# 第一次作业

### 李子龙

上海交通大学 计算机科学与工程系

logcreative@outlook.com

## 1 k-mean 算法

证明. 对两步分别证明。

(a)  $\mathbf{E}$  步 如果将每一个点  $x_n$  赋予类  $k_n'$  使得其相对于其他所有的类最近,即

$$||x_n - \mu_{k'_n}|| = \min_k ||x_n - \mu_k||$$

就意味着它将比上一次赋予的类  $k_n$  在现在的这种聚类分布下距离不会增加:

$$||x_n - \mu_{k'_n}|| \le ||x_n - \mu_{k_n}||$$

那么在对这个点求和的时候,根据指示函数  $r_{nk}$  的定义,该项也不会增加:

$$j_n = \sum_{k=1}^K r'_{nk} ||x_n - \mu_k||^2 \le \sum_{k=1}^K r_{nk} ||x_n - \mu_k||^2$$

这里

$$r_{nk} = \begin{cases} 1, & x_n 属于类 k; \\ 0, & 其他情况. \end{cases}$$

那么损失函数也不会增加:

$$J(\mu_1, \dots, \mu_K) = \sum_{n=1}^{N} j_n$$
 (1.1)

(b) M 记每个聚类 k 内的点损失函数贡献值为

$$j_k = \sum_{n=1}^{N} r_{nk} ||x_n - \mu_k||^2$$
 (1.2)

求和可以交换,损失函数改写为

$$J(\mu_1, \dots, \mu_K) = \sum_{k=1}^K j_k$$
 (1.3)

将用引理1证明,使用聚类内点的平均点作为新的聚类点将不会增加该项。

引理1(距离平方和最小). 当 $\mu$ 是所有数据点的均值时, 距离平方和

$$f = \sum_{t=1}^{N} \|\mu - x_t\|^2 \tag{1.4}$$

最小。

证明. 将公式 (1.4) 改写

$$f = \sum_{t=1}^{N} \|\mu - x_t\|^2$$

$$= \sum_{t=1}^{N} (\mu - x_t)^T (\mu - x_t)$$

$$= \sum_{t=1}^{N} (\mu^T \mu - 2x_t^T \mu + x_t^T x_t)$$

对其求导,

$$\frac{\partial f}{\partial \mu} = \sum_{t=1}^{N} (2\mu^T - 2x_t^T) = 0$$

$$\mu = \frac{1}{N} \sum_{t=1}^{N} x_t$$
(1.5)

公式 (1.5) 表明当  $\mu$  是所有数据点的均值时,导数为 0,距离平方和最小。  $\Box$ 

由于对于每一类而言,公式 (1.2) 都不会增加,而类别指示函数  $r_{nk}$  不会改变,所以损失函数 (1.3) 不会增加。

## 2 k-mean 与 GMM 之间

解. 为了将 GMM 退化为 k-mean,需要对 GMM 有三个方面的特殊化处理:

$$\pi_k = \frac{1}{K} \tag{2.1}$$

$$\Sigma = I \tag{2.2}$$

$$p(k|x_n) = \begin{cases} 1, & \text{如果 } k = \arg\max_k \mathcal{N}(x_n|\mu_k, \Sigma_k) \\ 0, & \text{其他情况.} \end{cases}$$
 (2.3)

公式 (2.1) 是混合权重的归一,公式 (2.2) 是协方差一致使得其只计算欧氏距离,公式 (2.3) 是硬赋值只取可能性最大的那个聚类 k。

为了得到其中一个中间变种,这里我们只退化 (2.1),使 GMM 中的  $\pi_k = \frac{1}{K}$ ,就可以得到一个更加一般的带方差项软赋值的 k-mean 算法 1。此时的对数似然值定义为

$$\ln p(\boldsymbol{X}|\boldsymbol{\mu}, \boldsymbol{\Sigma}) = \sum_{n=1}^{N} \left[ -\ln K + \ln \sum_{k=1}^{K} \mathcal{N}(\boldsymbol{x}_{n}|\boldsymbol{\mu}_{k}, \boldsymbol{\Sigma}_{k}) \right]$$
(2.4)

优点 这种算法可以很好地拓展 k-mean 算法, 使其能够具有方差项 (引入高斯分布), 并且软赋值可以更好地考虑多个聚类。

缺点 这种算法无疑增加了一定的计算量。

# Algorithm 1: 含方差软赋值的 k-mean 算法

Input: 数据点  $X = \{x_n\}_{n=1}^N$ , 聚类数目 K

Output: 聚类的分类结果  $\mu_i, \Sigma_i, \forall j \in \mathbb{N} \cap [1, K]$ 

1 初始化均值矩阵  $\mu_k$ , 协方差矩阵  $\Sigma_k$ , 根据公式 (2.4) 初始化对数似然值;

