Trabajo 1

Alejandro García Montoro 20 de marzo de 2016

Generalización y visualización de datos

Ejercicio 1

La siguiente función genera una lista de N vectores. Cada uno de ellos contiene una muestra de tamaño dim de una distribución uniforme entre los valores especificados por rango.

La implementación es sencilla: como runif —el generador aleatorio de muestras de una distribución uniforme—recibe el número de muestras que se desean tomar, basta aplicar esta función al número dim tantas veces como indique N. Esto se consigue con la función lapply, que genera una lista del mismo tamaño que la list que se le pasa como primer argumento, ejecutando entonces la función pasada como segundo argumento sobre cada uno de los valores de la lista.

```
simula_unif <- function(N, dim, rango){
   lapply(rep(dim, N), runif, min = rango[1], max = rango[2])
}</pre>
```

Ejercicio 2

La siguiente función genera una lista de N vectores. Cada uno de ellos contiene una muestra de tamaño dim de una distribución gaussiana de media 0 y desviación típica correspondiente al elemento especificado en el vector sigma.

La implementacióne es igual que la anterior, cambiando la función runif por rnorm.

```
simula_gauss <- function(N, dim, sigma){
    lapply(rep(dim, N), rnorm, mean = 0, sd = sigma)
}</pre>
```

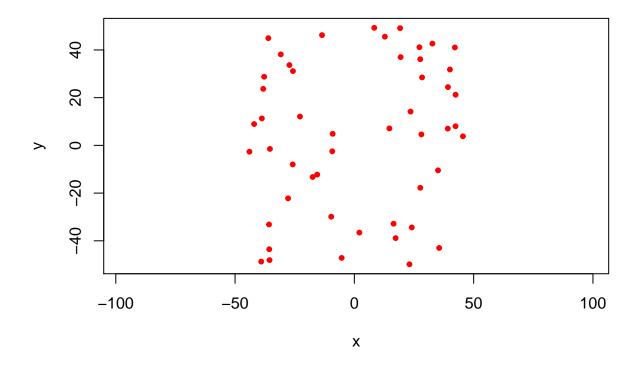
Ejercicio 3

Primero generamos los datos solicitados, usando la función anterior y tomando como \mathbf{x} (resp. \mathbf{y}) los primeros (resp. segundos) valores de cada vector generado:

```
datos_unif <- simula_unif(50, 2, c(-50,50))
x <- unlist(lapply(datos_unif, '[[', 1))
y <- unlist(lapply(datos_unif, '[[', 2))</pre>
```

Para el dibujo de la gráfica usamos la función plot:

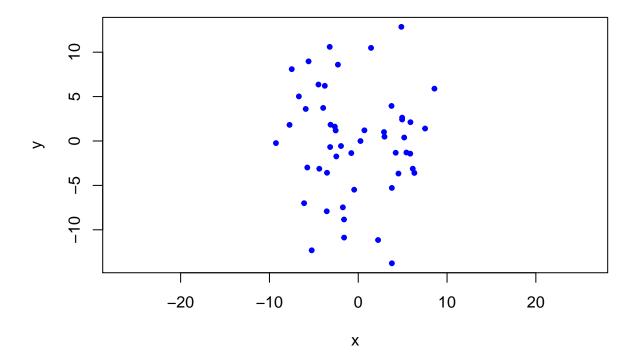
```
plot(x, y, col = 'red', pch = 20, asp=1)
```



```
datos_norm <- simula_gauss(50, 2, c(5,7))
x <- unlist(lapply(datos_norm, '[[', 1))
y <- unlist(lapply(datos_norm, '[[', 2))</pre>
```

