

Lehrstuhlversuch im SS2020

# **Datenanalyse mit IceCube-Monte-Carlo-Simulationsdaten**

Fabian Koch

fabian3.koch@tu-dortmund.de

Nils Breer

nils.breer@tu-dortmund.de

Nicole Schulte

nicole.schulte@tu-dortmund.de

Abgabe: xx.xx.2020

TU Dortmund – Fakultät Physik

## **Inhaltsverzeichnis**

<b>1</b>	<b>Theoretische Grundlagen</b>	<b>3</b>
1.1	Messung von Neutrinos mit IceCube . . . . .	3
<b>2</b>	<b>Das IceCube-Experiment</b>	<b>4</b>
<b>3</b>	<b>Auswertung</b>	<b>5</b>
<b>4</b>	<b>Diskussion</b>	<b>7</b>
<b>5</b>	<b>Anhang</b>	<b>7</b>
	<b>Literatur</b>	<b>16</b>

# 1 Theoretische Grundlagen

Kosmische Strahlung besteht hauptsächlich aus hochenergetischen Protonen, schweren Kernen, Myonen und Neutrinos. Die Komposition der geladenen kosmischen Strahlung hängt dabei vom Energiebereich ab. Es können dabei Energien bis zu  $10^{20}$  eV erreicht werden. Die Energieverteilung folgt approximal einem Potenzgesetz der Form

$$\frac{d\Phi}{dE} = \Phi_0 E^\gamma$$

wobei  $\gamma$  der spektrale Index von etwa  $-2.7$  für geladene Teilchen ist. Astrophysikalische Neutrinos stammen aus Quellen die auch Hadronen beschleunigen. Da Neutrinos einen sehr kleinen Wirkungsquerschnitt besitzen, durchdringen sie selbst dichte Staubwolken, welche für Photen ein Hindernis sind. Außerdem werden Neutrinos nicht durch Magnetfelder abgelenkt und zeigen somit auf die Quelle und könne so Informationen über das innere der Quelle liefern. Aufgrund von galaktischen Magnetfeldern ist es aber bislang nicht gelungen die Quellen der kosmischen Strahlung zu bestimmen. Wenn zur Beschleunigung eine Art Stoßbeschleunigung angenommen wird, also eine Art Fermibeschleunigung für Neutrinos, führt dies auf ein Potenzgesetz für den Neutrinofluss mit spektralen Index von  $\gamma \approx -2$ . Nun können Neutrinos und Myonen auch aus Wechselwirkungen in der Atmosphäre stammen, wo sie Zerfallsprodukte von Pionen und Kaonen sind. Da diese Mesonen eine vergleichsweise lange Lebensdauer haben verlieren sie vor ihrem Zerfall schon an Energie wodurch sich das Energiespektrum einem Potenzgesetz proportional zu  $E^{-3.7}$  gleicht. Die so entstandenen Neutrinos und Myonen nennt man konventionelle Neutrinos bzw. Myonen. Andererseits gibt es sogenannte prompte Neutrinos, welche entstehen wenn in hochenergetischen Wechselwirkungen kurzlebige schwere Hadronen erzeugt werden und ohne nennenswerten Energieverlust wieder zerfallen. Aus den (semi-)leptonischen Zerfällen stammen Neutrinos und Myonen welche das Energiespektrum der kosmischen Strahlung erben.

## 1.1 Messung von Neutrinos mit IceCube

Zur Messung wird die Analysetechnik "starting events" verwendet. Hierbei wird die äußersten Detektorabschnitte als Veto verwendet werden um atmosphärische Myonen zu verwerfen. Alle Neutrino flavor werden hierbei berücksichtigt. Demnach sind die beiden größten Beiträge der Ereignisse aus dem neutralen Strom und der Elektron- bzw. Tau-neutrino Wechselwirkungen mittels des geladenen Stroms. Diese Ereignisse werden über Kaskaden im Detektor sichtbar und haben eine gute Energieauflösung, jedoch eine schlechte Winkelauflösung.