#### 2 repeat

$$\begin{array}{c|c} \textbf{for } n \leftarrow 1 \ to \ N \ \textbf{do} \\ \hline \textbf{for } k \leftarrow 1 \ to \ K \ \textbf{do} \\ \hline \textbf{5} \\ \hline \\ \hline \textbf{for } k \leftarrow 1 \ to \ K \ \textbf{do} \\ \hline \\ \textbf{7} \\ \hline \end{array}$$

$$\mu_{k}^{(t+1)} \leftarrow \frac{\sum_{n=1}^{N} \gamma_{nk}^{(t)} \boldsymbol{x}_{n}}{\sum_{n=1}^{N} \gamma_{nk}}$$

$$\boldsymbol{\Sigma}_{k}^{(t+1)} \leftarrow \frac{\sum_{n=1}^{N} \gamma_{nk}^{(t)} (\boldsymbol{x}_{n} - \boldsymbol{\mu}_{k}^{(t+1)}) (\boldsymbol{x}_{n} - \boldsymbol{\mu}_{k}^{(t+1)})^{T}}{\sum_{n=1}^{N} \gamma_{nk}}$$
(2.6)

$$\Sigma_k^{(t+1)} \leftarrow \frac{\sum_{n=1}^N \gamma_{nk}^{(t)} (\boldsymbol{x}_n - \boldsymbol{\mu}_k^{(t+1)}) (\boldsymbol{x}_n - \boldsymbol{\mu}_k^{(t+1)})^T}{\sum_{n=1}^N \gamma_{nk}}$$
(2.7)

- 8 until 公式 (2.4) 中的值没有明显变化;
- 9 return  $\mu, \Sigma$

### 3 k-mean 与 CL

#### 3.1 k-mean 与 CL 的比较

见表 1。以及,如果将 k-mean 按照 CL 的方法以在线版本的视角去看,可以看到两者 在公式上的联系。

对于一个聚类 k 的前 N 个数据点,获得该聚类的均值点

$$\mu_k^{(N)} = \frac{1}{N} \sum_{n=1}^{N} x_n \tag{3.1}$$

表 1: k-mean 与 CL 的比较

	k-mean	CL
算法类型	批学习算法	在线学习算法
超参数	不需要	需要学习率 $\eta$
更新方法	每次需要遍历	每次只更新一个点
复杂度	高	相对低
聚类数目	无法决定	
初始化	收敛速度依赖初始化	

如果该聚类在下一轮后多了一个点,那么更新该聚类的均值点后

$$\mu_k^{(N+1)} = \frac{1}{N+1} \sum_{n=1}^{N+1} x_n$$

$$= \frac{1}{N+1} \left( N \mu_k^{(N)} + x_{N+1} \right)$$

$$= \mu_k^{(N)} + \frac{1}{N+1} \left( x_{N+1} - \mu_k^{(N)} \right)$$
(3.2)

对比与 CL 的更新公式

$$\mu_k^{(N+1)} = \mu_k^{(N)} + \eta p_{k,n} \left( x_{N+1} - \mu_k^{(N)} \right)$$
(3.3)

这里

$$p_{k,n} = \begin{cases} 1, & \text{mff } k = \arg\min_{j} \|x_n - \mu_k\|^2 \\ 0, & \text{fight}. \end{cases}$$
(3.4)

可见公式 (3.2) 是公式 (3.3) 在  $\eta = \frac{1}{N+1}$  和该点被选中时  $p_{k,n} = 1$  的特殊情形。

#### 3.2 RPCL 版本的 k-mean

RPCL 改变了公式 (3.4) 使其疏远竞争点

$$p_{k,n} = \begin{cases} 1, & \text{ uph } k = c = \arg\min_{j} \|x_n - \mu_k\|^2 \\ -\gamma, & \text{ uph } k = r = \arg\min_{j \neq c} \|x_n - \mu_k\|^2 \\ 0, & \text{ inhereoney} \end{cases}$$
(3.5)

这里 $\gamma$ 为可变参量,一般范围是[0.05,0.1]。

在第 3.1 节我们了解到 k-mean 是 CL 的一个特殊情形,为了将 RPCL 适配 k-mean,将 公式 (3.5) 适配进去,得到算法 2。这个算法每次会进行批量运算,但会增加移开竞争 对手的这个过程。

