Modelos Bioinspirados y Heurísticas de Búsqueda

PRÁCTICA 2

ANÁLISIS DE ALGORITMOS HEURÍSTICOS NO CONSTRUCTIVOS BÚSQUEDA VNS Y GENÉTICOS









ÍNDICE

| I Introducción2 | <u> </u> |
|---|----------|
| 2 Algoritmo De Búsqueda Local3 | } |
| 3 Algoritmo VNS4 | |
| 1 Algoritmo Genético Básico5 | |
| 5 Algoritmo CHC7 | |
| 6 Algoritmo Genético Multimodal8 | |
| 7 Comparación de Algoritmos9 7.1 Observaciones12 | 2 |
| 3 Conclusiones12 | 2 |
| 9 Representación de las estaciones en el mapa13 | 3 |



INTRODUCCIÓN

En este documento se verán y analizarán los resultados de la aplicación del algoritmo Búsqueda Local, Búsqueda VNS y algoritmos genéticos Básico, CHC y Multimodal para resolver un problema de optimización de uso de una red de bicicletas en la ciudad de Santander, al igual que en la primera práctica.

Para ello partimos de una red de 16 estaciones de bicicletas con una capacidad máxima total de 220 bicicletas, donde se ha extraído el comportamiento medio a lo largo de un día capturando el movimiento de bicicletas en cada estación cada 5 minutos desde las 8:00 am hasta las 7:am del día siguiente, es decir , el número de bicicletas que cada cinco minutos en un día se han tomado o dejado en cada estación.

Ejecutaremos cada algoritmo 2 veces, cada una de ellas con una semilla diferente, para comparar resultados. Las semillas usadas en esta práctica son: [7777, 8888]

El dataset usado para esta práctica es también el mismo que en la primera práctica de esta asignatura.



ALGORITMO DE BÚSQUEDA LOCAL, EL PRIMER MEJOR VECINO

Este algoritmo analiza N vecinos de la solución inicial en cada iteración. Una vez que se encuentre un mejor vecino, se actualiza la solución actual y se reinician los vecinos a analizar. Este algoritmo pertenece al grupo de algoritmos de búsqueda en profundidad.

| Algoritmo | Ev. Mejor | Ev. Media | Ev. Desv | Kms. mejor | Kms. Media | Kms. Desv | Tiempo |
|-----------|-----------|-----------|----------|------------|------------|-----------|--------|
| BL Primer | 267 | 269 | 2 | 393.600 | 406.398 | 12.797 | 4.734 |

Los Algoritmos de Búsqueda Local están planteados de forma que siguen generando vecinos hasta que no haya ningún vecino que mejore la solución actual, es decir, no paran hasta llegar a un óptimo local.



ALGORITMO DE BÚSQUEDA VNS

La Búsqueda de Entorno Variable (VNS: Variable Neighborhood Search) es una metaheurística para resolver problemas de optimización cuya idea básica es el cambio sistemático de entorno dentro de una búsqueda local (aumentando/alterando el tamaño cuando la búsqueda no avanza).

| Algoritmo | Ev. Mejor | Ev. Media | Ev. Desv | Kms. mejor | Kms. Media | Kms. Desv | Tiempo |
|-----------------|-----------|-----------|----------|------------|------------|-----------|--------|
| Búsqueda VNS | 1773 | 2155 | 382 | 381.139 | 400.212 | 19.073 | 37.608 |

Si bien este algoritmo de búsqueda mejora los resultados con respecto a la Búsqueda Local, esto se ve reflejado en un gran aumento de llamadas a la función de evaluación respecto a este, y por consecuencia un aumento del tiempo de ejecución, debido a que este debe calcular el tamaño de la solución a mutar en cada iteración.



ALGORITMO GENÉTICO BÁSICO

El algoritmo genético básico empieza su ejecución generando una población aleatoria de individuos (posibles soluciones del problema) y, en cada iteración, intenta mejorar esta población de individuos combinándola con otra población de hijos y descartando los peores individuos. Esta población de hijos se genera a partir del cruce y mutación de individuos de la población base de la iteración.

