

Arbeitserfahrung

Software Entwickler

seit März 2015

Insilico Biotechnology AG
Stuttgart, Deutschland

Entwicklung von Enterprise-Software zur Zeitaufgelösten Diagnose und für den quantitativen Vergleich der Performance von Bioprocessen auf Java Basis.

Diploma Thesis

Development of a novel Protein Database System for Sequence-Structure-Function Relationships: BioCatNet

Oktober 2013 - Dezember 2014
(14 Monate)

Institut für technische Biochemie
Universität Stuttgart, Deutschland

Entwicklung eines Datenbanksystemes, welches Informationen über Protein Sequenzen, Strukturen und Funktionen aufnimmt. Dies beinhaltete die Entwicklung einer REST API, eines Web-basierten User Interfaces mit PHP, Perl, HTML, CSS und JavaScript. Darüberhinaus wurden Web- und Datenbank server aufgesetzt und gewartet. Das Ergebnis ist für den Wissenschaftlichen Gebrauch frei zugänglich unter <http://www.teed.uni-stuttgart.de>

Industriepraktikum

Rekonstruktion eines metabolischen Modelles von *Streptomyes albus* Strain J 1074

Mai 2013 - Juli 2013
(3 Monate)

Insilico Biotechnology AG
Stuttgart, Germany

Modellierung eines metabolischen Fluss Modelles eines Antibiotika produzierenden Mikrobiums. Beinhaltete ausgiebige Literatur- und Datenbankrecherche, sowie die modellierung in Firmen-internen Software.

Hilfswissenschaftler

November 2012 - April 2013
(6 Monate)

Institut für technische Biochemie
Universität Stuttgart, Deutschland

Entwicklung eines User Interfaces für die neu konzepierte Protein-

Studienarbeit

Analyse thermokinetischer Potential-Strom-Kennlinien an einem Modell von *Escherichia coli*

Oktober 2011 - Juni 2012
(9 Monate)

Institut für Systemdynamik
Universität Stuttgart, Deutschland

Evaluierung der Aussage- und Prädiktionsqualitäten der neu entwickelten *thermokinetischen Modellierung*. Dies beinhaltete das Arbeiten mit Mathematica, R und der Linux Shell.

Hilfswissenschaftler

Januar 2011 - Juni 2011
(6 Monate)

Department of Physics, Chemistry and Biology
Linköping University, Sweden

Genexpressionsanalyse des *late flowering gene* in der gemeinen Erbse *Pisum sativum*. Die Untersuchungen wurden mithilfe PCR/rtPCR, DNA/RNA-extraction kits und Gelelektrophoresis durchgeführt.

Ausbildung

Dipl. Biologe, t.o.

Oktober 2007 - Dezember 2014

Universität of Stuttgart, Deutschland

Fokus: Bioinformatik, Biophysik

Aktivitäten: Fachschaftsvertretung Technische Biologie,
Technischen Biologen an der Universität Stuttgart e.V.

Januar 2011 - Juni 2011

Linköping University
Sweden

Fokus: Neuroscience, Gene Expression

Aktivitäten: LinTek

Allgemeine Hochschulreife

2002 - 2007

Johannes-Kepler-Gymnasium
Reutlingen, Germany

1998 - 2002

Martin-Andersen-Nexö Gymnasium
Dresden, Germany

Weitere Kenntnisse

Sprachen

Deutsch Muttersprache,
Englisch Verhandlungssicher,
Russian Grundlagen,
Swedish Grundlagen

IT

Datenbankdesign und -administration, Application Development, Bioinformatik, Metabolische Netzwerke, Apache und Firebird Server, GIT Versions Kontrolle, Windows und Linux Administration, Microsoft und Libre Office, Adobe Creative Suite, JEE, JPA

Programmiersprachen

PHP4/5, HTML5, JavaScript, CSS3, SQL, Java, Perl, R, Matlab, Mathematica, Bash, LaTeX

Persönliches

Geburtstag: 18. März 1988

Weitere Interessen

Webdesign und -entwicklung, Gadgets und neue Technologies, Biotechnologien, analoge Fotografie, Kunst und Design, Musik, Filme, Electronik, Kleingärten