

Nouveau process de Banque Pour PACBIO



Processus Bq PacBio > Whole Genome & Metagenome libraries

DG - PacBio HiFi library

Fragmentation (même exp. que pour illumina)

QC qubit => dosage fluo

QC femto pulse => Migration sur puce (hors eval ARN)

Banque DNA PacBio

(rep, ligation index)

Possibilité de renseigner un TAG (NON obligatoire) si TAG, déclarer un nouveau type d'index

(Purif)

STOP 4°C

(Transferts)

Purif : Traitement nucléase (pour digérer ce qui n'est pas circulaire)

SIZE SELECTION avec blue pippin (pacbio) (NEW) (pas prête)

Pour s'y retrouver dans BILANS bien regarder les prop. qui se propagent (ou pas)

SIZE SELECTION avec blue pippin (attention SIZING nanopore trop spécifique, NON réutilisable !) faire une NVELLE EXP.

OU sur billes d'ampure (1 côté) => utiliser purif AMPURE

QC qubit => dosage fluo

QC femto pulse => Migration sur puce (hors eval ARN)

STOP 4°C

Envoi à Clermont ou Toulouse (notifier par commentaire dans container par exple)

Condition nécessaire pour créer le dépôt dans NGL :
Que notre librairie (ou pool de lib) fasse 100% de la SMRT cell (que Toulouse ne complète pas avec d'autres)
Car on ne peut déclarer dans NGL qu'un qu'une FC « complète »

Smrt cell multiplexage possible mais avec notre proto HIFI on fera 1 LIB sur 1 smrt CELL

SEQUEL II SYSTEM



SMRT Cell 8M



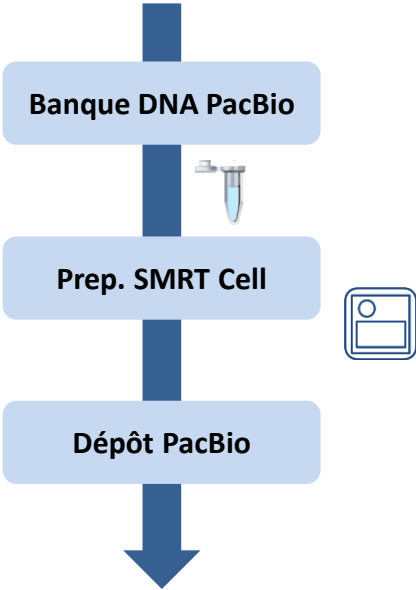
Prep. SMRT Cell

Dépôt PacBio

Sur séquenceur extérieur :
- Toulouse
- Clermont Ferrand



Processus Bq PacBio > **Bq DNA PacBio à partir de frag ou amplicon**



Banque DNA PacBio

Processus Séquençage > **Run PacBio**

