第二次作业

李子龙

上海交通大学 计算机科学与工程系

logcreative@outlook.com

1 PCA

1.1 特征值分解

Algorithm 1: 特征值分解 PCA

Input: 数据集 $\mathbf{X} = \{\mathbf{x}_1, \mathbf{x}_2, \cdots, \mathbf{x}_N\}, \mathbf{x}_t \in \mathbb{R}^{n \times 1}$

Output: 主成分 w

- 1 计算平均值 $\mu \leftarrow \frac{1}{N} \sum_{i=1}^{N} \mathbf{x}_i$;
- 2 foreach $i \leftarrow 1 \ to \ N$ do
- $\mathbf{x}_i \leftarrow \mathbf{x}_i \mu;$
- 4 计算散度矩阵 $C \leftarrow XX^T$;
- 5 特征值分解求 C 的特征值 $\lambda_1 \geq \lambda_2 \geq \cdots \geq \lambda_n$ 与对应的特征向量 $\mathbf{v}_1, \mathbf{v}_2, \cdots, \mathbf{v}_n$;
- 6 选取最大的特征值对应的特征向量与数据的乘积即为主成分 $\mathbf{w} \leftarrow \mathbf{v_1}^T \mathbf{X}$;
- 7 return w;

优点

- 1. 简单易实现。
- 2. 解除线性相关。

缺点

- 1. 需要的内存大,需要先计算散度矩阵,当样本数量很大时,这一步消耗的时间 复杂度比较高。
- 2. 计算散度矩阵这一步在数据量较少时可能会丢失精度。
- 3. 只能压缩一个方向(行或列)。

1.2 奇异值分解

Algorithm 2: 奇异值分解

Input: 数据集 $\mathbf{X} = \{\mathbf{x}_1, \mathbf{x}_2, \cdots, \mathbf{x}_N\}, \mathbf{x}_t \in \mathbb{R}^{n \times 1}$

Output: 主成分 w

- 1 计算平均值 $\mu \leftarrow \frac{1}{N} \sum_{i=1}^{N} \mathbf{x}_i$;
- 2 foreach $i \leftarrow 1 \ to \ N$ do
- $\mathbf{x}_i \leftarrow \mathbf{x}_i \mu;$
- 4 奇异值分解 $X = U\Sigma V^T$:
- $_{5}$ 两边同乘 \mathbf{U}^{T} , $\mathbf{U}^{T}\mathbf{X} = \Sigma \mathbf{V}^{T}$ 得到压缩数据;
- 6 选取 ΣV^T 中最大的那一个奇异值(习惯上应为左上角的值)对应的向量(一般为 第一行)即为主成分w;
- 7 return w;

优点

- 1. 可以直接对非方阵 \mathbf{X} 进行奇异值分解,而特征值分解需要分解方阵 $\mathbf{X}\mathbf{X}^T$ 。可 免去计算 XX^T 的中间步骤。
- 2. 计算奇异值已经有快速地数值算法,在需要在时间空间与精度直接抉择时,可 以选择后者直接取出较大的奇异值,精度上的折中是可以接受的。
- 3. 既能压缩行又能压缩列。

缺点

- 1. SVD 算法需要实现,算法实现难度比特征值分解大。
- 2. 分解后的矩阵缺少可解释性。

2 FA

$$p(\mathbf{y}|\mathbf{x}) = \frac{p(\mathbf{x}|\mathbf{y})p(\mathbf{y})}{p(\mathbf{x})}$$
(2.1)

$$= \frac{G(\mathbf{x}|\mathbf{A}\mathbf{y} + \mu, \boldsymbol{\Sigma}_e)G(\mathbf{y}|0, \boldsymbol{\Sigma}_y)}{p(\mathbf{A}\mathbf{y} + \mu + \mathbf{e})}$$

