

## Fähigkeiten

### Kernkompetenzen

**Anwendungs- und Webentwicklung**, fokussiert auf Biowissenschaften, mit Bedacht auf klare, nachhaltige Architektur, moderne Technologien und Benutzbarkeit, über alle Aspekte des Lebenszyklus zwischen Konzeption und Auslieferung, und über alle Ebenen zwischen Datenbank und Benutzeroberfläche.

---

### Technologien, Programmiersprachen und Werkzeuge

**Domain Driven Design, Object Oriented Design**, JEE, REST, (R)DBMS, functional programming, reactive programming, devops, CI/CD, Scrum, Grid Engines, datascience

**Java, Python, TypeScript**, HTML5, CSS3, SQL, PHP, Bash, JavaScript

**Quarkus, Vert.X, React, Docker, Linux, git**, AWS, pandas, jupyter notebooks, VSCode, Eclipse, PostgreSQL DB, Oracle DB, VSCode, PyCharm, Glassfish, Maven, HTCondor, Firebird DB, Vim, Jenkins, Gitlab, Jira, Confluence, celery, Adobe Creative Suite

---

### Sprachen

**Deutsch** Muttersprache

**Englisch** Verhandlungssicher

**Russisch, Schwedisch** Grundkenntnisse

## Systemingenieur

seit Januar 2021

AnyDesk Software GmbH  
Stuttgart, Deutschland

**Technische Produktleitung** bei der Entwicklung einer Management Software für die Verwaltung von Nutzern und Geräten. Analyse und Diskussion der bisherigen Entwicklung. Erarbeitung einer neuen Architektur. Implementation einer Machbarkeitsstudie.

**Aufbau und Leitung einer Arbeitsgruppe** aus Frontend-, Backend- und Full-Stack-Entwicklern; Einarbeitung und Betreuung neuer Mitarbeiter.

Etablieren eines **Dokumentationskonzeptes** und eines **Softwareentwicklungslebenszykluses (SDLC)** angepasst an die besonderen Herausforderungen und Anforderungen der Arbeitsgruppe.

Fortwährende **Weiterentwicklung des Produktes, Gestaltung der Datenbank und Schnittstellen**, Anforderungsanalysen, Kommunikation mit Interessenvertretern.

**Beratung benachbarter Arbeitsgruppen** bei der Weiterentwicklung und Neugestaltung neuer Werkzeuge und Produkte.

---

## Software Entwickler und IT Allrounder

März 2015 - Dezember 2020 Insilico Biotechnology AG  
Stuttgart, Deutschland

**Entwicklung einer machine learning pipeline zum Erstellen von maß-gefertigten hybriden Vorhersagemodellen** für die Bewertung der Leistung von Bioprozessen und verschiedene Optimierungsszenarios.

**Einbringen der eigenen Softwareentwicklungsexpertise** in den verschiedenen Stadien und Ebenen der Software Produkte. Vom Erfassen der Anforderungen über Entwurf und Implementierung hin zur Auslieferung, sowie von der Datenbank hin zur Benutzeroberfläche.

**Verwaltung und Wartung der IT Infrastruktur**, unter anderem verschiedene Laptop-, Desktop- und Serversysteme, CentOS und SUSE Linux Systeme, Oracle 11g Datenbanken, die CI Umgebung, ein HTCondor Rechencluster und Container-Anwendungen.

---

## Industriepraktikum

Mai 2013 - Jul 2013

Insilico Biotechnology AG  
Stuttgart, Germany

Modellierung eines metabolischen Modelles eines Antibiotika produzierenden Bakteriums. Beinhaltete ausgiebige Literatur- und Datenbankrecherche, sowie die modellierung in Firmeninterner Software.

## Hilfswissenschaftler

Nov 2012 - Apr2013

Institut für technische Biochemie  
Universität Stuttgart, Deutschland

Entwicklung einer Benutzeroberfläche für die neu konzipierte Protein-Sequenz-Struktur-Funktions Datenbank BioCatNet.

---

## Hilfswissenschaftler

Jan 2011 - Jun 2011

Department of Physics, Chemistry and Biology  
Linköping University, Sweden

Genexpressionsanalyse des *late flowering gene* in der gemeinen Erbse *Pisum sativum*. Die Untersuchungen wurden mit Hilfe PCR/rtPCR, DNA/RNA-extraction kits und Gelelektrophorese durchgeführt.

## Zertifizierter Java EE Workshop

März 2017

PC College, Stuttgart  
Enterprise Java Beans 3.1, Session- und MD Beans, CDI, JPA, Lifecycle

---

## Dipl. Biologe, t.o.

Okt 2007 - Dez 2014

Universität Stuttgart, Deutschland  
Fokus: Bioinformatik, Biophysik

Jan 2011 - Jun 2011

Universität Linköping, Schweden  
Fokus: Neuroscience, Gene Expression

---

## Diplomarbeit

Development of a novel Protein Database System for Sequence-Structure-Function Relationships: BioCatNet

Okt 2013 - Dez 2014

Institut für technische Biochemie  
Universität Stuttgart, Deutschland

**Entwicklung eines *data warehouse*, welches Informationen über Proteinsequenzen, -strukturen und -funktionen aufnimmt.** Dies beinhaltete die Entwicklung einer REST API, einer Web-basierten Benutzeroberfläche mit PHP, Perl, HTML, CSS und JavaScript. Darüber hinaus wurden Web- und Datenbank server aufgesetzt und gewartet. Das Ergebnis ist für den Wissenschaftlichen Gebrauch frei zugänglich unter <http://biocatnet.de>

---

## Studienarbeit

Analyse thermokinetischer Potential-Strom-Kennlinien an einem Modell von *Escherichia coli*

Okt 2011 - Jun 2012

Institut für Systemdynamik  
Universität Stuttgart, Deutschland

**Evaluierung der Aussage- und Prädiktionsqualitäten** der neu entwickelten *thermokinetischen Modellierung*. Dies beinhaltete das arbeiten mit Mathematica, R und bash auf einem Linux rechner.