# 人工智能及其应用实验报告

# 花国栋

# 2023年1月13日

# 目录

1	实验	<b>治介</b>	2
	1.1	实验目的	2
	1.2	实验要求	2
	1.3	研究方法	2
	1.4	数据集介绍	2
	1.5	技术工具	2
2	实验	步骤及算法简述	3
	2.1	导入实验相关库	3
	2.2	读取数据	3
	2.3	拆分特征列与目标列	3
	2.4	划分训练集与测试集	3
	2.5	PCA 降维	3
	2.6	归一化	4
	2.7	网格搜索 & 交叉验证来最优化 SVM 模型	4
	2.8	结果展示	5
	2.9	PR 曲线绘制	5
3	结果	ый размента и при на при н На при на пр	6
4	实验	<b>源码</b>	7

1 实验简介 2

### 1 实验简介

#### 1.1 实验目的

- 1. 掌握 python 的基础数学操作与科学计算库。
- 2. 学习数据预处理的各种基本方法。
- 3. 了解 SVM 与 PCA 原理,掌握实际的代码应用以及如何优化超参数。

#### 1.2 实验要求

选取合适的算法对给定的数据集训练与测试,进行参数优化,计算算法评价的指标。

#### 1.3 研究方法

首先读取数据,然后统计缺失值,本实验中无缺失值,故接下来拆分特征列与目标列,然后进行数据集划分,其中训练集占比 80%,测试集占比 20%,接着对特征进行 PCA 降维,然后进行数据的归一化,最后构建 SVM 分类模型,通过网格搜索与 10 折交叉验证寻找最佳分类器,接着再用最佳分类器在测试集上测试,使用混淆矩阵与分类报告进行算法模型的分类效果的评估。

#### 1.4 数据集介绍

该数据集一共有11个特征值和一个目标值,共1599组,分别为:

1-固定酸度 2-挥发性酸度 3-柠檬酸 4-残留糖 5-氯化物 6-游离二氧化硫 7-总二氧化硫 8-密度 9-pH 10-硫酸盐 11-醇 12-质量

	fixed acidity	volatile acidity	citric acid	residual sugar	chlorides	free sulfur dioxide	total sulfur dioxide	density	pН	sulphates	alcohol	quality
0	7.4	0.70	0.00	1.9	0.076	11.0	34.0	0.9978	3.51	0.56	9.4	5
1	7.8	0.88	0.00	2.6	0.098	25.0	67.0	0.9968	3.20	0.68	9.8	5
2	7.8	0.76	0.04	2.3	0.092	15.0	54.0	0.9970	3.26	0.65	9.8	5
3	11.2	0.28	0.56	1.9	0.075	17.0	60.0	0.9980	3.16	0.58	9.8	6
4	7.4	0.70	0.00	1.9	0.076	11.0	34.0	0.9978	3.51	0.56	9.4	5

图 1: 数据前五行

#### 1.5 技术工具

- Python 版本 3.9.15
- 代码编辑器 Visual Studio Code
- 虚拟环境配置工具 Anaconda
- 辅助工具 Jupyter Notebook

### 2 实验步骤及算法简述

#### 2.1 导人实验相关库

```
import pandas as pd
import numpy as np
from sklearn.preprocessing import MinMaxScaler
from sklearn import svm
from sklearn.model_selection import train_test_split
from sklearn.model_selection import GridSearchCV
from sklearn.decomposition import PCA
from sklearn.metrics import confusion_matrix,classification_report
from sklearn.metrics import precision_recall_curve
import matplotlib.pyplot as plt
```

#### 2.2 读取数据

使用 pandas 库的 read\_csv() 方法读取数据,并进行是否有缺失值的判断。

```
data=pd.read_csv('winequality-red.csv',sep=';') #从文件中读取data
#print(data.isnull().sum()) #统计有几个缺失值,为0所以不做后续处理
```

#### 2.3 拆分特征列与目标列

从之前数据集的组成可以看到, label=quality 的那一列为目标列, 剩余的则为特征列, 由于 quality 分布区间为 0-10, 分布太广, 且过于细致, 所以将质量分为两个等级: 劣质, 优质。将多分类问题转化为二分类问题, 也有利于缓解因为数据集过少训练出的模型不准确的问题。

```
X = data.drop(labels='quality',axis=1).copy() #X是特征列
y = data['quality'].copy() #y是目标列
for i in range(1599):
y[i]=np.where(y[i]<=5,-1,1)#将Quality大于5为优质,定为1,反之则为劣质,定为-1
```