Myonen die durch den kompletten Detektor propagieren haben aufgrund der niedrigen Energiedeposition eine schlechtere Energieauflösung, ihre Spur kann jedoch gut rekonstruiert werden. Die Erde kann als Schild für atmosphärische Myonen verwendet werden, da diese durch sie zu größten Teilen absorbiert werden. Myonen die von unten eintreffen, müssen also aus Neutrino Wechselwirkungen stammen. Auf den Zenitwinkel kann deswegen ein Schnitt gesetzt werden um Myonneutrinos und Myonen getrennt werden. Dadurch kann das Signal-Untergrund Verhältnis von  $1 : 1 \cdot 10^6$  auf  $1 : 1 \cdot 10^3$  verbessert werden.

## 2 Das IceCube-Experiment

Der IceCube Detektor dient der Detektion von hochenergetischen Neutrinos und Myonen und besteht aus drei Komponenten. Dem IceTop Detektor, dem In-Ice Detektor welche die größte Komponente ist und dem DeepCore. Das Experiment befindet sich am geographischen Südpol und die die Hauptdetektionsschicht ist zwischen 1450 m – 2450 m in einer klaren Eisschicht. Mit Hilfe von Cherenkov Licht, welches mit 5160 DOMs<sup>1</sup> an 86 strings detektiert werden kann, lassen sich hochenergetische geladene Teilchen detektieren. Ein schematischer Aufbau ist in Abbildung 1 gegeben.

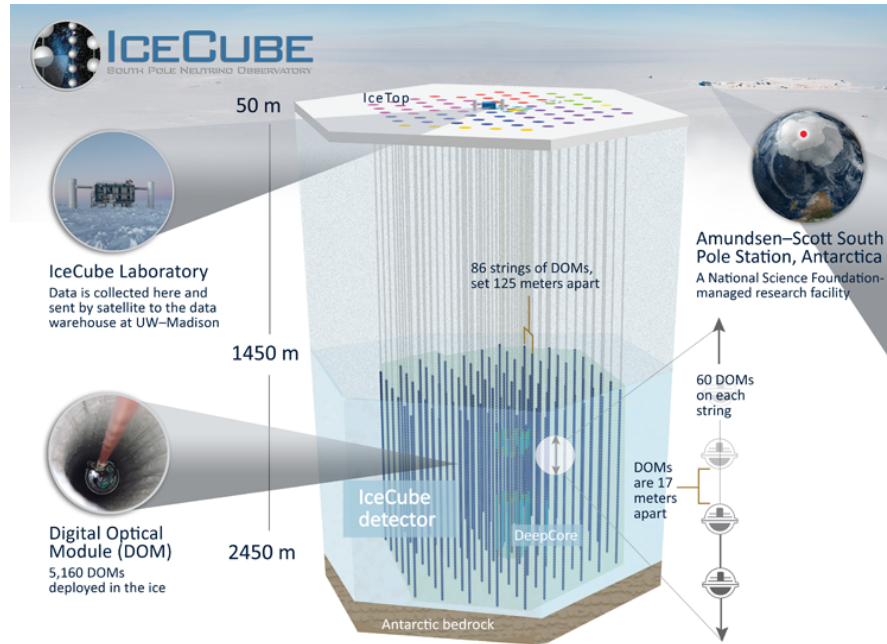


Abbildung 1: Schematischer Aufbau des IceCube Experiments.

Das DeepCore besteht aus sieben Kabeln, welche sich im Zentrum des In-Ice Detektors befinden, lässt sich die Energieauflösung dort auf 10 GeV senken gegenüber den 100 GeV des In-Ice Detektors. Das IceTop dient als Luftschauer Experiment welches Cherenkov Licht in lichtdichten detektiert. Außerdem kann es als Vetoregion für das In-Ice verwendet werden um gewisse Winkelbereiche auszuschließen.

