RH	TTTCAGCAATTCTATATCTTTTATAATGTAGGTAGGGTACGTATATCATAGTTTTATTAT	60	
IL162	TTTCAGCAATTCTATATCTTTTATAATGTAGGTAGGGTACGTATATCATAGTTTTATTAT	60	
KD	TTTCAGCAATTCTATATCGTTTATAATGTAGGTAGGGTACGTATATCATAGTTTTATTAT	60	

RH	TTGCGTAGCCTAAATATTTGATGGACTTCCTACGTGATGAGATGATCACAAAAATTAACA	100	
IL162	TTGCGTAGCCTAAATATTTGATGGACTTCCTACGTGATGAGATGATCACAAAAATTAACA		
KD	TTGCGTAGCCTAAATATTTGATGGACTTCCTACGTGATGAGATGATCACAAAAATTAACA	120	

RH	ATCAACATGTTCAGATTTGAATAAGCGCTTATATTCAAGCAGAATTAATGTGTACATATA	180	
TL162	ATCAACATGTTCAGATTTGAATAAGCGCTTATATTCAAGCAGAATTAATGTGTACATATA	180	
KD	ATCAACATGTTCAGATTTGAATAAGCGCTTATATTCAAGCAGAATTAATGTGTACATATA	180	

		0.40	
RH	TTTCTGATGTTTTTCTTGCACATGGTATTAGTTCATGTAAGATTATCTTTCCTTTTTTTT		
IL162	TTTCTGATGTTTTCTTGCACATGGTATTAGTTCATGTAAGATTATCTTTCCTTTTTTTT		
KD	TTTCTGATGTTTTCTTGCACATGGTATTAGTTCATGTAAGATTATCTTTCCTTTTTTT	240	TF search
	***************		score
	ATHB-1		00020
RH	CATAATTTCTGCATGTACTACTTTTGACAAATTAATTATTGCTAGAACTGTTTCATGAAT	300	87.2
IL162	CATAATTTCTGCATGTACTACTTTTGACAAATTAATTATTGCTAGAACTGTTTCATGAAT	300	87.2
KD	CATAATTTCTGCATGTACTACTTTTGACAAATTCATTATTGCTAGAACTGTTTCATGAAT		0
	************	500	0
	•		
	SBF-1		
RH	ATTGTAATGTTATTTCACAAAGCTTTGTGTGGTTAATAATCTCTTTTTGATAACTATAAT	360	98.1
L162	ATTGTAATGTTATTTCACAAAGCTTTGTGTGGTTAATAATCTCTTTTTGATAACTATAAT	360	98.1
KD	ATTGTAATGTTATTTCACAAAGCTTTGCATGGTTAATAATCTCTTTTTGATAACTATAAT	360	92.5

	P		
RH	AAATCAAACTCGTGAATCCAACCAGAGATCGGAAGAATGG 404		98.2
L162	AAATCAAACTCGTGAATCCA <mark>ACCAACCAG</mark> AGATCGGAAGAATGG 404		98.2
KD	AAATCAAACTCGTGAATCCAACTAACCAGAGATCGGAAGAATGG 404		86.5
