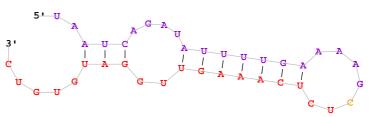
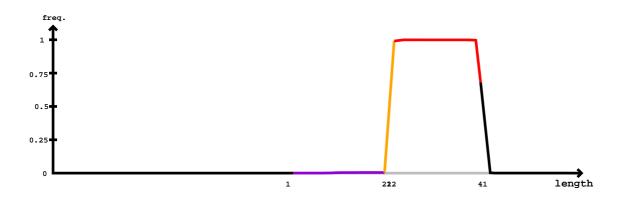
$Provisional\ ID \\ : NC\_058078.1\_A cropora\_millepora\_isolate\_JS-1\_chromosome\_13\_A mil\_v2.1\_whole\_genome\_shotgun\_sequence\_502316$ 

2275.5 Score total Score for star read(s) 3.9 2272.4 Score for read counts -3.7 Score for mfe Score for randfold 0 Score for cons. seed 3 Total read count 4469 4468 Mature read count Loop read count 0 Star read count 1





5'- uguuaguaaacuuuaguucaccgcaauuagagucauuauaagagaggauaaucagauauuuugaaaag<mark>cucucaaaguuggaugugc</mark>caaggucucagcucggcuau

## Star Mature

uguuaguaaacuuuaguucaccgcaauuagagucauuauaagagaggauaaucagauauuuugaaaag <mark>cucucaaaguuggaugugucc</mark> aaggucucagcucggcuau	exp		
((((((((((((((((((((((((((((((((	reads	mm	sample
uaGucagauauuuugaaaag	1	1	seq
uaaucagauauuuugaaaagcucucaa	1	0	seq
auauuuugaaaagcucucaaaguuggaugu	3	0	seq
uauuuugaaaagcucucaaaguuggaugug	2	0	seq
auuuugaaaagcucucaaaguuggGugug	1	1	seq
auuuugaaaagcucucaaaguuggaugugu	7	0	seq
auuuugaaaagcucucaaaguuggaugugG	1	1	seq
uuuugaaaagcucucaaaguuggaugugC	1	1	seq
uuuugaaaagcucucaaaguuggaugugu	1	0	seq
uuugaaaagcucucaaaguuggaugugGc	1	1	seq
gaaaagcucucaaaguuggauguguU	2	1	seq
.cucucaaaguuggaugugu	1	1	seq
.cucucaaaguuggaugugucA	1	1	seq
ucucaaaguuggauAug	3	1	seq
ucucaaaguuggaugug	3	0	seq
ucucaaaguuggaugugu	1200	0	seq
ucCcaaaguuggaugugu	5	1	seq
ucucaaaguuggauAugu	56	1	seq
ucucaaaguuggauguAu	4	1	seq
ucucaaaguuggaugugG	32	1	seq
ucucaaaguuggGugugu	6	1	seq
ucucaaaguCggaugugu	3	1	seq
ucucaaaguuggaugGgu	2	1	seq
ucucaaaguuggauguCu	4	1	seq
ucucaaaguuggaCgugu	3	1	seq
ucucaaaguuggaugugh	75	1	seq
ucucaaaguuggaugAgu	1	1	seq
ucucGaaguuggaugugu.	15	1	seq
ucucaaaguuggauguUu	1	1	seq
ucucaaCguuggaugugu	1	1	seq
ucucaaaguuggaugCgu	4	1	seq
ucucaaaguuggGuguguc	4	1	seq
ucGcaaaguuggauguguc	4	1	seq

## Star Mature

	Star	Mature			
uguuaguaaacuuuaguucaccgcaauuagagucauuauaagagag	gauaaucagauauuuugaaaa	g <mark>cucucaaaguuggauguguc</mark> caaggucucagcucggcuau			
	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	ucucaaaCuuggauguguc	1	1	seq
	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	ucucaaagAuggauguc	1	1	seq
	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	ucucaaaguAggauguguc	1	1	seq
	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	ucucaaaguuggauguCuc	9	1	seq
	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	ucucaaaguuggaugCguc	4	1	seq
	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	ucucaaaguuggaugAguc	1	1	seq
	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	ucAcaaaguuggauguguc	2	1	seq
	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	ucucaaaguuggaGguguc	1	1	seq
	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	ucucaaaguuggaugugGc	1	1	seq
	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	ucucaaaguuggaugugAc	2	1	seq
•••••		ucucaaaguuggauCuguc	1	1	seq
	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	ucucaaaguuggauguguc	568	0	seq
	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	ucucaaaguuggauguAuc	1	1	seq
	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	ucucaaaguuggauAuguc	23	1	seq
	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	ucucaaaguCggauguguc	7	1	seq
	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	ucucaaaguuggaCguguc	1	1	seq
	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	ucucaUaguuggauguc	1	1	seq
	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	ucucaaaguuggauguguG	28	1	seq
	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	ucucGaaguuggauguc	9	1	seq
	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	ucCcaaaguuggauguc	3	1	seq
	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	ucucaaaguuggauguguA	1588	1	seq
	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	ucucUaaguuggauguc	1	1	seq
	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	ucCcaaaguuggaugucc	1	1	seq
	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	ucucaaaguuggaugugucG	17	1	seq
	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	ucucaaaguuggauguguAc	27	1	seq
	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	ucucGaaguuggaugucc	1	1	seq
	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	ucucaaaguuggaugugucc	37	0	seq
	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	ucucaaaguuggauguguGc	1	1	seq
	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	ucucaaaguuggaugugucU	141	1	seq
	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	ucucaaaguuggaugugucA	512	1	seq
	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	ucucaaaguuggaugugucUa	7	1	seq
	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	ucucaaaguuggauguguccU	1	1	seq
	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	ucucaaaguuggaugugucAa	1	1	seq
	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	cucaaaguuggauguc	8	0	seq
	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	cucaaaguuggauguguA	5	1	seq
	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	cucaaaguuggauguguAc	3	1	seq
	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	cucaaaguuggaugugucU	1	1	seq
	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	cucaaaguuggGugugucc	1	1	seq
		cucaaaguuggaugugucA	2	1	seq
	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	ucaaaguuggaugugucA	11	1	seq
	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	ucaaaguuggaugucc	3	0	seq
	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	ucaaaguuggaugugucU	5	1	seq
	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	ucaaaguuggaugugucAa	1	1	seq
		caCggucucagcucggcu	2	1	seq