

**Kompleksitet**

**Grenser:**  
Θ -> felles, O -> øvre grense, Ω -> nedre grense

**Rekursiv kompleksitet:**  
 $aT(n/b) + cn^a$ , a = antall rekursive kall, b = brøkdelen av datasett vi behandler i ett rekursivt kall,  $cn^a$  = kompleksitet for metoden (vanlige løkker).  
 $b^k < a$ :  $\Theta(n^{\log_b a})$ ,  $b^k = a$ :  $\Theta(n \log n)$ ,  $b^k > a$ :  $\Theta(n^k)$

**Rekursjon:**  
Splitt og hersk: deler opp problemene i underproblem, løse disse, og sette sammen disse løsningene til en løsning for det opprinnelige problemet.

**Sortering**  
- Minste kjøretid for sortering uansett er  $O(n)$  fordi minst alle elementer må sjekkes.

**Innsettsortering ( $O(n^2)$ ,  $\Omega(n)$ ):**  
- setter inn ett og ett element blant de sorterte i venstre del. Går videre til neste usorterte element i tabellen osv.

- effektiv på SMA datasett og spesielt god om data er delvis sortert fra før av. Svak på større datasett.

**Bubblesortering ( $\Theta(n^2)$ ):**  
- lite brukt ettersom innsettsortering er like enkel og som regel raskere i praksis

- ved hvert gjennomløp sjekkes alle tall som står etter hverandre, og bytter plass hvis de står feil i forhold til hverandre -> små tall bobler opp, store tall synker ned

**DualPivotQuickSort (10-20% raskere enn QS):**

- deler i 3 deler: mindre enn p1, mellom p1 og p2, og større enn p2

- noe mer arbeid men 10-20% raskere enn vanlig QS fordi det blir færre sammenligninger -> mindre rekursjon, og cache-effekten skjuler ekstra arbeidet

**QuickSort (i gjennomsnitt  $O(n \log n)$  rekursiv metode:**

- brukes mest, men ikke så effektiv på små datamengder

- plukker ut en delingsverdi (pivot) hvor alt som er mindre plasseres nedenfor og alt større ovenfor. Har nå 3 deler (delingsverdien, som nå står på rett plass, små verdier på ene siden og store verdier på andre siden). De to sidene sorteres rekursivt og splittes i enda 2 deler per side -> slik fortsetter det til alle deler har tabellstørrelse 1 og da er tabellen sortert.

- ulempe: om pivotelementet er veldig skjeiv i tabellen

**Velgesortering ( $\Theta(n^2)$ ):**

- finn største verdi og sett på plass n-1, finner nest største og setter på n-2 osv. til nest minste er satt på plass 1. da vil plass 0 alltid være minste element fordi alle andre er satt på riktig plass.

**Flettsortering ( $O(n \log n)$ ):**

- rekursiv sortering av tabellen delt i to, så flettes de sorterte deltabellene sammen til en sortert tabell

- trenger en ekstra tabell -> ulempe og tar mer plass

**Tellesortering ( $O(n)$ ):**

- sorterer kun heltall -> veldig stabil

- lønner seg ekstra mye når tallene ligger tett og evt. Med mange like verdier

- ulempe: har en ekstra hjelpetabell

**Shellsort ( $O(n^2)$ ):**

- forbedring av innsettsortering

- sammenlikner med en viss lengde-k (...), reduserer denne per gang. Når lengde = 1, brukes innsetting.

**Heapsort ( $O(n \log n)$ ,  $\Omega(n)$ ):**

- lager heap av usortert data og tar vare på lengden av heapen. Har ei løkke som plukker ut største tallet og setter inn igjen i tabellen bakenfor heapen. Selve heapen blir mindre og mindre mens en større og større del av tabellen blir sortert. Holder alltid oversikt over heap-lengden.

- samme kompleksitet som flettsortering MEN klarer seg uten det ekstra minnet som flettsortering trenger, som er stor fordel for heapsort. (I praksis er QS raskere).

**Topologisk sortering ( $\Theta(N + K)$ ):**

- planlegger aktiviteter som avhenger av hverandre -> fag på skolen eller klassetrinn f.eks.

- betingelsene kan representeres med en rettet graf med én node per aktivitet.

- lage en MULIG sortering av en slik graf med avhengigheter

- graf må være asyklisk (altså IKKE rundturer)

- resultatet er er ei lenka liste med alle nodene i en mulig rekkefølge. Kjører DFS på hver node (som er nummerert)

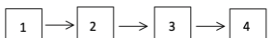
- DFS legger nodene i resultatlista i samme rekkefølge som de blir ferdige, altså når alle kantene ut fra dem er ferdig undersøkt.