Die Prozesse zur Detektion von Neutrinos geschieht über Sekundärteilchen aus den Wechselwirkungen mit den Kernen im Eis als geladener Strom

$$\nu_l(\bar{\nu}_l) + A \rightarrow l^\mp + X$$

oder neutraler Strom

$$\nu_l + A \rightarrow \nu_l + X.$$

---

<sup>1</sup>digital optical modules

Hierbei verursachen Elektronen eine sphärischen Schauer aufgrund des rapiden Energieverlustes. Myonen hingegen haben einen eher langsamen Energieverlust und können größere Distanzen überwinden und haben eine lange "Lichtspur" als Signatur. Tau-Leptonen haben eine ähnliche Signatur wie Elektronen aufgrund ihrer geringen Lebensdauer. Myonen erzeugen zu wenig Cherenkov Licht um detektiert zu werden aber sie generieren Photonen und  $e^+e^-$  Paare im Medium, welche selbst wieder schauern und weitere Elektron-Positron Paare erzeugen und von den PMT<sup>2</sup> aufgesammelt wird.

### 3 Auswertung

Zu Beginn wurden aus den zur Verfügung gestellten Datensätzen alle Attribute die Monte Carlo Daten, Gewichte und Labels enthalten, entfernt. Außerdem wurden die Spalten entfernt, die ausschließlich den selben Wert, "Inf" oder "not a Number" enthalten. Abschließend wurde Signal und Hintergrund Samples auf Attribute überprüft, die nur in einem der beiden Samples auftreten und diese ebenfalls entfernt, sodass beide Samples die selben Attribute enthalten. Um später zwischen Hintergrund und Signal unterscheiden zu können, wurde an das Signal mit "0" gelabelt und der Hintergrund mit "1".

Im folgenden werden wir drei verschiedenen Klassifizierer auf eine Auswahl an Attributen testen. Es werden der **Naive-Bayes** Klassifizierer, der **RandomForestClassifier** und der **KNeighborsClassifier** mit Hilfe von **sklearn** verwendet. Vorab wurden mittels der **SelectKBest** Methode die 20 besten Attribute ermittelt. Die Güte der Attribute wurde mit dem **f\_classif** ermittelt. Diese Attribute sind der beigefügten pdf des verwendeten jupyter Notebooks zu entnehmen. Aus diesen Attributen wurden Test- und Trainingsdatensätze extrahiert mit welchen die obigen Klassifizierer getestet nun werden. Zuerst wurde der **RandomForestClassifier** verwendet. Dieser basiert auf den binären Entscheidungsbäumen. Bei einem Entscheidungsbaum wird an jedem Knoten ein Schnitt in einer Variable durchgeführt und die daraus entstandenen Teilmengen werden in den beiden Ästen des Knotens wiederum durch Schnitte unterteilt, bis entweder eine bestimmte Tiefe des Baumes erreicht ist oder die Blätter nur Ereignisse einer Klasse enthalten. Um die Effekte des Übertrainierens zu minimieren, wird über ein Ensemble unterschiedlicher Entscheidungsbäume gemittelt (Siehe Anleitung). Dafür wurde ein Wald mit 100 Bäumen gewählt. Alle anderen Parameter wurde mit default initialisiert. Mit der Vorhersage des Klassifizierers wurden die Effizienz<sup>3</sup> und die Reinheit("precision") bestimmt. Außerdem wurde der Jaccard Score für unsere obige Attributsauswahl berechnet. Die Entsprechende ROC-Kurve ist Abbildung 2 zu entnehmen. Die Ergebnisse stehen in Tabelle 1.

Für den **KNeighborsClassifier** wurden 20 Nachbarn gewählt. Auch hier wird die Vorhersage und der Jaccard Score in Tabelle 1 dargestellt sowie die ROC-Kurve in Abbildung 2.

Zuletzt wurde der Naive-Bayes Klassifizierer, welcher dem Prinzip der bedingten Wahrscheinlichkeiten genügt, getestet. Die Ergebnisse befinden sich wieder in Tabelle 1 und der Abbildung 2.