$$= \frac{G(\mathbf{x}|\mathbf{A}\mathbf{y} + \mu, \boldsymbol{\Sigma}_e)G(\mathbf{y}|0, \boldsymbol{\Sigma}_y)}{G(\mathbf{y}|\mu + \mu_e, \mathbf{A}\boldsymbol{\Sigma}_y \mathbf{A}^T + \boldsymbol{\Sigma}_e)}$$
(2.2)

$$= \frac{G(\mathbf{x}|\mathbf{A}\mathbf{y} + \mu, \boldsymbol{\Sigma}_e)G(\mathbf{y}|0, \boldsymbol{\Sigma}_y)}{G(\mathbf{y}|\mu + \mu_e, \mathbf{A}\boldsymbol{\Sigma}_y \mathbf{A}^T + \boldsymbol{\Sigma}_e)}$$
(2.3)

公式 (2.1) 采用了贝叶斯规则,公式 (2.2) 采用了已知条件,公式 (2.3) 由下面的方式推导:

$$E(\mathbf{x}) = E(\mathbf{A}\mathbf{y} + \mu + \mathbf{e})$$

$$= 0 + \mu + E(\mathbf{e})$$

$$= \mu + \mu_e$$

$$Cov(\mathbf{x}) = Cov(\mathbf{A}\mathbf{y} + \mu + \mathbf{e})$$

$$= E((\mathbf{A}\mathbf{y} + \mu + \mathbf{e} - E(\mathbf{x}))(\mathbf{A}\mathbf{y} + \mu + \mathbf{e} - E(\mathbf{x}))^T)$$

$$= E((\mathbf{A}\mathbf{y} + (\mathbf{e} - \mu_e))(\mathbf{A}\mathbf{y} + (\mathbf{e} - \mu_e))^T)$$

$$= E(\mathbf{A}\mathbf{y}\mathbf{y}^T\mathbf{A}^T + \mathbf{A}\mathbf{y}(\mathbf{e} - \mu_e) + (\mathbf{e} - \mu_e)(\mathbf{A}\mathbf{y})^T + (\mathbf{e} - \mu_e)(\mathbf{e} - \mu_e)^T)$$

$$= \mathbf{A}\mathbf{\Sigma}_{u}\mathbf{A} + \mathbf{\Sigma}_{e}$$

而公式(2.3)就是答案。

3 ICA

如果 \mathbf{s} 被分解为两个高斯分布 $N(0,\mathbf{I})$,那么 \mathbf{s} 也将满足高斯分布。接收信号(作为源信号的线性组合) $\mathbf{x} = \mathbf{A}\mathbf{s}$ 也将是高斯分布, $E(\mathbf{s}_i^2) = 1$ 。这将导致

$$E(\mathbf{x}) = 0$$

$$E(\mathbf{x}\mathbf{x}^T) = E(\mathbf{A}\mathbf{s}\mathbf{s}^T\mathbf{A}^T) = \mathbf{A}\mathbf{A}^T$$

如果对 \mathbf{A} 右乘一个正交矩阵 \mathbf{C} 得到 $\mathbf{A}' = \mathbf{AC}$,那么得到的新接收信号 $\mathbf{x}' = \mathbf{A}'\mathbf{s}$ 也将是高斯分布, $\mathbf{CC}^T = \mathbf{I}$,而且

$$E(\mathbf{x}') = 0$$

$$E(\mathbf{x}'(\mathbf{x}')^T) = E(\mathbf{ACss}^T(\mathbf{AC})^T) = \mathbf{ACC}^T\mathbf{A}^T = \mathbf{AA}^T$$

将无法通过不同的混淆矩阵来区分信号,也就无法预测 \mathbf{A} 的信息,也就无法通过接收信号分离出源信号的信息。

另一方面,中心极限定理告诉我们,多个独立的自由变量之和近似服从高斯分布。考 虑最后的复原过程

$$\mathbf{y} = \mathbf{w}^T \mathbf{x} = \mathbf{w}^T \mathbf{A} \mathbf{s} = \mathbf{z}^T \mathbf{s}$$

