop. exp. **prep ech** (en amont de la banque) = **Hi-C**

Prep Hi-C

1 => 1

ADN

changement type échantillon, génération nouveau code échantillon  
mapping projet **SPECIFIQUE** Hi-C -- CYX => CZA  
(codes projets différents entre ADN HPM et ADN prep Hi-C)

BILAN sur échantillon pour liste codes ech enfants (Hi-C / extraction  
ADN HPM / suite ont illumina)

changement de PROCESS pour process de BANQUE

Préparation échantillon  
1 => N aliquots

sortie ech. biologique

Vol engagé, Qté engagé,  
(out) Vol final (non oblig)  
(out) Volume nucléase engagé (non oblig)  
(spécifique omni-C)

Protocoles **détaillés** :

- Dovetail Hi-C
- Arima
- Dovetail Omni-C

PROCESS Prep Hi-C à  
partir aliquot prep éch.

Prep Hi-C

Protocoles:

- Dovetail Hi-C=> Illumina
- ArimaHi-C+ (2 enz) => Illumina
- ArimaHi-C+ (4 enz) => Illumina
- Dovetail Omni-C => Illumina
- Pore-C => ONT

CZA\_D  
tube 20

CZA\_E  
tube 21

QC

QC spécial noter % réussite

ends  
d mark  
h biotin

Ligate

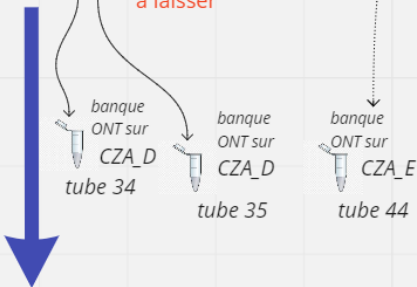
Purify and shear DNA;  
pull down biotin

Sequence using  
paired-ends

Process Nanopore  
(lister les étapes)

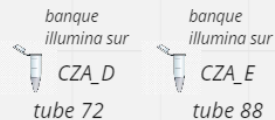
changement de PROCESS pour process de BANQUE

autoriser l'accès par anticipation  
type banque **ONT**  
à laisser



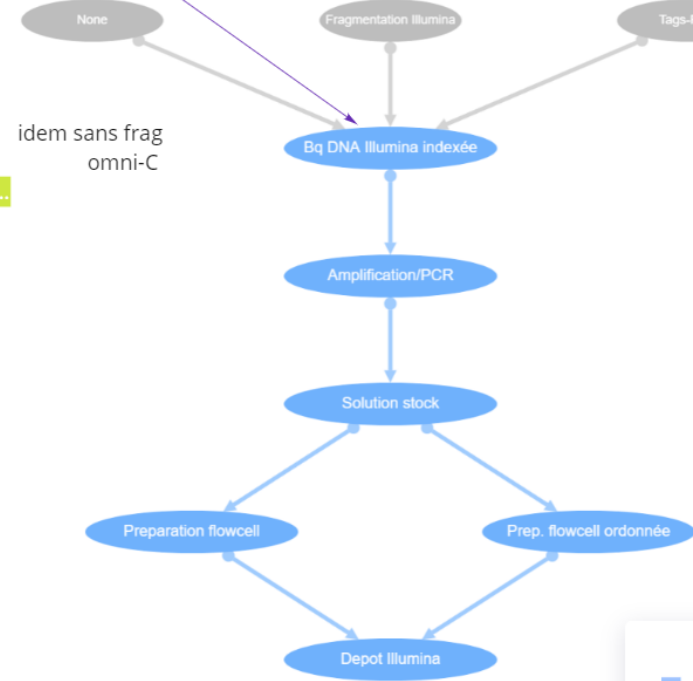
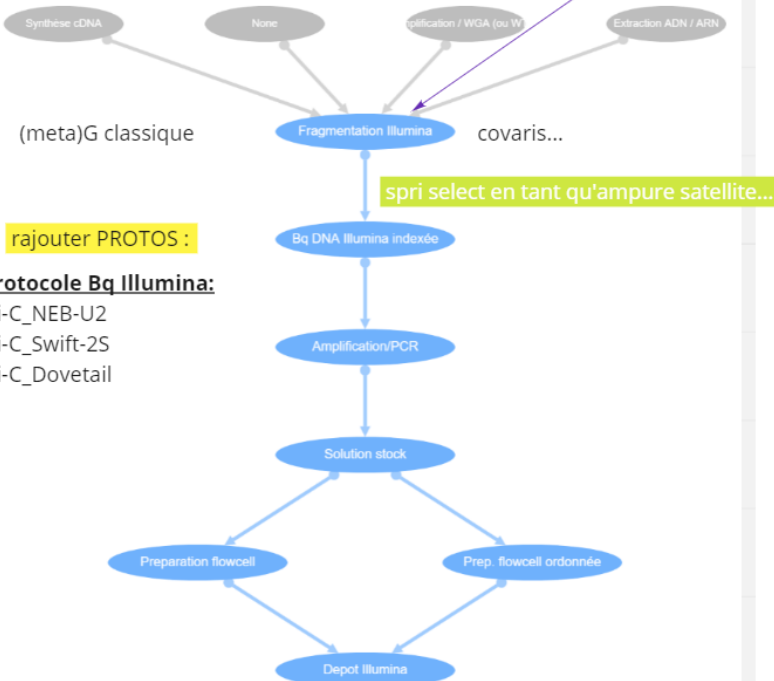
type banque DF existant OK (+ prop. Hi-C)

