

IGM_TRAIN+, Salvador, Brazil, 30/10 - 01/11/2023				
	Dia 1 - Introdução ao UNIX e linhas de comando	Dia 2 - Montagem de genomcas e identificação de variantes	Dia 3 - Análise filogenética e aplicações	
Horário	Segunda-feira 30 Oct	Terça-feira 31 Oct	Quarta-feira 1 Nov	Horário
08:00				08:00
08:30	Registro e entrega de materiais			08:30
09:00	Boas-vindas e apresentações	Bioinformática para montagem de genoma e identificação de linhagem	Conceitos básicos das análises filogenéticas	09:00
09:30				09:30
10:00	Introdução a genômica de patógenos	Prática Controle de qualidade e filtragem de leituras do sequenciamento	Prática Construindo uma árvore filogenética	10:00
10:30		Prática Alinhando leituras (<i>reads</i>) com o genoma referência		10:30
11:00	Coffee break	Coffee break	Coffee break	11:00
11:30	Introdução ao UNIX e Google Colab	Continuação - Prática Alinhando leituras (<i>reads</i>) com o genoma referência	Significado e propósito de realizar análises filogenéticas	11:30
12:00	Prática Introdução ao UNIX e Google Colab	Prática Chamada de variantes (<i>variant calling</i>) e sequências consenso		Discussão Os desafios de construir uma árvore filogenética
12:30			12:30	
13:00	Almoço	Almoço	Almoço	13:00
13:30				13:30
14:00	Formatos de arquivo e formatos de dados (FASTA, FASTQ, GenBank, GFF)	Prática Montagem <i>de novo</i> de genoma	Elaboração de projeto em grupo	14:00
14:30		Prática Identificação de linhagem e compartilhamento de dados		14:30
15:00	Coffee break	Coffee break	Coffee break	15:00
15:30	Prática Formato de arquivos e dados	Continuação - Prática Identificação de linhagem e compartilhamento de dados	Elaboração de projeto em grupo	15:30
16:00		Prática Containers e fluxos de trabalho (<i>workflows</i>)	Apresentação de projeto em grupo	16:00
16:30	Trabalho em grupo	Trabalho em grupo		16:30
	Encerramento	Encerramento	Encerramento	
17:00		Confraternização		17:00
17:30				17:30
Horário	Segunda-feira	Terça-feira	Quarta-feira	Horário