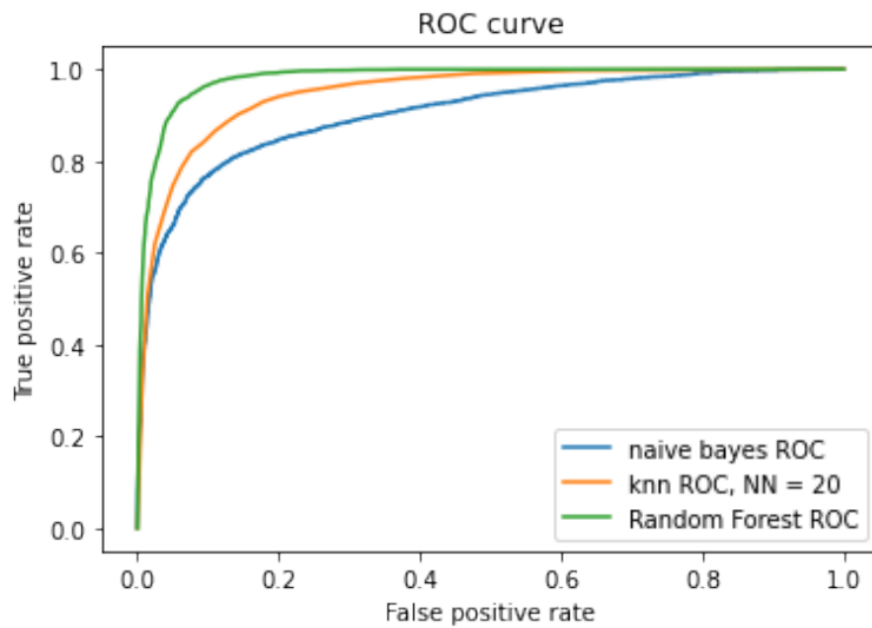
---

<sup>2</sup>Photomultipliern

<sup>3</sup>wir haben den "accuracy score" von sklearn verwendet da es keinen anderen gab

Klassifizierer	Effizienz	Reinheit	Jaccard-Score
RandomForest	0.93425	0.92247	0.87762
KNeighborsClassifier	0.87913	0.87376	0.78463
Naive-Bayes	0.79763	0.75398	0.68410

**Tabelle 1:** Effizienz und Reinheit des RandomForestClassifiers.



**Abbildung 2:** ROC-Kurven aller getesteten lassifizierer.

## 4 Diskussion

Im allgemeinen ist festzuhalten, dass der Naive-Bayes Lerner die schlechte Effizienz der drei Klassifizierer hat. Einerseits ist der Naive-Bayes Lerner relativ schnell und trifft gute Vorhersagen, wenn die Attribute unabhängig von einander sind. Außerdem funktioniert er am besten mit kategorischen Attributen und weniger gut mit den hier verwendeten numerischen Eingaben. Außerdem wird der Naive-bayes Lerner auch "schlechter Schätzer" genannt, weswegen der Output von Methoden wie `predict_proba` mit Bedacht verwendet werden sollten.

Der kNN-Klassifizierer, welcher auch als "Lazy lerner" bekannt ist gehört zu der Familie des überwachten maschinellen Lernens und wird oft als Benchmark(übersetzen bitte) für komplexere Lerner wie SVMs verwendet. Der kNN ist relativ schnell für wenige Attribute doch leidet sehr unter dem Fluch der Dimensionalität. Wir haben hier 20 Attribute verwendet und nehmen auch die 20 nächsten Nachbarn, was den Algorithmus sehr langsam macht und die Vorhersage mit zunehmender Attributzahl immer schlechter wird. Außerdem sollten die Attribute die selbe Größenordnung besitzen da unsere Abstandsberechnung mit der euklidischen Norm berechnet wurde. Um den Algorithmus noch effizienter zu machen sollte man hier die Daten vor dem Training normieren. Dennoch ist der kNN immer noch besser als der Naive-Bayes Lerner.

