哈佛大学 董献军博士 简历

xdong@rics.bwh.harvard.edu | +1 774-641-4728 | wechat: sterding | www.sterding.com

教育背景 EDUCATION BACKGROUND

湖北黄冈中学 -- 东南大学本科(少年班) -- 东南大学硕士(保送) -- 挪威 Bergen 大学博士

工作经历 WORK EXPERIENCE

美国麻省大学医学院博士后(2010 - 2013) - 哈佛大学医学院讲师(2013 - 至今) - 哈佛大学附属医院 Brigham and Women's Hospital 神经内科系研究员(2013 - 至今) - BWH 医院精准神经科学计算生物学主任(2016 - 至今)

发表文章 PUBLICATION

共发表文章 24 篇, H-index 为 19, 累计引用次数超过 9000 次, 其中

- 第一作者: 8 篇,包括 1 篇 Nature Neuroscience (IF=17.839),2 篇 Genome Biology (IF=11.9), 1 篇 Nucleic Acids Research (IF=10.2),1 篇 Epigenomics (IF=4.5),1 篇 PLoS ONE (IF=2.8),1 篇 BMC Bioinformatics (IF=2.4)
- 共同作者: 16 篇,发表在 *Nature、Science、Cell*等一流期刊,其中作为主要分析人员参与的 ENCODE 项目被 *Science* 杂志评为 2012 年度十大科学突破之一。

项目基金 FUNDING

主持项目:美国帕金森病学会研究基金(PI);陈-扎尔伯格计划科学挑战基金(co-PI,在审)

参与项目(作为核心成员): 3项已完成, 3项资助中

获奖荣誉 AWARD & HONOR

国际大学生数学建模竞赛(ICM)一等奖,全国大学生电子设计竞赛一等奖,两岸三地精英挑战赛团体一等奖,中国国家优秀自费留学生奖学金,美国人类遗传学年会(ASHG)优秀论文奖

评审编委 EDITORIAL

杂志审稿: Nature Biotechnology, Genome Biology, NAR, PLoS Genetics 等 16 家科学期刊 杂志编辑: Frontiers in Neuroscience - Neurogenomics; Personalized Medicine; PeerJ; PLoS ONE

研究领域 RESEARCH AREA

- 基因调控(比较基因组学,增强子,启动子,非编码 RNA, eQTL)
- 生物计算(NGS 数据分析,疾病发生及发展的预测模型,基因表达预测模型)
- 神经科学(神经退行性疾病,例如帕金森症、阿尔兹海默症、亨廷顿症等)

未来方向 FUTURE DIRECTION

- 生物信息中心(筹建或者共建生物信息学平台,包括云计算+软件库+应用模块+培训等)
- 生物样本库(借鉴在哈佛生物标记物中心的经验,推动建立适合中国的生物样本库)
- 神经疾病的预测模型 (整合组学、临床、影像、活动的大数据,建立神经性疾病 OCIA 预测模型)
- 脑信息学(神经元转录组学,神经突触的疾病模型,3D虚拟人脑基因转录图谱)