**Lister**

**Stack:**

- lineær datastruktur -> LIFO (last in first out)

**Enkeltlenka liste (sortere:  $O(n \log n)$ ):**



sirkulær:



- innsetting ( $O(1)$ ): hale.neste = new Node(...);

hale = hale.neste;

- uttak ( $O(1)$ ): Node ut = hode;

hode = hode.neste;

**Dobbeltenka liste (sortere:  $O(n \log n)$ ):**

class Node {Node neste; Node forrige; ...}



sirkulær:



**Kø:**



kan implementeres med liste eller tabell

Tabell: innsetting bakerst:  $O(1)$ , uttak forrest:  $O(n)$

Liste: begge blir  $O(1)$

**Trær**

- datastruktur av typen graf

- ulineær datastruktur -> har en rot (slik som lenka liste)

- har noder hvor hver kan lenke til mer enn en annen barnenode. Alle har forelder utenom rota

- noder uten barn = løvnoder/ytre noder

- noder med barn = indre noder

Fritt tre: sammenhengende, asyklisk graf

Tre med rot: fritt tre + en rot

Ordnet tre: bestemt rekkefølge på nodene

Skog: flere trær

**Dybde:**

- antall lenker mellom noden og rota (rota har dybde 0)

- hvis nodene har foreldrelenke: følg foreldrelenkene opp til rota. Kan gjøres med en enkel løkke.

- hvis nodene ikke har foreldrelenke: start i rota, let i begge subtrær til noden påtreffes, lett antall lenker (enklest da med rekursiv algoritme)

**Høyde:**

- antall lenker mellom noden og den noden som er lengst unna i et av nodens subtrær (treets høyde er definert som rotas høyde)

- høyden til en node er 1 mer enn høyden til det høyeste subtreet.

- rekursiv algoritme: finn først høyden til venstre subtre -> så høyre subtre -> velg den største av de to og legg til én

**Binærte:**

- maks to barn pr forelder

- er ordnet, barnas rekkefølge er vesentlig

- kjøretiden ved innsetting, sletting og søk øker proporsjonalt med høyden til treet

- Binært søketre: hver node har nøkkel og alle noder i venstre subtre har mindre nøkkel og alle noder i høyre subtre har større nøkkel

- **perfekt binærte:** hvis alle løvnodene befinner seg på nederste/samme nivå og alle indre noder har to barn

- **komplett:** perfekt, men trenger ikke fullt antall løvnoder

- **fullt:** alle indre noder har 2 barn (hvor forelder har 2 barn). Løvnoder trenger ikke være på samme nivå

- innhold: info + tre lenker til andre noder (forelder + 2 barn). Treet er ordnet

- nodens nøkkel er større enn nøklene til alle noder i venstre subtre, og mindre enn alle nøklene i nodens høyre subtre

- **innsetting:** er rota tom -> sett inn der. Hvis nye nodens nøkkelverdi er mindre enn nøkkelverdien til den vi sammenlikner med, skal vi gå til venstre, er den større går vi til høyre. Fortsetter til vi finner en node som mangler det barnet vi skulle ha gått videre til -> der settes noden

- **søking:** skjor omtrent som innsetting, men må teste på like nøkler -> finner lik nøkkel -> return node, else return null (finnes da ikke)

- **sletting:** 1: noden har ikke barn -> lenka fra foreldrenoden som lenker til noden, settes = null. 2: noden har ett barn -> foreldrenoden sin lenke til noden som skal slettes settes til å lenke til nodens barn. 3: noden har to barn -> erstatter nodens element (alle data bortsett fra lenkene) med elementet i noden som kommer like etter sorteringsrekkefølgen, som er den minste i høyre subtre - denne noden vil oppfylle kravet om at nøkkelverdien er større enn alle nøkkelverdier i venstre subtre og er mindre enn alle nøkkelverdier i høyre subtre

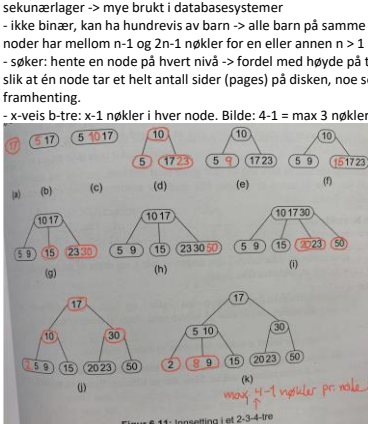
**B-trær:**

- en datastruktur som brukes for å få effektiv bruk av disk og andre sekundærlager -> mye brukt i database-systemer

- ikke binær, kan ha hundrevis av barn -> alle barn på samme nivå og alle noder har mellom n-1 og 2n-1 nøkler for en eller annen n > 1

- søker: hente en node på hvert nivå -> fordel med høyde på treet. Velger n slik at én node tar et helt antall sider (pages) på disken, noe som gir effektiv framheinting.