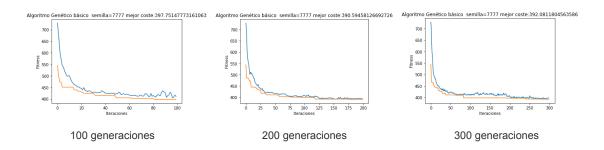
Los resultados presentados en la tabla se han obtenido con 200 generaciones, probabilidad de mutación aleatoria de entre el 5% y el 20%, granularidad = 4 y K = 0.1. El tamaño de la pob. inicial será de entre 15 y 30 individuos

| Algoritmo | Ev. Mejor | Ev. Media | Ev. Desv | Fitness. mejor | Fitness. Media | Fitness. Desv | Tiempo |
|-----------|-----------|-----------|----------|-------------------|-------------------|------------------|--------|
| G.Básico | 5025 | 5025 | 0 | 380.905 | 384.672 | 3.767 | 77.683 |

ESTUDIO

Se ha realizado un estudio sobre los parámetros numéricos de este algoritmo comparando la evolución del mejor individuo y la media de los individuos

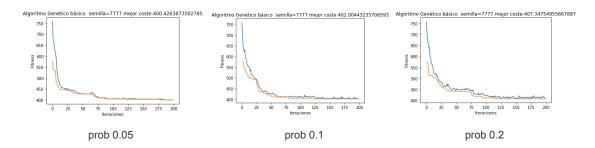
Estudio del número de generaciones



Como podemos observar, a medida que el número de generaciones aumenta, mejoran los resultados. Sin embargo, una vez que el algoritmo ha convergido, la mejora es mínima, o incluso inexistente, por lo que es más rentable buscar un número óptimo de generaciones.

PRÁCTICA 2 Pablo Cordón

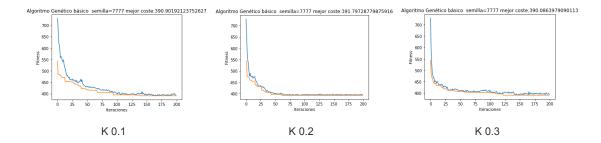
Estudio de la probabilidad de mutación



La probabilidad de mutación se define como un porcentaje normalizado [0 - 1], como se puede observar en las gráficas, al elegir una probabilidad de mutación grande se consiguen los resultados varían más. Esto es debido a que se permite al algoritmo explorar más con una probabilidad alta de mutación antes de terminar la ejecución. Para una ejecución óptima, la probabilidad de mutación debería de ser alta al principio e ir disminuyendo en función al número de iteraciones.

En nuestro caso, al tener que ser este constante y con un valor de entre 5% y 20%, la exploración del algoritmo no es especialmente alta.

• Estudio del parámetro k de torneo



El parámetro K define el porcentaje de la población que se utilizara para la selección de dos individuos a cruzar mediante torneo. Se observa que se obtienen los mejores resultados globales (ambas semillas) con un 10% de los individuos. Pero, para una ejecución óptima, este parámetro debería de empezar con un valor pequeño permitiendo así una mayor exploración, e ir creciendo en el tiempo, para ofrecer una mayor explotación.



ALGORITMO CHC

Este algoritmo, a diferencia del algoritmo genético básico, en cada iteración desordena la población de individuos y genera una población de hijos de cada par de individuos en las que su distancia de Hamming sea superior a la distancia calculada en la iteración. Esta distancia de Hamming se inicializará como la longitud del tamaño de población dividido entre 4 y en cada iteración en la que la población no se altere, se reducirá en 1. Una vez que esta distancia llegue a 0, se reinicializará la población en base a mutaciones del mejor individuo y el mismo y, se reiniciará la distancia de Hamming. La condición de parada de este algoritmo es un número de reinicios fijo.

