3203. Find Minimum Diameter After Merging Two Trees

David Chen

2024年12月26日

问题 5: 合并两棵树后求最小直径

题目描述

给定两棵无向树,分别有 n 和 m 个节点,编号为 0 到 n-1 和 0 到 m-1。给定两个二维整数数组 edges1 和 edges2,长度分别为 n-1 和 m-1,其中 edges1[i] = $[a_i,b_i]$ 表示第一棵树中节点 a_i 和节点 b_i 之间有一条边,edges2[i] = $[u_i,v_i]$ 表示第二棵树中节点 u_i 和节点 v_i 之间有一条边。

你需要将第一棵树中的某个节点与第二棵树中的某个节点连接起来,形成一棵新的树。返回合 并后树的最小直径。

树的直径定义为树中任意两点之间最长路径的长度。

原始解答分析

以下是用户提供的 C++ 代码实现:

```
int minimumDiameterAfterMerge(vector < vector < int >> &edges1,
                                  vector<vector<int>>> &edges2) {
    long long n = edges1.size() + 1;
    long long m = edges2.size() + 1;
    vector < vector < int>> next1(n);
    vector < vector < int >> next2(m);
    unordered map<long long, int> dp1;
    unordered_map<long long, int> dp2;
    for (auto &i: edges1) {
         next1 [ i [ 0 ] ] . push_back ( i [ 1 ] );
         next1[i[1]].push_back(i[0]);
    }
    for (auto &i: edges2) {
         next2 [ i [ 0 ] ] . push_back ( i [ 1 ] );
         next2 [ i [ 1 ] ] . push_back ( i [ 0 ] );
    int min1 = n - 1;
    int \min 2 = m - 1;
    int d1 = 0;
```

```
int d2 = 0;
for (int k = 0; k < n; ++k) {
    vector < bool> visited1(n, false);
    auto dfs1 = [\&](auto \&\&dfs1, int node) \rightarrow int {
         int \max_{depth} = 0;
         for (auto i: next1[node]) {
              if (visited1[i]) {
                   continue;
              }
              visited1[i] = true;
              int tmp = 1;
              if (dp1.count(node * n + i))
                   tmp += dp1 [node * n + i];
              else
                   tmp += (dp1[node * n + i] = dfs1(dfs1, i));
              d1 = \max(d1, tmp + \max_{depth});
              \max_{\text{depth}} = \max(\max_{\text{depth}}, \text{tmp});
         return max_depth;
     };
     visited1[k] = true;
    \min 1 = \min(\operatorname{dfs1}(\operatorname{dfs1}, k), \min 1);
for (int k = 0; k < m; ++k) {
     vector < bool > visited 2 (m, false);
    auto dfs2 = [\&](auto \&\&dfs2, int node) \rightarrow int {
         int \max_{depth} = 0;
         for (auto i: next2[node]) {
              if (visited2[i]) {
                   continue;
              visited2[i] = true;
              int tmp = 1;
              if (dp2.count(node * m + i))
                   tmp += dp2 [node * m + i];
              else
                   tmp += (dp2[node * m + i] = dfs2(dfs2, i));
              d2 = \max(d2, tmp + \max_{depth});
              \max_{\text{depth}} = \max(\max_{\text{depth}}, \text{tmp});
         }
         return max_depth;
    };
```

```
\begin{array}{lll} visited2 \, [\, k\,] &= \, \mathbf{true}\,; \\ & \min 2 \, = \, \min \big(\, dfs2 \, (\, dfs2 \, , \, \, k\,) \, , \, \, \min 2 \, \big)\,; \\ \\ & \} & \\ & \mathbf{return} \  \, \max \big( \max \big(\, d1 \, , \, \, d2 \, \big) \, , \, \, \min 1 \, + \, \min 2 \, + \, 1 \, \big)\,; \\ \\ \} & \end{array}
```

当前算法的思路

- 1. ** 构建邻接表 **: 将两棵树的边信息转换为邻接表表示,分别存储在 next1 和 next2 中。
- 2. ** 计算直径 **:
- 对于每棵树, 遍历每个节点, 使用深度优先搜索 (DFS) 计算以该节点为根的子树的最大深度。
- 使用记忆化技术 (通过 dp1 和 dp2) 避免重复计算。
- 更新全局最大深度(即直径)。
- 3. ** 合并两棵树后的直径计算 **: 最终返回两棵树直径的最大值与两棵树直径之和加一中的最大值。

优化建议

当前算法在计算两棵树的直径时存在以下问题:

- 1. **时间复杂度较高**: 对于每个节点进行 DFS, 整体时间复杂度为 $\mathcal{O}(n^2)$, 其中 n 是节点数。
- 2. **空间复杂度高**:使用了两个 unordered_map 进行记忆化,增加了空间消耗。
- 3. **不必要的重复计算**:尽管使用了记忆化,但对于树这种结构,仍有优化空间。 以下将逐一分析并提出优化方案。

1. 使用双 BFS 计算直径

对于树结构, 计算直径的高效方法是使用双广度优先搜索 (BFS):

- 1. 从任意节点开始 BFS, 找到距离最远的节点 u。
- 2. 从节点 u 开始 BFS,找到距离 u 最远的节点 v,此时 u 到 v 的距离即为树的直径。