- x-veis b-tre: x-1 nøkler i hver node. Bilde: 4-1 = max 3 nøkler pr node.



Figur 6.11: Innsetting i et 3-4-er

2, 3 eller 4 barn

**Heap**

- binærte hvor nodene har sammenlignbare nøkkelverdier

- max-heap: hver node har en nøkkelverdi som er større enn eller lik begge barnenodene

- min-heap: hver node har en nøkkelverdi som er mindre enn eller lik begge barnenodenes - rota har dermed minste verdi

- delvis ordning: gjør at heapoperasjoner er raske

- heap som tabell: sparer plass og tid i forhold til nodeobjekter med referanse til barnenoder. Nodenes posisjoner i tabellen kan beregnes -> for noden i posisjon  $i$  node kan vi finne indeks til foreldre- og barnenoder slik:

indeks, $i$	0	1	2	3	4	5	6
tabell, $t[i]$	14	8	10	7	2	2	9

$i_{foreldrenode}$	=	$\lfloor (i_{node} - 1) / 2 \rfloor$
$i_{venstre\ barn}$	=	$2i_{node} + 1$
$i_{høyre\ barn}$	=	$2i_{node} + 2 = 2(i_{node} + 1)$

- sletting: slette elementet og hente inn siste element og flytter opp - tar så å setter den i riktig posisjon

**Prioritetskø (PQ):**

- legge inn og ta ut elementer som har ulik prioritet. Forskjellen på PQ og andre lagringsstrukturer er at vi lett kan plukke ut elementet med den høyeste prioriteten. Ser at dette er enkelt npr en max-heap brukes for å implementere PQ. (F.eks. av OS og prosesskjøring -> hvilken prosesser bør prioriteres osv)

**Bit-operasjoner**

- bit-operasjoner er veldig raske fordi så å si alle datamaskiner bruker binære tall. Fordi prosessoren er laget med binær digital elektronikk.

- bitverdi 0 representeres med 0 volt, 1 med høyere spenning

**Høyreskift:**

- int a = 154;

a >>= 1; // a = a >> 1; -> tilsvarer a = a/2; som blir 77

eks.: 10011010 (154) og høyreskifter 1 blir: 01001101 (77)

- et høyreskift tilsvarer divisjon med 2

**Venstreskift:**

Int a = 5;

a <<= 3; // a = a << 3; -> tilsvarer a = a\*8;

eks.: 000101 (5) og venstreskift 3 blir: 01001100 (40)

- et venstreskift tilsvarer multiplikasjon med 2

**Bitvis xor ( $\oplus$ ):** 1 der bitene er ulike, 0 der de er like

**Bitvis and ( $\&$ ):** a & b er 1 hvis både a og b er 1, ellers 0:

210 11010010

124 & 01111100

80 01010000

-> int a = 210, b = 124; int c = a & b;

- raskere beregning med masking (&) enn «mod»

- if((tall % 2) == 1)... blir med masking: if((tall & 1) == 1)

- «& 1» plukker ut siste siffer:

- x%4 plukker ut siste 2 siffer, samme som x & 3

- x%8 plukker ut siste 3 siffer, samme som x & 7

- generelt: erstatt «x mod 2» med «x & ( $2^k - 1$ )»

**Bitvis or ( $\mid$ ):** omvendt av bitvis and

**Bitvis not ( $\sim$ ):** inverter alle bitene

**IP-adresser og nettmasker:**

- routing: er 10.50.82.218/22 på samme nett som 10.50.83.167?

-> /22 delen betyr nettmakse med 22 1'ere og resten 0'ere (32 bit)

Min ip base10:	10	50	82	218
Binær ip:	000010100011001001001010101010			
Nettmaske:	111111111111111111111111100000000000			
Nettadresse:	00001010001100100101000000000000			
Net. adr. base10:	10	50	80	0
Annen ip base10:	10	50	83	167
Binær ip:	00001010001100100100101011001011			
Nettmaske:	111111111111111111111111100000000000			
Nettadresse:	00001010001100100100000000000000			
Net. adr. base10:	10	50	80	0

**Kryptografi:**

- scramble data og kunne dekode senere.

- xor brukes ofte: «melding xor nøkkel» gir uleselig tekst, motsatt igjen gir klartekst -> nøkkel må være like lang som tekst -> upraktisk

- miksing: flytte alle bitene i melding. Gjør det vanskelig å gjette seg frem.

«and» og «or» kan brukes. Skift og rotasjon kan flytte bitene rundt innengor en byte eller int.

- kryptering ved bruk av bit-operasjoner forsinker ikke komm. -> viktig for både komm. over nett og for å jobbe mot kryptert HD.

**Datamkompresjon:**

- presse sammen data mest mulig. Kan se på repetisjoner i tekst og erstatte like ord. Se Huffmantre!