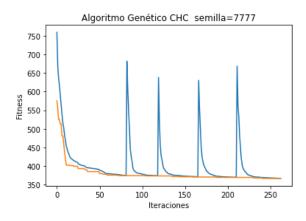
En este caso, para obtener buenos resultados, se ha establecido una población de entre 15 y 30 individuos, 4 reinicios y un umbral de 16/4 = 4

| Algoritmo | Ev. Mejor | Ev. Media | Ev. Desv | Fitness. mejor | Fitness. Media | Fitness. Desv | Tiempo |
|-----------|-----------|-----------|----------|-------------------|-------------------|------------------|--------|
| CHC | 20259 | 29195 | 8936 | 367.694 | 367.956 | 0.261 | 509.36 |

Como se puede observar, este algoritmo genético mejora considerablemente los resultados anteriores. También es, con diferencia, el que más veces llama a la función de evaluación, y mayor desviación típica sobre este valor tiene. Esto se debe a la condición de parada, en la que reinicializaremos cada vez que converja.

Sin embargo, la desviación típica de la función fitness es muy baja, lo cual quiere decir que la explotación y exploración del espacio de búsqueda han llegado a la misma región (o regiones muy parecidas).

La cantidad de tiempo que este algoritmo tarda en ejecutarse es directamente proporcional al número de llamadas a la función fitness.





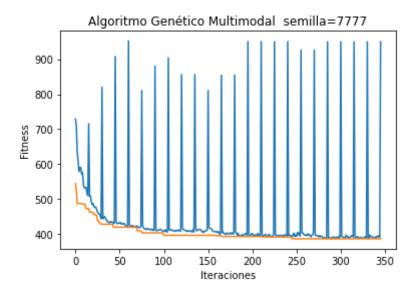
ALGORITMO GENÉTICO MULTIMODAL

El algoritmo genético multimodal es un algoritmo que utiliza como base el algoritmo genético generacional básico y, la única diferencia que se encuentra frente a este algoritmo es que realiza un proceso de aclarado antes de generar la población de hijos. Este proceso de aclarado sirve para eliminar las soluciones repetidas o muy próximas. De esta forma se consigue una mayor capacidad de exploración.

| Algoritmo | Ev. Mejor | Ev. Media | Ev. Desv | Fitness. mejor | Fitness. Media | Fitness. Desv | Tiempo |
|------------------|-----------|-----------|----------|-------------------|-------------------|------------------|---------|
| G. Multimodal | 5.900 | 7.212 | 1.312 | 382.519 | 386.633 | 4.115 | 115.790 |

Se observa, como era de esperar, un comportamiento muy parecido al que se ha obtenido en el algoritmo genético básico. Esto es debido a que este algoritmo parte del funcionamiento del algoritmo genético básico y en lo único en lo que cambia es en la distribución de soluciones gracias al proceso de aclarado, sin llegar a mejorar ligeramente los resultados de este.

En este caso, se ha establecido como radio de nicho (σ) un 3% del cromosoma y 5 individuos por nicho (**kappa**).