Para la generación de la gráfica necesitamos conocer el intervalo en el que se mueven los datos. La función range nos devuelve justo eso, y con su resultado podemos definir los intervalo de cada eje:

```
plot(x, y, xlim = range(x), ylim = range(y), asp = 1, col = 'blue', pch = 20)
```



```
simula_recta <- function(intervalo){
    # Simulamos dos puntos dentro del cuadrado intervalo x intervalo
    punto1 <- runif(2, min=intervalo[1], max=intervalo[2])
    punto2 <- runif(2, min=intervalo[1], max=intervalo[2])

# Generamos los parámetros que definen la recta
    a <- (punto2[2] - punto1[2]) / (punto2[1] - punto1[1])
    b <- -a * punto1[1] + punto1[2]

# Devolvemos un vector concatenando ambos parámetros
    c(a,b)
}</pre>
```

Ejercicio 6

Para este ejercicio y el siguiente vamos a crear una estructura abstracta que genera funciones etiquetadoras. Para ello, definimos generador_etiquetados, una función que al ser llamada con otra función f como parámetro, devuelve una función etiquetadora; es decir, una función que devuelve 1 o -1 según el signo que toma la función f al recibir los parámetros x e y:

```
generador_etiquetados <- function(f){
   function(x,y){
      sign(f(x,y))
   }
}</pre>
```

Resolver el ejercicio con la estructura anterior es ahora más sencillo: simplemente tenemos que definir la función f(x,y) = y - ax - b, donde a y b son los parámetros que definen la recta y = ax + b.

Por tanto, basta simular una recta haciendo uso de la función implementada anteriormente y definir la función f1, que será la que pasaremos al generador de funciones etiquetadoras:

```
recta <- simula_recta(c(-50,50))

f1 <- function(x,y){
    y - recta[1]*x - recta[2]
}

etiquetado1 <- generador_etiquetados(f1)</pre>
```

Por último, generamos la gráfica solicitada simulando datos de una distribución uniforme: extraemos los datos de las ordenadas, los de las abscisas y generamos los etiquetados con la función etiquetado1:

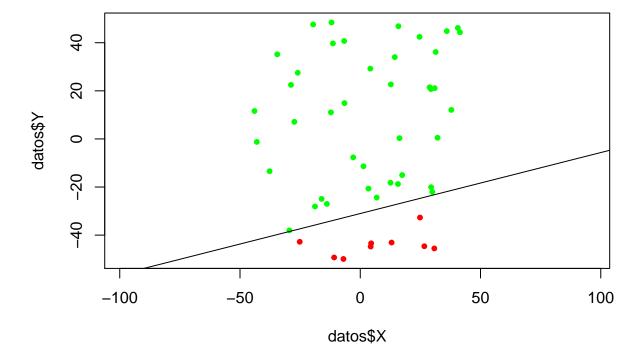
```
datos_unif <- simula_unif(50, 2, c(-50,50))

x <- unlist(lapply(datos_unif, '[[', 1))
y <- unlist(lapply(datos_unif, '[[', 2)))

datos <- data.frame(X = x, Y = y, Etiqueta = etiquetado1(x,y))</pre>
```

Por último, generamos la gráfica con plot, asignando un color diferente según el etiquetado, y añadiendo la gráfica de la recta simulada:

```
colores <- ifelse(datos$Etiqueta == 1, "green", "red")
plot(datos$X, datos$Y, xlim = range(datos$X), ylim = range(datos$Y), asp = 1, col = colores, pch = 20)
abline(rev(recta))</pre>
```