**Hashtabeller**

- oppnår ytelse ved å spre nøkler jevnt utover en stor tabell og dobbelhashing er god til dette -> unngår lange kjeder

- problemer ved bruk i moderne prosessorer: cache mye raskere enn alt annet og ideelt om man jobber innenfor denne. Hashtabeller som er større enn minnet og det blir spredning fører til swapping.

- bruker en hashfunksjon for å produsere en tabellindex: tabell

[hash[st(nøkkel)]]

-> ved hjelp av hashfunksjon beregner vi da index

-> blir raskere oppslag selv om selve nøkkelen ikke er egnet

-lastfaktor: for en hashtabell med størrelse m som inneholder n elementer, er lastfaktoren:  $\alpha = n/m$

-> dårlig lastfaktor når  $\alpha$  er nær 0

-> full tabell når  $\alpha = 1$  og overflyt når  $\alpha > 1$

- gode hashfunksjoner er raske til å beregne, gi verdi mellom 0 og

tabellstørrelse, gir god spredning og gir få kollisjoner.

-> håndtering av kollisjoner: avvise kolliderende elementer, bruke lenka liste, åpen adressering

**Bruk av lenka liste:**

- hver tabellposisjon er et listehode. Når flere elementer hasher til samme index, lenker vi dem der

- fordel: tabellen blir aldri full, kan få  $\alpha > 1$

- ulempe: det får med plass til neste-referanse

**Bruk av tabell (åpen adressering):**

- **linær probing:** «neste ledig plass». Minus ved denne er at man kan få lange kjeder med kollisjoner. Aller verdier som havner i dette området må gå igjennom samme lange kjede

- **kvadratisk probing:** prøver å unngå de lange kjedene i linær probing. Noen elementer kolliderer og lager kollisjonskjede. Andre elementer som treffer lenger ut i denne kjeden, vil ikke følge samme kjede pga. et andregradsledd i probingen. Dermed finner de fortore ledig plass. Ulempe: vil også oppstå kollisjonskjeder

- **dobbelhashing:** det beste alternativet! Unngår kvadratisk probing ved å bruke to hashfunksjoner og sprer evt. kollisjoner jevnt utover -> unngår lange kollisjonskjeder. Bruker den andre hashfunksjonen kun hvis det blir kollisjon på første. Husk: ingen felles faktor ved utregning. Og bør ha tabellstørrelse i primtall. Brukte dobbelhashing og tabell med lenka liste på øvingen.

- tabellen kan ikke overflytes uansett. Bør ha 25% overhead

- hashfunksjon 1 ( $k \bmod m$ ) hvor m = primtallet (tabellstørrelse) og k =

random tall (verdi i tabellen)

- hashfunksjon 2 ( $k \bmod (m - 1) + 1$ ) hvor k og m er primtall for å unngå evig løkke. K sendes inn fra hashfunksjon 1.

**Uveteke grafer:**

- graf: en datastruktur som består av noder, og en rekke forbindelser mellom disse. Forbindelsene kalles kanter

- nabo: kanten n -> m vil si m er nabo til n

- vei: en kjede noder som henger sammen

- rundtur: vei som ender i startnoden

-> en graf med rundtur(er) er syklisk

-> en graf uten rundturer er asyklisk

- veilengde: antall kanter i veien

**Implementasjon:**

Holdte orden på kantene: naboliste eller nabotabell (disse to gir retta grafer).

For å lage uretta graf -> lag alle aknter to ganger, en gang i hver retning.

Nabotabell: tar høyde for at alle kan ha forbindelse og er en todimensjonal tabell: Kant [N][N]

- Kant[i][j] forteller om det er forbindelse mellom i og j

-> kan bruke true/false for uvektet

-> bruke vektor (avstand, tid osv.) for vektet graf - ulempe: lett for å sløse med plass - ulempe: tar tid å finne alle kanter fra en node - fordel: lett å finne alle kanter ut fra en node

**Naboliste1:**

- tabell med noder hvor hver node er listehode og hver kant er et listeelement

-> referanse til neste kant og referanse til hvilken node kanten går til (evt. vekt også)

- trenger ikke lagre kanter som ikke finnes

- fordel: sparer plass i forhold til nabotabell

- fordel: lett å finne alle veier ut fra en node

- ulempe: vanskelig å finne alle veier inn til en node

- lenka liste kan utvides etterhvert - trenger ikke vite antall noder og kanter på forhånd

**Naboliste2:**

- en nodeliste og en kanttabell

- hver node har en index til sin første kant i kanttabellen. Resten følger på høyere indexer i kanttabellen fram til der neste node har sin første kant

-> dummynode til slutt for å vite hvor siste node slutter

-> krever ikke objektorientering, kan bruke bare int og virker derfor for alle språk

-> enkelt å progge, kompakt i memory