这样 y 就会变成 s_i 的线性组合,它将比任何一个分量都接近于高斯,这种复原结果将与之前的源分量不应当高斯相违背,所以要寻找 w 最大化该式的非高斯性。

所以对于希望分解为独立分量的 ICA 来说,最大化非高斯性是其原则之一。

4 FA 降维

4.1 数据生成

数据生成代码见 src/datagen.py, 这里我们固定 $\mu = 0$, 数据使用下面的方法生成:

$$\mathbf{y}_t \sim G(\mathbf{y}|0, \mathbf{I})$$

 $\mathbf{e}_t \sim G(\mathbf{e}|0, \sigma^2 \mathbf{I})$
 $\mathbf{x}_t = \mathbf{A}\mathbf{y}_t + \mathbf{e}_t$

其中 A 随机选取于 $G(0, \mathbf{I})$, 由数据生成开始时随机生成并固定。

4.2 模型选择

采用 sklearn.decomposition 中的 FactorAnalysis 进行分析,采用"二步法":

$$\begin{split} m^* &= \arg\max_{m=1,\cdots,M} J(m) \\ J_{\text{AIC}}(m) &= \ln\left[p(X|\hat{\Theta}_m)\right] - d_m \\ J_{\text{BIC}}(m) &= \ln\left[p(X|\hat{\Theta}_m)\right] - \frac{\ln N}{2} d_m \end{split}$$

其中对于 FA 的自由参数个数

$$d_m = nm + 1 - (1 + 2 + \dots + m) = nm + 1 - \frac{m(m-1)}{2}$$

4.3 测试结果

测试将对每一对指标取 10 个随机种子计算预测出的 \hat{m} 与真实 m 的差别,使用公式 4.1 计算得分,这个公式将会显示出平均而言是预测高了还是预测低了,这个值越接近于 0 越好。

$$Score = \frac{\hat{m} - m}{m} \tag{4.1}$$

如图 1 所示,对于不同的 (n,m) 二元组,在 m 比较大 n 比较小时(左下角),AIC 和BIC 预测表现都比较差,但是 AIC 略胜一筹,而 m比较小和 n 比较大的时候(右上

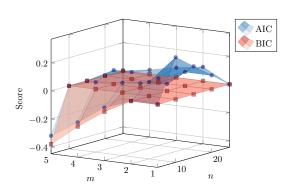


图 1: n-m 平均得分统计图

表 1: 参数范围

类型	范围
n m 随机种子个数	[5,10,15,20,25] [1,2,3,4,5] 10
样本数量 N 噪声方差 σ^2	200 0.1

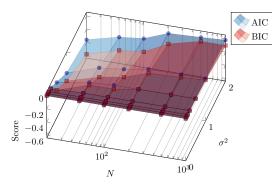


图 2: $N-\sigma^2$ 平均得分统计图

表	2:	参数范	丰
1	4.	2 XX 10	14

类型	范围
样本数量 N 噪声方差 σ^2	[20, 50, 100, 200, 500, 1000] [0, 0.05, 0.1, 0.2, 0.5, 1, 2]
随机种子个数	10
n	10
m	5

角),BIC 表现就比较好,AIC 往往会预测得略高一些。可见 AIC 更适合因素较多的时候,而 BIC 更适合因素单一的情况。

如图 2 所示,对于不同的 (N, σ^2) 二元组,在这个范围内,AIC 都要比 BIC 要好一些(主要是 m 比较大,在上一点已论证),而样本数量越少,噪声越大(左上角),两者表现就会越差,会预测出较少的因素,BIC 的表现会下降得更快一些。

4.4 模型选择小结

单一元素情况,BIC 更好一些;多元情况,AIC 更好一些。样本数量越多,噪声越小,模型选择的表现就越好。