哈佛大学 董献军博士 简历

xdong@rics.bwh.harvard.edu | +1 774-641-4728 | wechat: sterding | www.sterding.com

教育背景 EDUCATION BACKGROUND

湖北黄冈中学 -- 东南大学本科(少年班) -- 东南大学硕士(保送) -- 挪威 Bergen 大学博士

工作经历 WORK EXPERIENCE

美国麻省大学医学院博士后(2010 - 2013) - 哈佛大学医学院讲师(2013 - 至今) - 波士顿 Brigham and Women's Hospital 医院神经内科系研究员(2013 - 至今) - 哈佛大学生物标记物中心计算神经学主任(2016 - 至今)

发表文章 PUBLICATION

共发表文章 23 篇, H-index 为 17, 累计正面引用次数超过 9000 次, 其中

- 第一作者: 7篇,包括 2篇 Genome Biology(IF=11.9),1篇 Nucleic Acids Research (IF=10.2),1篇 Epigenomics(IF=4.5),1篇 PLoS ONE (IF=2.8),1篇 BMC Bioinformatics (IF=2.4)
- 共同作者: 16 篇,发表在 Nature、Science、Cell等一流期刊,其中作为主要分析人员参与的 ENCODE 项目被 Science 杂志评为 2012 年十大年度科学突破之一。

此外,一篇第一作者文章投到 Nature Neuroscience,在评议后修订阶段,有望近期发表。

项目基金 FUNDING

独立 PI 项目: 1 项 (美国帕金森学会研究基金, \$50,000) 批准, 1 项 (美国帕金森基金会 Stanley Fahn 青年科学家奖, \$300,000) 在审

参与项目(作为核心成员): 3项已完成, 3项资助中

获奖荣誉 AWARD & HONOR

国际大学生数学建模竞赛(ICM)一等奖,全国大学生电子设计竞赛一等奖,两岸三地精英挑战赛团体一等奖,国家优秀自费留学生奖学金,美国人类遗传学会(ASHG)优秀论文奖

评审编委 EDITORIAL

审稿人: Nature Biotechnology, Genome Biology, NAR, PLoS Genetics 等 16 家科学期刊 编辑: Personalized Medicine, PeerJ, Evolutionary Bioinformatics

研究领域 RESEARCH AREA

- 基因调控(比较基因组学,增强子,启动子,非编码 RNA, eQTL)
- 生物计算(疾病发生及发展的预测模型,基因表达预测模型)
- 神经科学(帕金森症、阿尔兹海默症、亨廷顿症等)

未来方向 FUTURE DIRECTION

- 生物信息中心(筹建或者共建生物信息学平台,包括云计算+软件库+应用模块+培训等)
- 生物样本库(借鉴在哈佛生物标记物中心的经验,推动建立适合中国的生物样本库)
- 神经疾病的预测模型 (整合组学、临床、影像、活动的大数据,建立神经性疾病 OCIA 预测模型)
- 脑信息学(单神经元转录组学,神经突触的疾病模型,3D虚拟人脑基因转录图谱)