这种方法的时间复杂度为 $\mathcal{O}(n)$, 远优于当前的 $\mathcal{O}(n^2)$ 。

2. 优化代码结构

通过重新组织代码结构,可以减少不必要的变量和数据结构的使用。例如,使用全局变量或传递引用来避免在递归中传递大量参数。

3. 避免使用 unordered_map

对于树这种结构,节点编号连续且有限,可以使用简单的数组来存储深度信息,代替 unordered_map,提高访问效率。

优化后的代码实现

基于上述优化建议,以下是优化后的 C++ 代码实现: #include <vector> #include <queue> #include <algorithm> using namespace std; class Solution { public: // BFS to find the farthest node and its distance from the start node pair<int, int> bfs(int start, const vector<vector<int>>> &adj) { int n = adj.size();vector < int > dist(n, -1);queue<int> q; q.push(start); dist[start] = 0;int farthest_node = start; $int \max dist = 0;$ **while** (!q.empty()) { int node = q. front(); q. pop();for (auto &neighbor : adj[node]) { if (dist[neighbor] = -1) { dist[neighbor] = dist[node] + 1;q.push(neighbor); if (dist[neighbor] > max_dist) { max_dist = dist[neighbor]; farthest_node = neighbor; } } } return {farthest_node, max_dist}; } // Function to compute the diameter of a tree using double BFS int treeDiameter(const vector<vector<int>>> &adj) { // First BFS to find one end of the diameter pair < int, int > first = bfs(0, adj);// Second BFS from the farthest node found in the first BFS pair < int, int > second = bfs(first.first, adj); return second.second;

```
\mathbf{int} \hspace{0.2cm} \mathbf{minimumDiameterAfterMerge} \hspace{0.1cm} (\hspace{0.1cm} \mathbf{vector} \hspace{0.1cm} \hspace{0.1cm} \hspace{0.1cm} \hspace{0.1cm} \hspace{0.
                                                                                                                     vector<vector<int>>> &edges2) {
               // Number of nodes in each tree
               int n = edges1.size() + 1;
               int m = edges2.size() + 1;
              // Build adjacency lists
               vector < vector < int >> adj1(n, vector < int >());
               vector < vector < int >> adj2(m, vector < int >());
               for (auto &edge : edges1) {
                               adj1 [edge [0]].push_back(edge [1]);
                              adj1 [edge [1]].push_back(edge [0]);
               }
               for (auto &edge : edges2) {
                               adj2 [edge [0]].push_back(edge [1]);
                               adj2 [edge [1]].push_back(edge [0]);
               }
               // Compute diameters of both trees
               int diameter1 = treeDiameter(adj1);
               int diameter2 = treeDiameter(adj2);
              // To minimize the diameter after merging,
              // connect the centers of both trees
               // However, for simplicity, we can consider
              // that the new diameter is the maximum of:
               // - diameter1
              // - diameter2
               // - (ceil(diameter1/2) + ceil(diameter2/2) + 1)
               // This is based on the property that connecting
               // two trees via their centers minimizes the diameter.
              // Find the radius (ceil(diameter / 2)) of both trees
               int radius1 = (diameter1 + 1) / 2;
               int radius2 = (diameter2 + 1) / 2;
              // The new diameter after merging
               int new\_diameter = max(\{diameter1, diameter2, radius1 + radius2 + 1\});
               return new_diameter;
```

}

};

优化说明

1. 使用双 BFS 计算直径

- 第一步: 从任意节点 (如节点 0) 开始 BFS, 找到距离起始节点最远的节点 u。
- 第二**步**: 从节点 u 开始 BFS,找到距离 u 最远的节点 v,此时 u 到 v 的距离即为树的直径。 这种方法的时间复杂度为 $\mathcal{O}(n)$,显著优于原算法的 $\mathcal{O}(n^2)$ 。

2. 简化数据结构

- 使用简单的数组 vector<int> 代替 unordered_map, 提高访问效率。
- 通过直接传递引用,避免在递归中传递大量参数。

3. 减少不必要的变量

- 移除 min1, min2, d1, d2 等不必要的变量, 简化逻辑。
- 直接通过计算半径来推导合并后的直径,减少计算步骤。

时间复杂度分析

优化后的算法主要包括以下部分:

- 1. **构建邻接表**: $\mathcal{O}(n+m)$, 其中 n 和 m 分别是两棵树的节点数。
- 2. **计算直径**: 每棵树使用双 BFS, 时间复杂度为 $\mathcal{O}(n)$ 和 $\mathcal{O}(m)$ 。
- 3. 计算合并后直径: $\mathcal{O}(1)$ 。

因此, 总时间复杂度为 $\mathcal{O}(n+m)$, 远优于原始算法的 $\mathcal{O}(n^2+m^2)$ 。

算法优缺点

优点

- **高效性**: 时间复杂度由 $\mathcal{O}(n^2+m^2)$ 降低到 $\mathcal{O}(n+m)$, 大幅提高了算法效率。
- 简洁性: 简化了代码结构, 去除了不必要的变量和数据结构, 使代码更易于理解和维护。
- 空间优化:减少了空间占用,避免了使用 unordered_map 带来的额外空间开销。

缺点

- **适用性限制**:该优化方法基于树的性质,仅适用于无环连通图(树)。对于其他图结构,需采用不同的算法。
- **假设中心连接**: 为了最小化合并后的直径,假设连接两棵树的中心节点。但在实际情况中,可能需要更复杂的处理以进一步优化。

总结

通过采用双 BFS 方法计算树的直径,并优化数据结构和算法逻辑,可以显著提升原始解答的效率和简洁性。优化后的算法不仅减少了时间和空间复杂度,还提高了代码的可读性和可维护性,是处理此类树结构问题的有效方法。