**Process Illumina**  
(frag,  
bq DNA non indexée,  
amplif + indexing, ...  
(index sera mis au niveau  
BQ DNA tant pis)



**Prep Hi-C**

**Prep Hi-C**



Choix visuel HS1

- ❗ volume engagé = volume total prélevé du tube d'entrée (pour réaliser les différents dosages, qu'il y ait dilutions ou non)
- ❗ volume engagé dans dosage "BR" ou "HS1" ou "HS2" ou "HS3" = volume engagé dans dosage (volume de la dilution s'il y a eu dilution)
- ❗ Calcul automatique volume final = volume du container d'entrée - vol. engagé

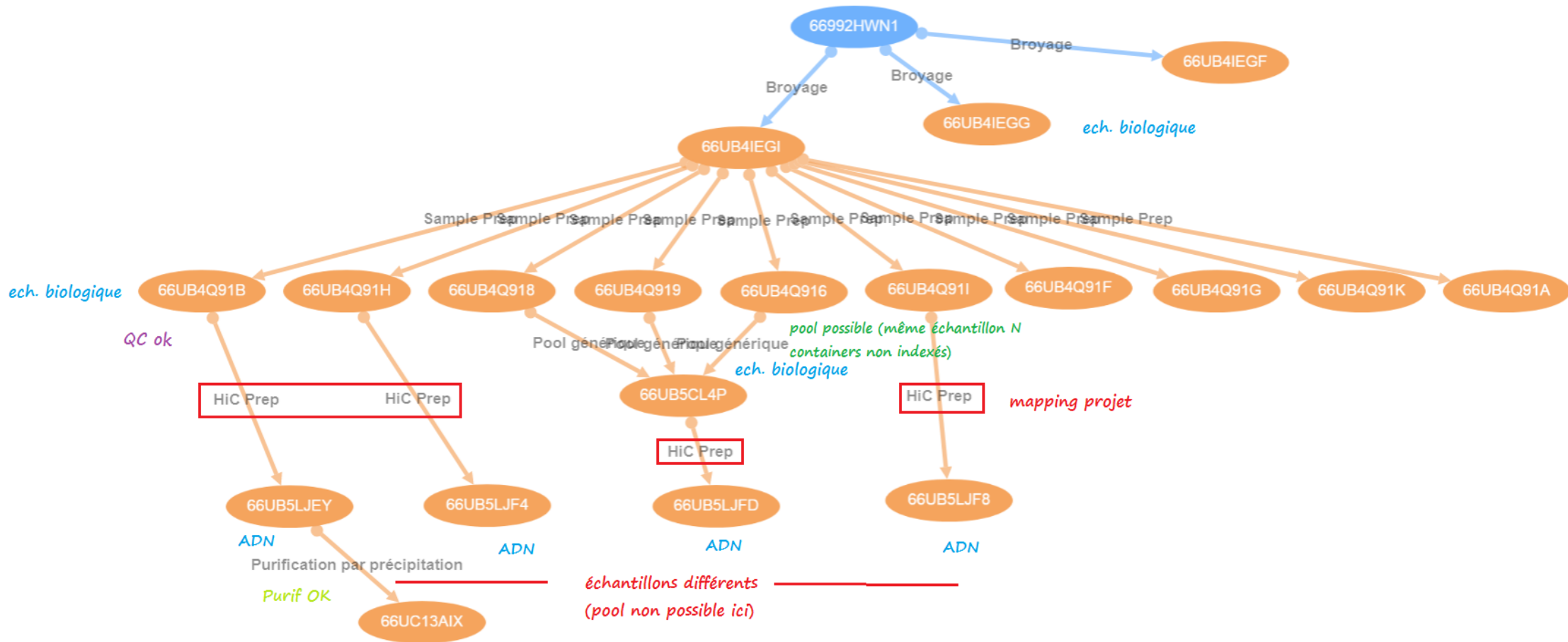
Vue tableau



1 Résultat(s)

Container(s) en entrée(s)																						
Code Container	Label de travail	Issu du type d'expérience	Valide	Projet(s)	Echantillon(s)	Volume (µL)	Etat	Volume mesuré (µL)	Volume engagé (µL)	Dilution HS1 (1/X)	Vol. engagé ds dosage HS1 (µL)	Dosage HS 1 (sur dilution) (ng/µl)	Dosage HS 1 (réel) (ng/µl)	Méthode de calcul de la concentration finale	Concentration finale (ng/µl)	Volume final (µL)	Quantité finale (ng)	Conc. calculée en nM (nM)	Valide ? (QC courant)	Copier validité dans validité finale du container ?	Commentaire éval.	Stockage
66UB4Q91B		Sample Prep	Oui	CYL	CYL_CS	60	Expérience en attente		2,5	1/4	5	20,000	20,000	HS 1 seul	20,000	57,5	1 150		---	copie	2,5 µl utilisé pour cross link reverse et dosé dans 10µl. résultat extrapolé sur le tube entier (x4)	
						tube (lysat) de 60 µl par exemple		pour dire ce que tu as "sacrifié" du tube initial		représente le ratio (inverse) qu'on doit appliquer pour retomber sur la conc. du tube initial cad x4		conc. sur tes 2,5 µl		conc. réelle sur ton tube lysat initial		volume restant dans ton tube lysat initial						