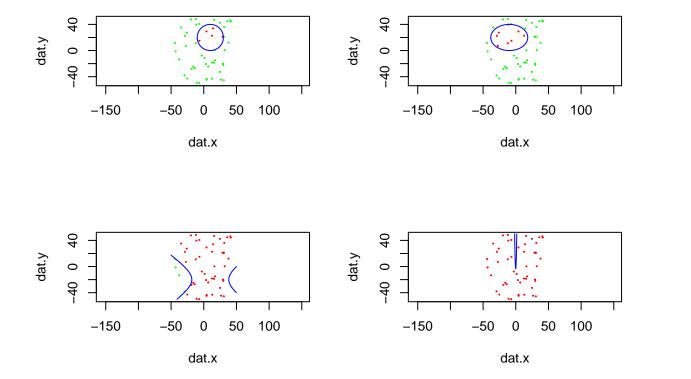
```
f2 <- function(x,y){
    (x-10)**2 + (y-20)**2 - 400
}

f3 <- function(x,y){
    0.5*(x+10)**2 + (y-20)**2 - 400
}

f4 <- function(x,y){
    0.5*(x-10)**2 - (y+20)**2 - 400
}

f5 <- function(x,y){
    y - 20*x**2 - 5*x + 3
}</pre>
```

```
genera_grafico <- function(dat.x, dat.y, f, ...){</pre>
    etiquetado <- generador_etiquetados(f)</pre>
    etiquetas <- etiquetado(dat.x, dat.y)</pre>
    colores <- ifelse(etiquetas == 1, "green", "red")</pre>
    plot(dat.x, dat.y, asp = 1, col = colores, pch = 20, ...)
    f.x \leftarrow seq(-50, 50, length=1000)
    f.y \leftarrow seq(-50, 50, length=1000)
    f.z <- outer(f.x, f.y, f)</pre>
    contour(f.x, f.y, f.z, levels=0, col = "blue", add=T, drawlabels=F)
    return(etiquetas)
}
par(mfrow=c(2, 2))
etiquetas_2 <- genera_grafico(x, y, f2, cex=0.25)
etiquetas_3 <- genera_grafico(x, y, f3, cex=0.25)
etiquetas_4 <- genera_grafico(x, y, f4, cex=0.25)
etiquetas_5 <- genera_grafico(x, y, f5, cex=0.25)
```



par(mfrow=c(1, 1))

abline(rev(recta), col="blue")

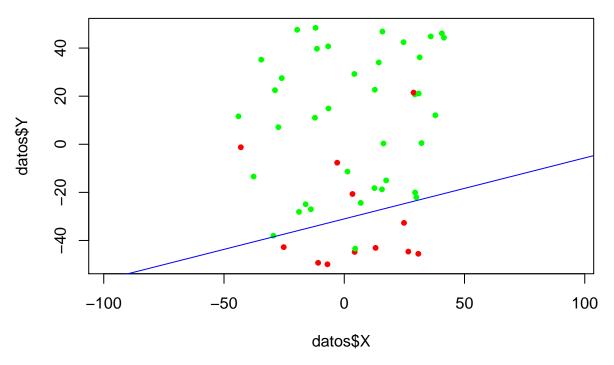
```
# Get indices of the labelled data, divided into positive and negative
indices_pos <- which(datos$Etiqueta %in% 1)
indices_neg <- which(datos$Etiqueta %in% -1)

# Get a random sample of those indices, of size 10%
cambiar_pos <- sample(indices_pos, round(0.1*length(indices_pos)))
cambiar_neg <- sample(indices_neg, round(0.1*length(indices_neg)))

# Change those positions
datos$Etiqueta[cambiar_pos] <- -1
datos$Etiqueta[cambiar_neg] <- 1

colores <- ifelse(datos$Etiqueta == 1, "green", "red")

plot(datos$X, datos$Y, xlim = range(datos$X), ylim = range(datos$Y), asp = 1, col = colores, pch = 20)</pre>
```



```
genera_grafico <- function(dat.x, dat.y, f, generarRuido = F, ...){</pre>
    etiquetado <- generador_etiquetados(f)</pre>
    etiquetas <- etiquetado(dat.x, dat.y)</pre>
    if(generarRuido){
        # Get indices of the labelled data, divided into positive and negative
        indices_pos <- which(etiquetas %in% 1)</pre>
        indices_neg <- which(etiquetas %in% -1)</pre>
        # Get a random sample of those indices, of size 10%
        cambiar_pos <- sample(indices_pos, round(0.1*length(indices_pos)))</pre>
        cambiar_neg <- sample(indices_neg, round(0.1*length(indices_neg)))</pre>
        # Change those positions
        etiquetas[cambiar_pos] <- -1
        etiquetas[cambiar_neg] <- 1</pre>
    }
    colores <- ifelse(etiquetas == 1, "green", "red")</pre>
    plot(dat.x, dat.y, asp = 1, col = colores, pch = 20, ...)
    f.x \leftarrow seq(-50, 50, length=1000)
    f.y <- seq(-50, 50, length=1000)
    f.z \leftarrow outer(f.x, f.y, f)
    contour(f.x, f.y, f.z, levels=0, col = "blue", add=T, drawlabels=F)
    return(etiquetas)
par(mfrow=c(2, 2))
etiquetas_ruido_2 <- genera_grafico(x, y, f2, generarRuido = T, cex=0.25)
```

```
etiquetas_ruido_3 <- genera_grafico(x, y, f3, generarRuido = T, cex=0.25)
etiquetas_ruido_4 <- genera_grafico(x, y, f4, generarRuido = T, cex=0.25)
etiquetas_ruido_5 <- genera_grafico(x, y, f5, generarRuido = T, cex=0.25)
                                                dat.y
     0
                   -50
                              50
                                  100
                                                        -150
                                                                              50
        -150
                         0
                                                                   -50
                                                                                  100
                       dat.x
                                                                       dat.x
dat.y
                                                dat.y
     0
                                                     0
        -150
                   -50
                         0
                              50
                                  100
                                                        -150
                                                                   -50
                                                                         0
                                                                              50
                                                                                  100
                       dat.x
                                                                       dat.x
par(mfrow=c(1, 1))
```