### 2.4 划分训练集与测试集

用 sklearn 库的 train\_test\_split 的方法按照 8:2 的比例划分训练集与测试集,随机种子 random\_state 设为固定值 0,这是为了让后面的 PCA 降维时对同一划分的数据集进行手动调 参。

```
X_train,X_test,y_train,y_test = train_test_split(X,y,test_size=0.2,random_state=0)
```

#### 2.5 PCA 降维

主成分分析 (Principal Component Analysis,PCA) 算法能够将高维问题简化成低维问题,具有简单、快速,且主成分之间相互正交,可消除原始数据成分间的影响。观察原数据集结合常识直觉,可以发现 pH 与固定酸度、挥发性酸度等都有相关性,故可以借助 PCA 降维,去除噪声和不重要的特征。在 random\_state 不变的情况下,对维度 n\_components 进行手动选择,

可以发现维度在 7 时效果最好,这也符合数学直觉,当维度过低时,特征损失较大,当维度过高时,PCA 效果不明显。

```
pca=PCA(n_components=7)
pca.fit(X_train)
X_train_pca=pca.transform(X_train)
X_test_pca=pca.transform(X_test)
```

#### 2.6 归一化

使用了 sklearn 库的 MinMaxScaler 方法对原始数据进行线性变换,变换到 [0,1] 区间。计算公式为:

$$X_{scaled} = \frac{X - \min}{\max - \min} \left( new_{-} \max - new_{-} \min \right) + new_{-} \min$$
 (1)

```
X_scaler = MinMaxScaler()

X_train_scaled=X_scaler.fit_transform(X_train_pca)

X_test_scaled=X_scaler.transform(X_test_pca)
```

#### 2.7 网格搜索 & 交叉验证来最优化 SVM 模型

分类问题选用 SVM 模型, sklearn 库中的 SVC 方法。支持向量机 (Support Vector Machine,SVM),通俗来讲,它是一种二类分类模型,其基本模型定义为特征空间上的间隔最大的线性分类器,其学习策略便是间隔最大化,最终可转化为一个凸二次规划问题的求解。

在使用 SVM 对数据进行训练的时候,为了使得在模型准确度达到一定的要求的条件下,模型的泛化能力尽量更好,防止在训练过程中模型的过拟合。因此我们需要不断的调整 SVC()方法中 gamma 和 C 的值,并对数据不断地进行交叉验证,以找到合适的 gamma 和 C 的值。

参数 C 的作用: C 是惩罚系数,理解为调节优化方向中两个指标(间隔大小,分类准确度)偏好的权重,即对误差的宽容度。C 越高,说明越不能容忍出现误差,容易过拟合; C 越小,容易欠拟合。C 过大或者是过小,泛化能力都会变差。

参数 gamma 的作用: gamma 是选择 RBF 函数作为 kernel 后,该函数自带的一个参数。 隐含地决定了数据映射到新的特征空间后的分布,gamma 越大,支持向量越少;gamma 越小, 支持向量越多。支持向量的个数影响训练与预测的速度。

网格搜索 (Grid Search) 就是在 C,gamma 组成的二维参数矩阵中, 依次实验每一对参数的效果, 可以得到全局最优。

k 折交叉验证 (K-fold Cross-Validation),将训练集分为 k 份,其中 k-1 份为训练集,剩下一份为验证集,用训练集训练模型,再在验证集上进行测试,获得其在验证集上的 Accuracy,k 次之后取平均。

使用 sklearn 库的 GridSearchCV 方法,进行网格搜索结合 k 折交叉验证获得最好的超参数 gamma 和 C 后,代入模型,将训练集上训练模型。

```
params = {
    'gamma':[0.01, 0.1, 0.5, 1, 2, 10, 100],
    'C': [0.01, 0.1, 0.5, 1, 2, 10, 100]
}
```

```
clf=svm.SVC()#选用SVM模型
grid=GridSearchCV(clf,params,cv=10,n_jobs=-1)
grid.fit(X_train_scaled,y_train)
```

#### 2.8 结果展示

```
y_pred=grid.predict(X_test_scaled)
print('最佳分类器: ',grid.best_estimator_)
print("混淆矩阵\n",confusion_matrix(y_test,y_pred))
print("分类报告\n",classification_report(y_test,y_pred))
```

最佳分类器: SVC(C=2, gamma=100) 混淆矩阵 [[105 43] [ 29 143]] 分类报告							
		precision	recall	f1-score	support		
	-1	0.78	0.71	0.74	148		
	1	0.77	0.83	0.80	172		
асси	ıracy			0.78	320		
macro	avg	0.78	0.77	0.77	320		
weighted	davg	0.78	0.78	0.77	320		