Der `RandomForestClassifier` ist auf unserem Sample der beste Klassifizierer. Er kann Bäume dekorrelieren um eben Korrelationen in den Attributen zu kontrollieren. Außerdem sind die Fehler vergleichsweise klein, da der Random Forest den Output jedes Baums verwendet und so Abweichungen minimiert. Hier könnte man die Effizienz noch verbessern indem eine andere Feature Selection verwendet wird. Zum Beispiel könnte eine Hauptkomponentenanalyse verwendet werden um die besten Attribute zu finden. Man könnte auch mehr oder weniger Attribute benutzen und die Effizienzen neu berechnen um eventuell Overfitting Effekte zu finden falls bestimmte Attribute die anfangs als wichtig gelabelt wurden trotzdem die Effizienz verringern.

## 5 Anhang

# Icecube

October 1, 2020

```
[1]: %matplotlib inline

import numpy as np
import matplotlib.pyplot as plt
import pandas as pd
from skfeature.function.information_theoretical_based import MRMR

pd.set_option('display.max_columns', None)

[2]: signal = pd.read_csv("signal.csv", sep = ";")
bkg = pd.read_csv("background.csv", sep = ";")

[3]: signal = signal.drop(signal.filter(regex='MC').columns, axis=1)
signal = signal.drop(signal.filter(regex='Weight').columns, axis=1)
signal = signal.drop(signal.filter(regex='Corsika').columns, axis=1)
signal = signal.drop(signal.filter(regex='I3EventHeader').columns, axis=1)
signal = signal.drop(signal.filter(regex='end').columns, axis=1)
signal = signal.drop(signal.filter(regex='start').columns, axis=1)
signal = signal.drop(signal.filter(regex='time').columns, axis=1)
signal = signal.drop(signal.filter(regex='NewID').columns, axis=1)
signal = signal.drop('label', axis=1)

[4]: bkg = bkg.drop(bkg.filter(regex='MC').columns, axis=1)
bkg = bkg.drop(bkg.filter(regex='Weight').columns, axis=1)
bkg = bkg.drop(bkg.filter(regex='Corsika').columns, axis=1)
bkg = bkg.drop(bkg.filter(regex='I3EventHeader').columns, axis=1)
bkg = bkg.drop(bkg.filter(regex='end').columns, axis=1)
bkg = bkg.drop(bkg.filter(regex='start').columns, axis=1)
bkg = bkg.drop(bkg.filter(regex='time').columns, axis=1)
bkg = bkg.drop(bkg.filter(regex='NewID').columns, axis=1)
bkg = bkg.drop('label', axis=1)

[5]: signal.replace([np.inf, -np.inf], np.nan)
signal.dropna(axis = 'columns', inplace = True)
signal = signal.drop(signal.std()[signal.std() == 0].index, axis=1)
#signal.dropna(inplace = True)
```



```
bkg.replace([np.inf, -np.inf], np.nan)
bkg.dropna(axis = 'columns', inplace = True)
bkg = bkg.drop(bkg.std()[bkg.std() == 0].index, axis=1)
#bkg.dropna(inplace = True)
```

```
[6]: bcol = bkg.columns
     scol = signal.columns
```

```
[7]: for att in scol:
     if att not in bcol:
         signal.drop(att, axis=1, inplace = True)

     for att in bcol:
         if att not in scol:
             bkg.drop(att, axis=1, inplace = True)
```

```
[8]: import scipy.io
     from sklearn.metrics import accuracy_score
     from sklearn.model_selection import cross_validate
     from sklearn import svm
     from sklearn.metrics import jaccard_score
```

```
[9]: sig_label = np.zeros(signal.shape[0])
     bkg_label = np.ones(bkg.shape[0])
```

```
[10]: combined_df = pd.concat([signal, bkg], ignore_index=True)
     combined_label = np.append(sig_label, bkg_label)
```

```
[11]: combined_df.insert(114, 'label', combined_label)