Ajuste del algoritmo Perceptron

```
ajusta_PLA <- function(datos, label, max_iter, vini){
    w <- c(vini, 1)
    changing <- T
    iteraciones <- 0

while(changing && iteraciones < max_iter){
    iteraciones <- iteraciones+1

    changing <- F

for(index in seq(label)){
        dato <- c(datos[index,], 1)
        etiq <- label[index]

    if(sign(sum(w*dato)) != etiq) {
        w <- w + etiq*dato
        changing <- T</pre>
```

```
}
}

# Return the Sol (a,b) that determine the line y = ax + b and the iterations
list(Sol = -c(w[1], w[3]) / w[2], Iter = iteraciones)
}
```

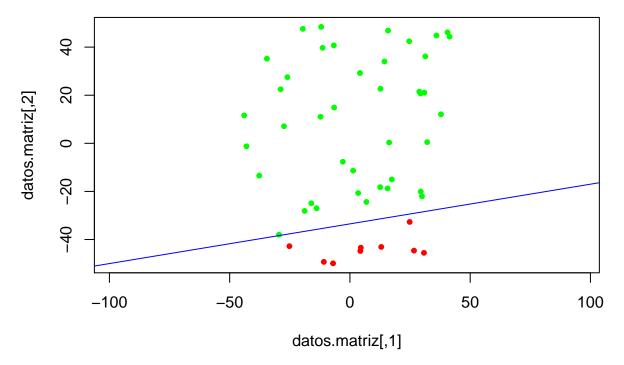
```
datos.matriz <- matrix(c(x,y), ncol = 2)
datos.etiqueta <- etiquetado1(x,y)

out_PLA <- ajusta_PLA(datos.matriz, datos.etiqueta, 10000000, c(0,0))
solucion <- out_PLA$Sol
iteraciones <- out_PLA$Iter

print(iteraciones)</pre>
```