Reactifs



Support container 66UD1Z9R1

Taille QC

Container créé par jguy

Projet(s) CZA

Stockage

Echantillon(s) CZA\_AE

Processus

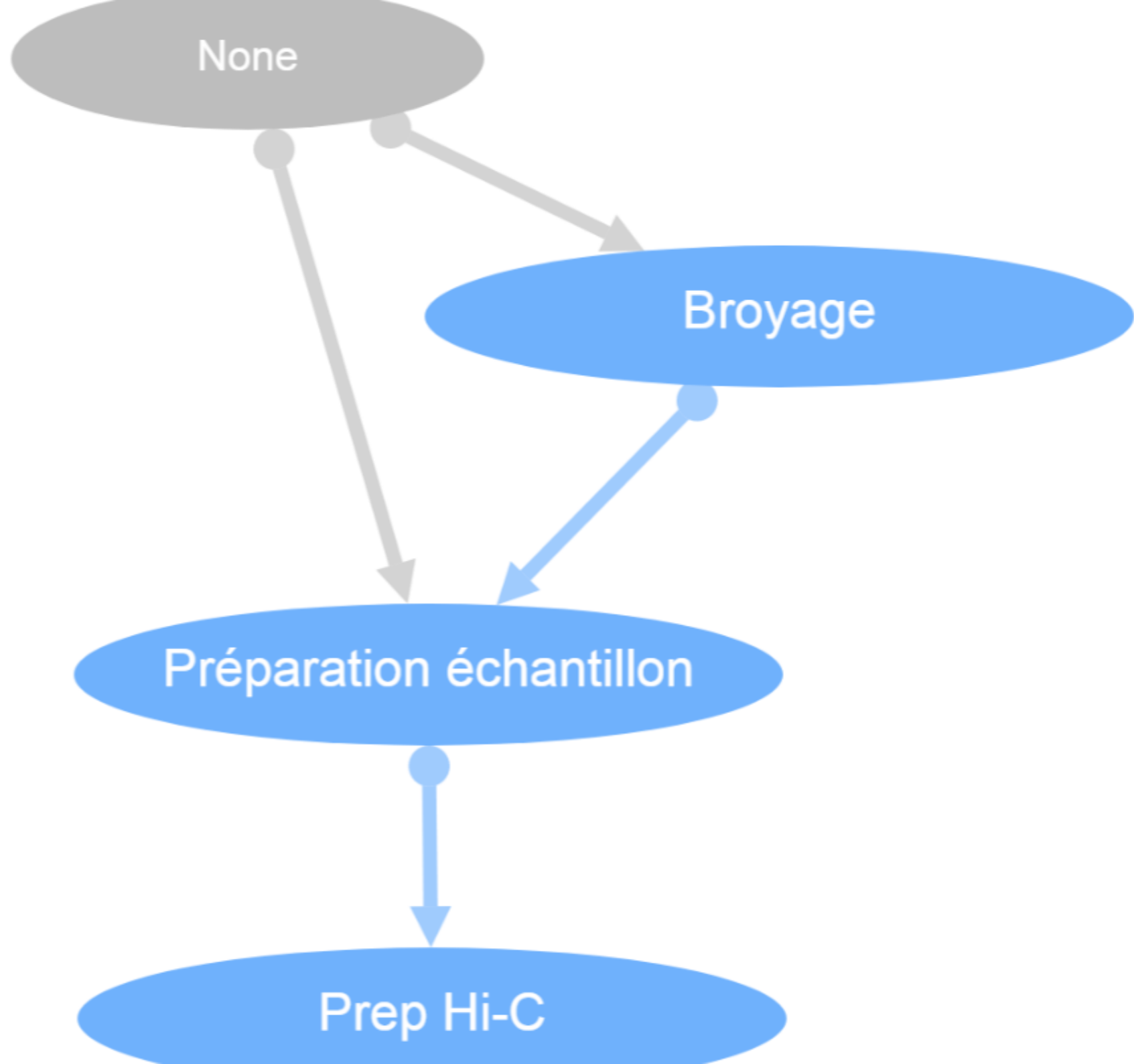
Commentaires

## Contents ( 1 )

Pourcentage	Projet	Echantillon	Détails Echantillon	Type échantillon	Autres Propriétés
100	CZA	CZA_AE	<div><div>Réf. collab</div><div>S320-NucleoHiC1-J3</div><div>Taxon Id</div><div>410657</div><div>Taxon</div><div>ecological metagenomes</div></div>	ADN	<div><div>Fraction de taille</div><div>3-20 µm</div><div>Catégorie de Tag</div><div>SINGLE-INDEX</div><div>Protocole Prep Hi-C</div><div>Dovetail Hi-C</div><div>Type processus banque</div><div>DF</div><div>Issu de l'échantillon</div><div>CYL_CN</div><div>Issu du type d'échantillon</div><div>biological-sample</div><div>Protocole banque</div><div>Bq Hi-C NEB-U2</div><div>META</div><div>Oui</div><div>Dev / Prod ?</div><div>DEV</div><div>Tag</div><div>NEBNext2</div><div>Issu du projet</div><div>CYL</div><div>Code aliquot</div><div>66992HWMN</div><div>Méthode préparation échantillon</div><div>Hi-C</div></div>

découlent de l'exp Prep Hi-C  
(colonne add à ajouter dans bilans)

découle de l'exp Bq DNA Illumina indexée  
(col. déjà présente dans les bilans)