     shuffled = combined_df.sample(frac = 1)
```

```
[12]: y = shuffled['label']
     X = shuffled.drop('label', axis=1)
```

```
[13]: from sklearn import (
     ensemble, linear_model, neighbors, svm, tree, naive_bayes,
     gaussian_process, neural_network, dummy)
     from sklearn.model_selection import KFold
     from sklearn.model_selection import cross_val_score
     from sklearn.base import clone
     from tqdm import tqdm
     model = ensemble.RandomForestClassifier(n_estimators=100)
     model.get_params()
     from sklearn.model_selection import train_test_split
```

```
[14]: X_train, X_test, y_train, y_test = train_test_split(X, y, test_size=0.2,
     random_state=42)
```

```
[15]: from sklearn.feature_selection import SelectKBest, chi2, mutual_info_classif, \
      ↪ f_classif
      # Anzahl der features die wir nehmen wollen
      N_feat = 20
      X_new = SelectKBest(score_func=f_classif, k=N_feat)
      d_fit = X_new.fit(X_train, y_train)
      # generiere scores die die güte des features angeben
      scores = d_fit.scores_
      # sortiere nach größe...
      sorted_scores = sorted(scores, reverse=True)
      args_max = np.argsort(scores)[::-1]
      # print(args_max)
      # lese die N_feat wichtigsten features aus und speichere sie weg
      features = []
      for i in range(N_feat):
          features.append(X.columns.tolist()[args_max[i]])
      print(features)
      # werfe aus den trainingsdaten und testdaten alle features bis auf die ↪
      ↪ wichtigsten raus
      X_train = X_train.loc[:, features]
      X_test = X_test.loc[:, features]
```

```
['LineFit_TTParams.lf_vel_z', 'HitStatisticsValues.z_travel',
'LineFit_TT.zenith', 'SplineMPEFitParams.rlogl', 'MuEXAngular4.zenith',
'SplineMPETruncatedEnergy_SPICEMie_AllDOMS_Muon.zenith',
'SplineMPEMuEXDifferential.zenith', 'SplineMPE.zenith',
'SplineMPETruncatedEnergy_SPICEMie_AllBINS_Muon.zenith',
'MPEFitHighNoise.zenith', 'MPEFitParaboloid.zenith',
'MPEFitParaboloidFitParams.zenith', 'SplineMPEDirectHitsA.n_dir_doms',
'SplineMPEDirectHitsA.n_dir_strings', 'SplineMPEDirectHitsC.dir_track_length',
'SplineMPETruncatedEnergy_SPICEMie_AllDOMS_MuEres.value',
'SplineMPEDirectHitsC.n_dir_doms', 'HitStatisticsValues.cog_z_sigma',
'HitStatisticsValues.z_sigma', 'NewAtt.DirectEllipse']
```

```
[16]: from sklearn.metrics import accuracy_score
      from sklearn.metrics import precision_score
      from sklearn.metrics import r2_score, roc_auc_score, roc_curve
      # trainiere den lerner
      model.fit(X_train, y_train)
      # sage die labels vorher
      y_pred = model.predict_proba(X_test)
      y_pred = y_pred[:, 1]
      fpr1, tpr1, thr1 = roc_curve(y_test, y_pred)
```

```
[17]: #print(roc_auc_score(y_test, y_pred))
      #print(r2_score(y_test, y_pred))
```

```

RFC_precision = precision_score(y_test, model.predict(X_test))
RFC_eff = accuracy_score(y_test, model.predict(X_test))
print('RFC accuracy score(sklearn) = ', RFC_eff)
print('RFC precision score(sklearn) = ', RFC_precision)
rfc_Jscore = jaccard_score(y_test, model.predict(X_test))
print('jaccard score, RFC: ', rfc_Jscore)

```

```

RFC accuracy score(sklearn) = 0.93425
RFC precision score(sklearn) = 0.9224749327463928
jaccard score, RFC: 0.8776174965100046