#### 3.3 训练结果

生成数据的细节见第 4.1 节,设定生成参数样本总量 N=1000,随机种子 20。

# Algorithm 2: RPCL 版本的 k-mean 算法

```
Input: 数据点 X = \{x_n\}_{n=1}^N,最大聚类数目 K,疏远参量 \gamma
   Output: 聚类的分类结果 \mu_i, \forall j \in \mathbb{N} \cap [1, K]
ı 初始化均值 \mu_k,学习率 \eta = 0.01K;
2 repeat
         for n \leftarrow 1 to N do
              计算到每个聚类的距离E = \{ \|x_n - \mu_k\| \}_{k=1}^K;
              c \leftarrow \arg\min_{k} \mathbf{E}, r \leftarrow \arg\min_{k \neq c} \mathbf{E};
              for k \leftarrow 1 to K do
                  按照公式 (3.5) 计算 p_{k,n};
         for k \leftarrow 1 to K do
8
              if 聚类 k 不包含任何点 then
                    本轮结束移除聚类 k;
10
              else
11
12
                              \begin{aligned} \boldsymbol{\mu}_k^{(t)} &= \frac{\sum_n p_{k,n} \boldsymbol{x}_n}{\sum_n p_{k,n}} & \forall n : p_{k,n} = 1 \\ \boldsymbol{\mu}_k^{(t+1)} &= \boldsymbol{\mu}_k^{(t)} + \eta \sum_n p_{k,n} \left( \boldsymbol{x}_n - \boldsymbol{\mu}_k^{(t)} \right) & \forall n : p_{k,n} < 0 \end{aligned}
                                                                                                                                (3.6)
                                                                                                                               (3.7)
```

if 聚类数目有变动 then

14 衰减学习率;

/\* 防止早期学习率过高 \*/

按时间阶梯衰减学习率;

/\* 防止末期学习率过高 \*/

16 until  $\mu_k$ 没有明显变化;

17 return  $\mu$ ;

训练代码见 src/rpclk.py。

如图 1(a),对于 K=3 的等量聚类,可以较好地分类。如图 1(b),对于 K=12 的余量聚类,较小的  $\gamma$  可能会导致不好的结果,这种没有办法完全竞争的情形可以通过调高  $\gamma$  如图 1(c) 实现。

请注意,由于 k-mean 和 RPCL 算法都依赖于初始化,所以分类结果的好坏也会与初始 化相关。RPCL 化后一定程度上可以减少聚类数目至期望值。

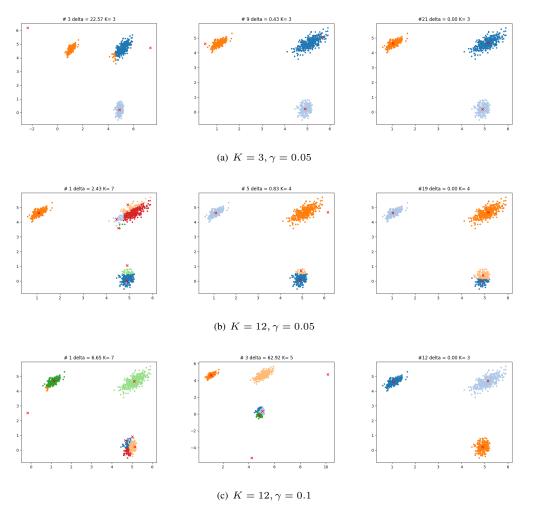


图 1: RPCL 版本的 k-mean 算法训练结果

# 4 GMM 模型选择

# 4.1 生成 GMM 数据

对于 L 维、K 个子模型的高斯混合模型(GMM),其概率密度函数定义为

$$p(\boldsymbol{x}) = \sum_{k=1}^{K} w_k \mathcal{N}(\boldsymbol{x}|\boldsymbol{\mu}_k, \boldsymbol{\Sigma}_k)$$
 (4.1)

其中

$$\sum_{k=1}^{K} w_k = 1 (4.2)$$

算法 3 展示了通过随机化参量、多项分布获得每个子模型的样本数、多维高斯分布采样得到 GMM 的过程 [1]。生成数据代码见 src/datagen.py。

## Algorithm 3: 生成 GMM 数据

- 1 如果指定随机种子,则初始化随机种子;
- 2 随机生成权重  $w_k$ , 归一化以满足公式 (4.2) 中的条件;
- 3 借助 numpy 库生成随机的  $K \uparrow L \times (K+1)$  矩阵,计算协方差矩阵作为 GMM 数据的随机参量  $\Sigma_k$  (这一步主要为了保证协方差矩阵的对称正定<sup>[2]</sup>),对于均值  $\mu_k$  直接随机坐标并扩大 2K 倍以保持一定的距离;
- 4 通过多项分布得到每个子模型的样本数  $N_k$ ;
- 5 对每个子模型通过多维高斯模型采样对应的样本数次数,合并得到全部的样本;

#### References

- [1] 派大西. 高斯混合模型(GMM): 样本生成与参数估计.py[EB/OL]. 2021. https://zhuanlan.zhihu.com/p/411925257.
- [2] NumPy Developers. numpy.random.multivariate\_normal—numpy v1.23.dev0 manual [M/OL]. 2022. https://numpy.org/devdocs/reference/random/generated/numpy.random. multivariate\_normal.html.