Support Initial	Container Initial	Projet	Echantillon	Tag	Type Processus	Etat processus	Résolutions	Type expérience courante	Supports Containers enfants	Containers enfants	Expériences	Code Processus	Date de création processus	Date d'assignation container	Date de fin processus	Processus créé par	Comr
66992HWMD	66992HWMD	CYL, CYP	CYL_CJ, CYP_AAAA		(Cryobroyage), Prep Echantillon, Prep HI-C	Terminé		Prep HI-C	67LB5F2K3, 67LB5IQHN	67LB5F2K3, 67LB5IQHN	GRINDING-20210721_115716BFI, SAMPLE-PREP-EXP-20210721_115848EBD	CYL_CJ_GRINDING-SAMPLE-PREP-AND-HI-C-PREP_67LB5CEP2	21/07/2021 11:56	21/07/2021 11:56	21/07/2021 12:00	jpguy	TEST
66992HWMD	66992HWMD	CYL	CYL_CJ		(Cryobroyage), Prep Echantillon, Prep HI-C	Terminé		Broyage	67LB5F2K4	67LB5F2K4	GRINDING-20210721_115716BFI	CYL_CJ_GRINDING-SAMPLE-PREP-AND-HI-C-PREP_67LB5F3IA	21/07/2021 11:56	21/07/2021 11:56	21/07/2021 11:57	jpguy	TEST
66992HWMF	66992HWMF	CYL, CYP	CYL_CK, CYP_AAAB		(Cryobroyage), Prep Echantillon, Prep HI-C	Terminé		Prep HI-C	67LB5F2KI, 67LB5IQI4	67LB5F2KI, 67LB5IQI4	GRINDING-20210721_115716BFI, SAMPLE-PREP-EXP-20210721_115848EBD	CYL_CK_GRINDING-SAMPLE-PREP-AND-HI-C-PREP_67LB5CEOZ	21/07/2021 11:56	21/07/2021 11:56	21/07/2021 12:00	jpguy	TEST
66992HWMF	66992HWMF	CYL	CYL_CK		(Cryobroyage), Prep Echantillon, Prep HI-C	Terminé		Broyage	67LB5F2KJ	67LB5F2KJ	GRINDING-20210721_115716BFI	CYL_CK_GRINDING-SAMPLE-PREP-AND-HI-C-PREP_67LB5F3I9	21/07/2021 11:56	21/07/2021 11:56	21/07/2021 11:57	jpguy	TEST
66992HWWI	66992HWWI	CYL, CYP	CYL_CL, CYP_AAAC		(Cryobroyage), Prep Echantillon, Prep HI-C	Terminé		Prep HI-C	67LB5IQGP, 67LC110AZ	67LB5IQGP, 67LC110AZ	SAMPLE-PREP-EXP-20210721_115848EBD, HI-C-PREP-20210721_120025EFJ	CYL_CL_GRINDING-SAMPLE-PREP-AND-HI-C-PREP_67LB5CEOX	21/07/2021 11:56	21/07/2021 11:56	21/07/2021 12:00	jpguy	TEST
66992HWWML	66992HWWML	CYL, CYP	CYL_CM, CYP_AAAD		(Cryobroyage), Prep Echantillon, Prep HI-C	Terminé		Prep HI-C	67LB5IQH5, 67LC110B4	67LB5IQH5, 67LC110B4	SAMPLE-PREP-EXP-20210721_115848EBD, HI-C-PREP-20210721_120025EFJ	CYL_CM_GRINDING-SAMPLE-PREP-AND-HI-C-PREP_67LB5CEOW	21/07/2021 11:56	21/07/2021 11:56	21/07/2021 12:00	jpguy	TEST
66992HWMD	66992HWMD	CYL	CYL_CJ		(Cryobroyage), Prep Echantillon, Prep HI-C	En cours		Préparation échantillon	67LB5F2K3, 67LB5IQHO	67LB5F2K3, 67LB5IQHO	GRINDING-20210721_115716BFI, SAMPLE-PREP-EXP-20210721_115848EBD	CYL_CJ_GRINDING-SAMPLE-PREP-AND-HI-C-PREP_67LB5CEP2	21/07/2021 11:56	21/07/2021 11:56		jpguy	TEST

chemin "complet" arrivé au bout ou arrêté avant OK

chemin "sans broyage" au sein du même process, OK