```

```

[18]: import numpy as np
      from sklearn.model_selection import train_test_split
      import pandas as pd
      from scipy.spatial import distance
      from sklearn.metrics.cluster import v_measure_score
      from sklearn.metrics import accuracy_score

      class KNN:
          def __init__(self, k):
              self.k = k

          def euc(self, a, b):
              return distance.euclidean(a, b)

          def fit(self, X_train, y_train):
              self.X_train = X_train
              self.y_train = y_train

          def predict(self, X):
              pred = []
              # row_count = 0
              for row in X: # iteriere durch jedes event
                  # label = orte mit kleinstem abstand
                  label = self.closest_points(row, self.X_train)
                  # pred.append(prediction)
                  N_sig = 0
                  N_bg = 0
                  for i in label:
                      if self.y_train[i] == 0:
                          N_sig += 1
                      else:
                          N_bg += 1

```

```

        if N_sig >= N_bg: # wenn label = signal ist dann 0 ( weil 0 =
→signal heisst)
            pred.append(0)
        else:
            pred.append(1) # sonst 1 appenden da 1 = bg
            # if row_count % 10000 == 0:
            #     print(row_count)
            # row_count += 1
    return pred

def closest_points(self, row, X):
    index = [] # speichere hier die besten indizes
    distances = [] # alle distanzen
    distances = distance.cdist([row], X, 'euclidean')

    sort_dist = np.argsort(distances) # sortiere die distancen und gibt die
→k kleinsten zurueck
    for j in range(self.k):
        index.append(sort_dist[0][j])

    return index

```

```

[19]: nn = 20
      knn = KNN(nn)
      # daten muessen np arrays sein
      X_trn = np.array(X_train)
      y_trn = np.array(y_train)
      X_t = np.array(X_test)
      y_t = np.array(y_test)

      knn_fit = knn.fit(X_trn, y_trn)
      knn_pred = knn.predict(X_t)

```

```

[20]: import numpy as np
      from sklearn.model_selection import train_test_split
      import pandas as pd
      from scipy.spatial import distance
      from sklearn.metrics.cluster import v_measure_score
      from sklearn.metrics import accuracy_score

      knn_roc_score = roc_auc_score(y_test, knn_pred)
      #print('roc_auc score (knn): ', knn_roc_score)

      y_true = y_t.tolist()

      tp = 0

```

```

fp = 0
fn = 0
tn = 0
for i in range(len(y_true)):
    if knn_pred[i] == y_true[i] and knn_pred[i] == 0:
        tp += 1
    if knn_pred[i] == 0 and y_true[i] == 1:
        fp += 1
    if knn_pred[i] == 1 and y_true[i] == 0:
        fn += 1
    if knn_pred[i] == y_true[i] and knn_pred[i] == 1:
        tn += 1

# print('tp: ', tp, 'fp: ', fp, 'fn: ', fn, 'tn:', tn)

Eff = tp / (tp + fn)
P = tp / (tp + fp)
S = tp / np.sqrt(tp + tn)
accuracy = (tp + tn) / (tp + fp + tn + fn)

print('for kNN:')
print('accuracy score(sklearn) = ', accuracy_score(knn_pred, y_true))
print('Eff: ', Eff)
print('Purity: ', P)
print('Signifikanz: ', S)
print('Accuracy: ', accuracy)

```

```

for kNN:
accuracy score(sklearn) = 0.879125
Eff: 0.8733515799950237
Purity: 0.8845766129032258
Signifikanz: 41.853984367007584
Accuracy: 0.879125

```

```

[21]: # knn von sklearn:
from sklearn.neighbors import KNeighborsClassifier
knn_clf = KNeighborsClassifier(n_neighbors=nn)
knn_clf.fit(X_train, y_train)
PRED_knn = knn_clf.predict_proba(X_test)
PRED_knn = PRED_knn[:, 1]
fpr2, tpr2, thr2 = roc_curve(y_test, PRED_knn)