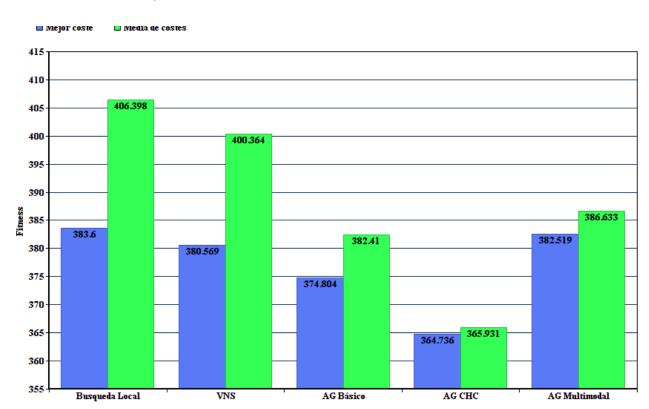
PRÁCTICA 2 Pablo Cordón

COMPARACIÓN DE ALGORITMOS

• Tabla comparativa

| Algoritmo | Ev. Mejor | Ev. Media | Ev. Desv | Fitness. mejor | Fitness. Media | Fitness. Desv | Tiempo |
|---------------|-----------|-----------|----------|----------------|----------------|------------------|---------|
| BL Primer | 267 | 269 | 2 | 393.600 | 406.398 | 12.797 | 4.734 |
| Búsqueda VNS | 1773 | 2155 | 382 | 381.139 | 400.212 | 19.073 | 37.608 |
| G.Básico | 5025 | 5025 | 0 | 380.905 | 384.672 | 3.767 | 77.683 |
| CHC | 20259 | 29195 | 8936 | 367.694 | 367.956 | 0.261 | 509.36 |
| G. Multimodal | 5900 | 7212.5 | 1312.5 | 382.519 | 386.633 | 4.115 | 115.790 |

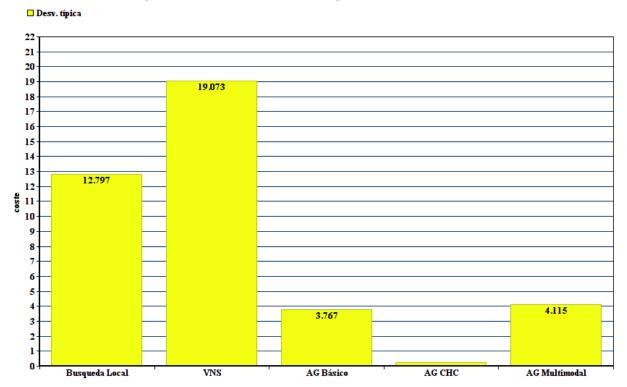
• Gráfica de comparación de costes



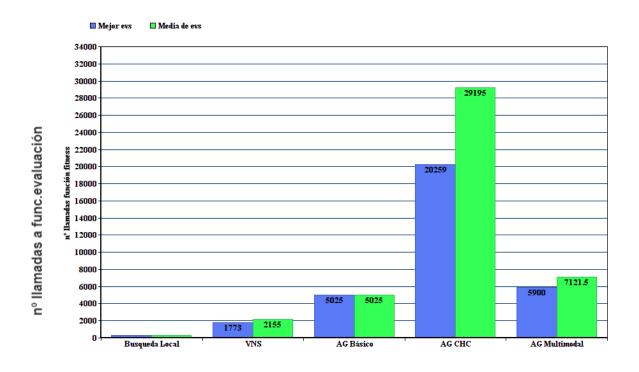


MBMH

Gráfica de comparación de desviación típica de los costes



Gráfica de comparación de número de llamadas a la función de evaluación

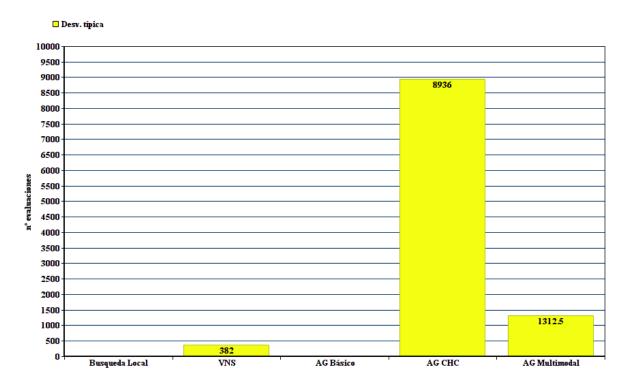




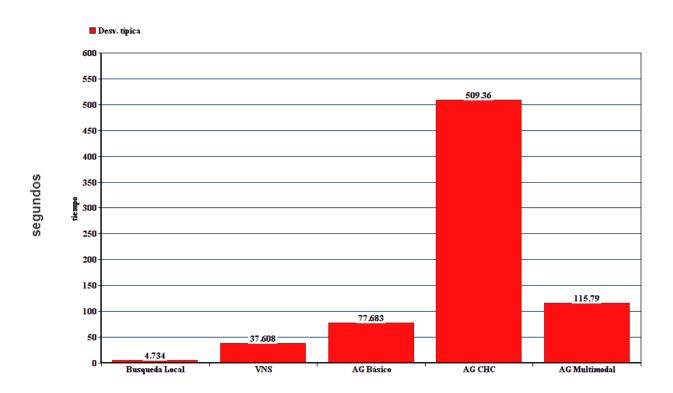




 Gráfica de comparación de desviación típica en el número de llamadas a la función de evaluación



