Zadanie1

May 21, 2021

Wczytamy dane z pliku *zad1.csv*, format danych w pliku został zmodyfikowany, żeby łatwiej było się nim posługiwać.

```
[1]: import pandas
data_frame = pandas.read_csv("zad1.csv")
data_frame
```

Przeprowadzimy analizę wariancji (ANOVA), w celu ustalenia czy średnia liczba ogłoszeń w trzech gazetach jest taka sama. Inaczej:

$$H_0: x_{A \bullet} = x_{B \bullet} = x_{C \bullet}$$

$$H_a: \exists_{x_{i\bullet}, x_{j\bullet}, i \neq j} \ x_{i\bullet} \neq x_{j\bullet}$$

Wartości potrzebne do przeprowadzenia analizy można zaprezentować w postaci tabelki

df	SS	MS	f	
$\frac{\overline{I-1}}{I(J-1)}$		MSA MSE	$\frac{MSA}{MSE}$	p-value

gdzie I oznacza liczbę grup, a J obserwacji na grupę. Pierwszą i drugą kolumnę liczymy na podstawie danych, a każde kolejne na podstawie poprzednich.

Korzystając ze wzorów z wykładu, na początku ustalimy wartość zmienności międzygrupowej SSA

$$SSA = J \sum_{i=1}^{I} (x_{i\bullet} - \bar{x})^2,$$

gdzie

$$x_{i\bullet} = \frac{1}{J} \sum_{j=1}^{J} x_{ij},$$

 \bar{x} średnią wszystkich obserwacji, czyli

$$\bar{x} = \frac{1}{IJ} \sum_{i,j} x_{ij}.$$

Najpierw policzymy wartości potrzebnych średnich $x_{i\bullet}$ i \bar{x}

```
[2]: import numpy
   newspapers = data_frame.columns;
   means = data_frame.mean()

   global_header = "global"

   means[global_header] = numpy.mean(means)
   print(means)
```

A 235.200000 B 240.400000 C 266.800000 global 247.466667

dtype: float64

Po czym możemy przejść do wyznaczenia SSA

```
[3]: ssa = 0
for newspaper in newspapers:
    ssa += (means[newspaper] - means[global_header])**2
ssa *= len(data_frame)
print('SSA = ', ssa)
```

SSA = 2870.9333333333366

Z wykładu wiemy że z dokładnością do stałej

$$SSA \sim \chi^2(I-1)$$

Teraz możemy przejść do wyznaczenia zmienności wewnątrz
grupowej SSE

$$SSE = \sum_{i,j} (x_{ij} - x_{i\bullet})^2$$

```
[4]: sse = 0
for newspaper in newspapers:
    for x in data_frame[newspaper]:
        sse += (x - means[newspaper])**2
print("SSE = ", sse)
```

SSE = 1514.799999999997

Z wykładu wiemy, że

$$SSE \sim \chi^2(J(I-1))$$

Następnie możemy przejść do wyznaczenia MSA i MSE

$$MSA = \frac{SSA}{I - 1}$$

$$MSE = \frac{SSE}{I(J-1)},$$

czyli odpowiednio SSA i SSE podzielone przez ich stopnie swobody.

```
[5]: deg_of_freedom_ssa = len(data_frame.columns) - 1
    deg_of_freedom_sse = len(data_frame.columns) * (len(data_frame) - 1)

msa = ssa / deg_of_freedom_ssa
    mse = sse / deg_of_freedom_sse

print("MSA = ", msa)
    print("MSE = ", mse)
```

MSA = 1435.466666666683 MSE = 126.2333333333333

Kolejnym krokiem jest wyznaczenia wartości ${\cal F}$

$$f = \frac{MSA}{MSE},$$

a stąd, że

$$MSA \sim \frac{\chi^2(I-1)}{I-1}$$

i

$$MSE \sim \frac{\chi^2(I(J-1))}{I(J-1)}$$

wnioskujemy następujące (przy założeniu że H_0 jest prawdziwe)

$$f = \frac{MSA}{MSE} \sim F(J-1, I(J-1)),$$

bo rozkład Fishera-Snedecore'a może być przedstawiony jako stosunek przeskalowanych rozkładów $\chi^2.$

```
[6]: f = msa / mse
print("f = ", f)
```

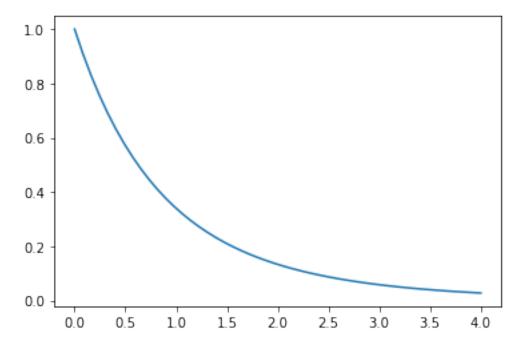
f = 11.371534195933473

Znając wartość zmiennej losowej F oraz jej rozkład możemy policzyć p_value , czyli szanse że zdarzyło się coś mniej prawdopodobnego. Rozkład F(2,12) w przypadku tych parametrów nie ma "grzbietu".

```
[7]: from matplotlib import pyplot
from scipy import stats

linspc = numpy.linspace(0,4)

pyplot.plot(linspc, list(map( lambda x: stats.f.pdf(x,2,12), linspc) ) )
pyplot.show()
```



Dlatego p_value możemy określić obliczając

$$p_value = 1 - P(F < f),$$

czyli wartość tzw. funkcji przeżycia (ang. survival function).

```
[8]: p_value = stats.f.sf(f, deg_of_freedom_ssa, deg_of_freedom_sse)
print("p_value = ", p_value)
```

p_value = 0.0016977684112495733

Decyzja o odrzuceniu hipotezy zerowej jest teraz zależna od ustalonego α , z którego wynika pole obszaru krytycznego. (chociaż jeśli jest to jakakolwiek sensowna wartość to zapewne zostanie odrzucona)