```

```

[22]: knn_precision = precision_score(y_true, knn_clf.predict(X_test))
knn_eff = accuracy_score(y_true, knn_clf.predict(X_test))
print('KNN accuracy score(sklearn) = ', knn_eff)
print('KNN precision score(sklearn) = ', knn_precision)
knn_Jscore = jaccard_score(y_true, knn_clf.predict(X_test))

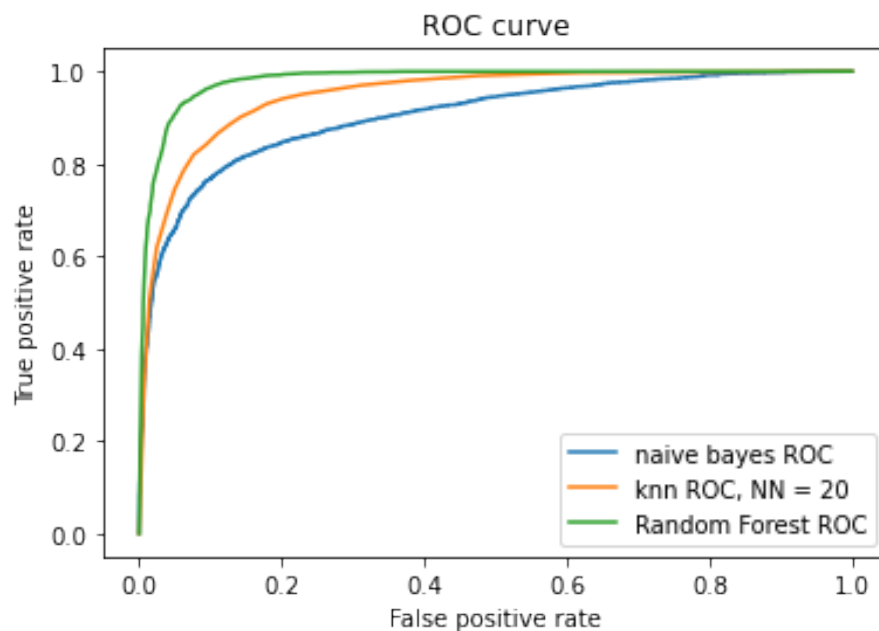
```

```
print('jaccard score, kNN: ', knn_Jscore)
```

```
KNN accuracy score(sklearn) = 0.879125  
KNN precision score(sklearn) = 0.8737599206349206  
jaccard score, kNN: 0.7846325167037862
```

```
[23]: # naive bayes:  
from sklearn.naive_bayes import GaussianNB  
clf = GaussianNB()  
clf.fit(X_train, y_train)  
NB_pred = clf.predict_proba(X_test)  
NB_pred = NB_pred[:, 1]  
fpr3, tpr3, thr3 = roc_curve(y_test, NB_pred)
```

```
[24]: plt.figure(1)  
plt.plot(fpr3, tpr3, label='naive bayes ROC')  
plt.plot(fpr2, tpr2, label='knn ROC, NN = {}'.format(nn))  
plt.plot(fpr1, tpr1, label='Random Forest ROC')  
plt.xlabel('False positive rate')  
plt.ylabel('True positive rate')  
plt.title('ROC curve')  
plt.legend(loc='best')  
plt.show()
```



```
[25]: NB_precision = precision_score(y_true, clf.predict(X_test))
      NB_eff = accuracy_score(y_true, clf.predict(X_test))
      print('NB accuracy score(sklearn) = ', NB_eff)
      print('NB precision score(sklearn) = ', NB_precision)
      NB_Jscore = jaccard_score(y_true, clf.predict(X_test))
      print('jaccard score, NB: ', NB_Jscore)
```

```
NB accuracy score(sklearn) = 0.797625
NB precision score(sklearn) = 0.753978494623656
jaccard score, NB: 0.6840975609756098
```

## Literatur

- [1] IceCube Collaboration, *The IceCube Neutrino Observatory: instrumentation and online systems*, Journal of Instrumentation, JINST 12 P03012 (2017)
- [2] IceCube Collaboration, Detektor, <https://icecube.wisc.edu/science/icecube/detector>