• Gráfica de comparación de tiempos





OBSERVACIONES

- Debido a que el Algoritmo Genético Básico Generacional siempre realiza el mismo número de iteraciones, la desviación típica del número de llamadas a la función de evaluación es 0
- El tiempo de ejecución del algoritmo y el número de llamadas a la función de evaluación son directamente proporcionales, pues lo más costoso de todos estos algoritmos son las llamadas a la función de evaluación.
- Los picos que podemos observar en las gráficas de coste medio de los AG CHC y Multimodal corresponden a cada vez que en el código se realiza un reinicio o un clearing, respectivamente.
- La mayor desviación típica respecto al número de llamadas a la función fitness la tiene el algoritmo Genético CHC. Esto puede deberse al valor aleatorio de la población para cada una de las semillas, al igual que el uso de esta función de evaluación en cada reinicio y en funciones auxiliares como check_pob_igual(). Al mismo tiempo, este algoritmo también tiene la menor desviación típica respecto al fitness.
- Por otro lado, se observa que el algoritmo más inconsistente con la generación solución es el algoritmo "VNS", lo cual era de esperar, ya que este aumenta el tamaño del entorno cuando la búsqueda no avanza.

CONCLUSIONES

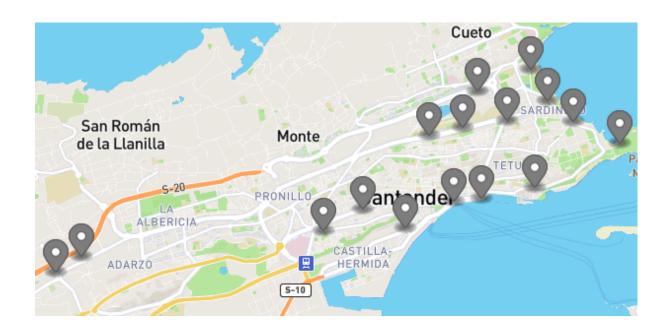
Si bien las mejores soluciones las aporta el Algoritmo Genético CHC, este es también la que tarda mayor tiempo, por lo que en el caso de tener un equipo con menor capacidad computacional, o un dataset mayor, el tiempo de evaluación crecería exponencialmente, pudiendo llegar a tiempos inalcanzables.

Por lo general, la desviación típica del coste no es muy grande en este dataset, pero teniendo en cuenta la robustez de los algoritmos, el más robusto teniendo en cuenta coste y llamadas a la función fitness es el AG Básico Generacional, ya que su número de iteraciones y parámetros numéricos son constantes.



REPRESENTACIÓN DE LAS ESTACIONES EN EL MAPA

Para representar la solución final en un mapa hemos usado el repositorio interactivo de github "geojson" (http://geojson.io/#map=13/43.4836/-3.8353), que nos permite indicar puntos en un mapa con un json dadas unas coordenadas y definir para cada uno de estos puntos ciertos elementos, en nuestro caso el id, la posición en la que se encuentra en el dataframe, el número de bicicletas en la solución inicial, y el número de bicicletas en la mejor solución de todas las estudiadas



```
"type": "Feature",

"geometry": {
    "type": "Point",
    "coordinates": [
        -3.817978245,
        43.46072554
    ]
},

"properties": {
    "id": 13,
    "pos_dataframe": 9,
    "sol_ini": 10,
    "sol_final": 15
}
```