图 2: 分类器在测试集上的混淆矩阵与分类报告

#### 2.9 PR 曲线绘制

PR 曲线中的 P 代表的是 Precision (查准率), R 代表的是 Recall (查全率), 其代表的是精准率与召回率的关系,一般情况下,将 Recall 设置为横坐标, Precision 设置为纵坐标。使用的是 matplotlib 库中的绘图方法。

```
precision, recall, thresholds = precision_recall_curve(y_test, y_pred)
plt.figure()
plt.plot(recall, precision)
plt.title('Precision Recall Curve')
plt.xlabel('Recall')
plt.ylabel('Precision')
plt.show()
```

3 结果说明 6

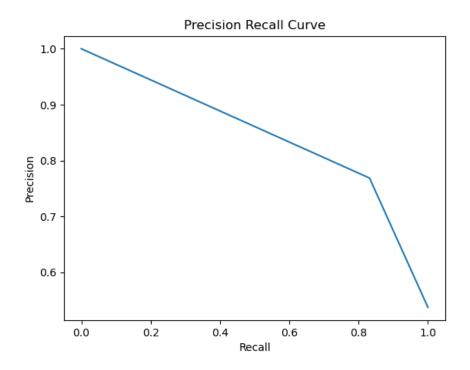


图 3: PR 曲线

# 3 结果说明

表 1: 混淆矩阵

   混淆矩	怃	预测结果			
比作足	鬥	正例	反例		
真实情况	正例	TP(真正例)	FN(假反例)		
具头用机	反例	FP(假正例)	TN(真反例)		

查准率:

$$Precision = \frac{TP}{TP + FP}$$
 (2)

查全率:

$$Recall = \frac{TP}{TP + FN}$$
 (3)

准确度:

Accuracy = 
$$\frac{TP + TN}{TP + FP + + TN + FN}$$
 (4)

F1 score:

$$F1 = 2 \times \frac{\text{Precision} * \text{Recall}}{\text{Precision} + \text{Recall}}$$
 (5)

4 实验源码 7

### 4 实验源码

```
import pandas as pd
import numpy as np
from sklearn.preprocessing import MinMaxScaler
from sklearn import svm
from sklearn.model_selection import train_test_split
from sklearn.model_selection import GridSearchCV
from sklearn.decomposition import PCA
from sklearn.metrics import confusion_matrix,classification_report
from sklearn.metrics import precision_recall_curve
import matplotlib.pyplot as plt
#读取数据
data=pd.read_csv('winequality-red.csv',sep=';') #从文件中读取data
#print(data.isnull().sum()) #统计有几个缺失值, 为0所以不做后续处理
#拆分特征列与目标列
X = data.drop(labels='quality',axis=1).copy() #X是特征列
y = data['quality'].copy()
for i in range(1599):
   y[i]=np.where(y[i]<=5,-1,1)#将Quality大于5为优质, 定为1, 反之则为劣质, 定为-1
#8:2划分训练集与测试集
X_train,X_test,y_train,y_test = train_test_split(X,y,test_size=0.2,random_state=0)
#PCA降维
pca=PCA(n_components=7)
pca.fit(X_train)
X_train_pca=pca.transform(X_train)
X_test_pca=pca.transform(X_test)
#归一化
X_scaler = MinMaxScaler()
X_train_scaled=X_scaler.fit_transform(X_train_pca)
X_test_scaled=X_scaler.transform(X_test_pca)
#网格搜索交叉验证来调整SVC函数中的超参数
params = {
   'gamma': [0.01, 0.1, 0.5, 1, 2, 10, 100],
   'C': [0.01, 0.1, 0.5, 1, 2, 10, 100]
clf=svm.SVC()#选用SVM模型
grid=GridSearchCV(clf,params,cv=10,n_jobs=-1)
grid.fit(X_train_scaled,y_train)
#结果展示
y_pred=grid.predict(X_test_scaled)
print('最佳分类器: ',grid.best_estimator_)
print("混淆矩阵\n",confusion_matrix(y_test,y_pred))
print("分类报告\n",classification_report(y_test,y_pred))
precision, recall, thresholds = precision_recall_curve(y_test, y_pred)
plt.figure()
```

4 实验源码 8

```
plt.plot(recall, precision)
plt.title('Precision Recall Curve')
plt.xlabel('Recall')
plt.ylabel('Precision')
plt.show()
```