[1] 45

```
colores <- ifelse(datos.etiqueta == 1, "green", "red")
plot(datos.matriz, asp = 1, col = colores, pch = 20)
abline(rev(solucion), col="blue")</pre>
```



```
wrapper <- function(vector){
   datos <- ajusta_PLA(datos.matriz, datos.etiqueta, 10000000, vector)</pre>
```

```
return(datos$Iter)
}
inicio_aleatorio <- lapply(simula_unif(10, 2, c(0,1)), wrapper)
media <- mean(unlist(inicio_aleatorio))</pre>
```

```
analisis_PLA <- function(max_iter, dat.x, dat.y, dat.etiquetas){
    datos.matriz <- matrix(c(dat.x, dat.y), ncol = 2)

    out_PLA <- ajusta_PLA(datos.matriz, dat.etiquetas, max_iter, c(0,0))
    recta <- out_PLA$Sol

    nuevo_etiquetado <- generador_etiquetados(function(x, y){ y - recta[1]*x - recta[2] })
    nuevas_etiquetas <- nuevo_etiquetado(dat.x, dat.y)

    mensaje <- paste("Número de etiquetas diferentes con", max_iter, "iteraciones:", sum(nuevas_etiquet print(mensaje)
}

for (max_iter in c(10, 100, 1000)) {
    analisis_PLA(max_iter, datos$X, datos$Y, datos$Etiqueta)
}

## [1] "Número de etiquetas diferentes con 10 iteraciones: 16"

## [1] "Número de etiquetas diferentes con 100 iteraciones: 7"

## [1] "Número de etiquetas diferentes con 1000 iteraciones: 11"</pre>
```

Ejercicio 4

```
for (max_iter in c(10, 100, 1000)) {
    analisis_PLA(max_iter, x, y, etiquetas_ruido_2)
}

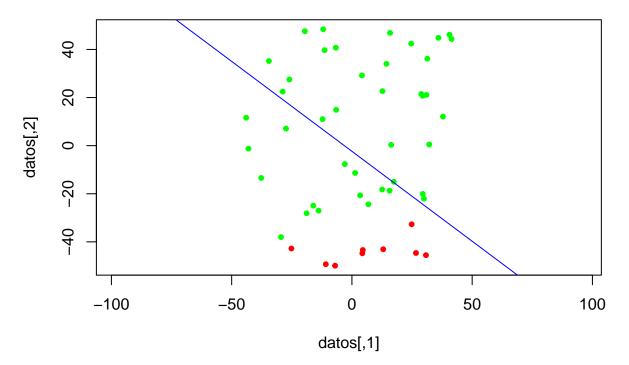
## [1] "Número de etiquetas diferentes con 10 iteraciones: 27"
## [1] "Número de etiquetas diferentes con 100 iteraciones: 39"
## [1] "Número de etiquetas diferentes con 1000 iteraciones: 30"
```

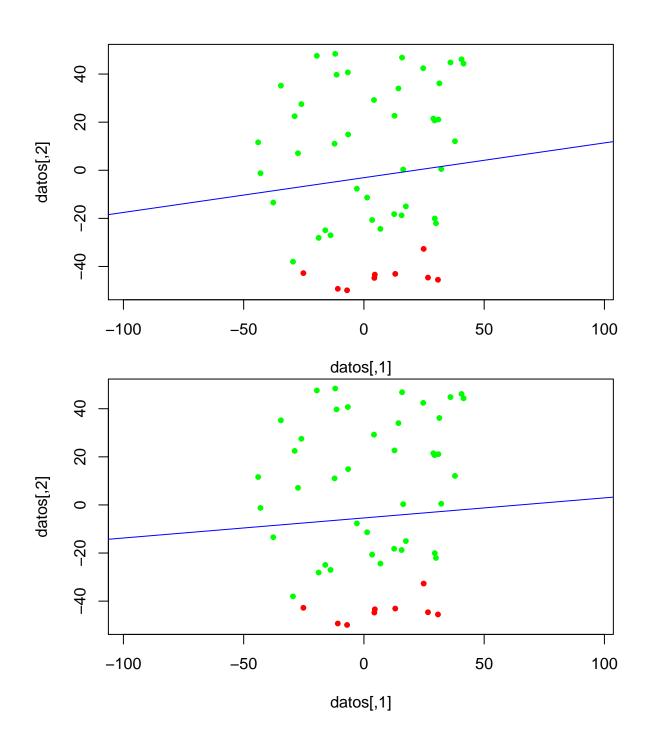
```
ajusta_PLA <- function(datos, label, max_iter, vini, sleep){
   w <- c(vini, 1)
   changing <- T
   iteraciones <- 0</pre>
```

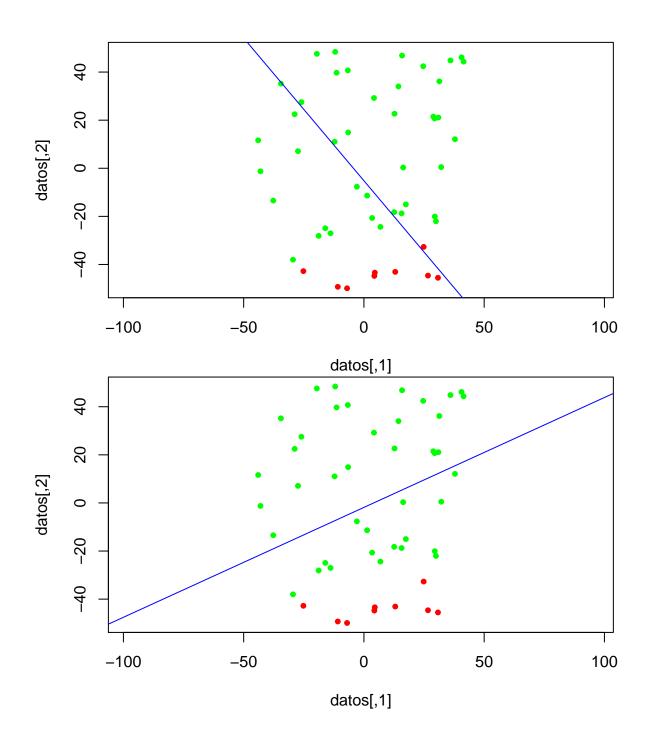
```
colores <- ifelse(label == 1, "green", "red")</pre>
while(changing && iteraciones < max_iter){</pre>
    iteraciones <- iteraciones+1</pre>
    changing <- F
    for(index in seq(label)){
        dato <- c(datos[index,], 1)</pre>
        etiq <- label[index]</pre>
        if(sign(sum(w*dato)) != etiq) {
             w <- w + etiq*dato
            changing <- T
        }
    }
    plot(datos, asp = 1, col = colores, pch = 20)
    abline(-c(w[3], w[1]) / w[2], col="blue")
    Sys.sleep(0.1)
}
# Return the Sol (a,b) that determine the line y = ax + b and the iterations
list(Sol = -c(w[1], w[3]) / w[2], Iter = iteraciones)
```

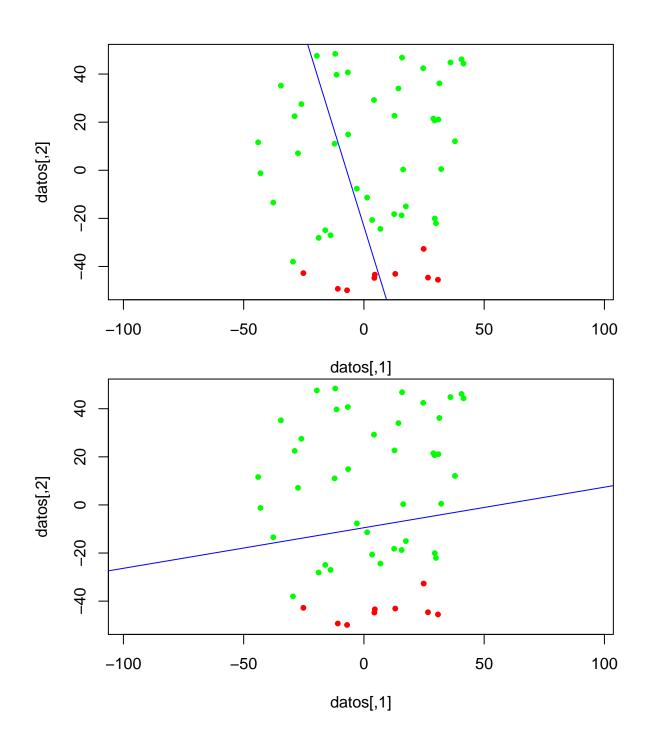
```
datos.matriz <- matrix(c(x,y), ncol = 2)
datos.etiqueta <- etiquetado1(x,y)

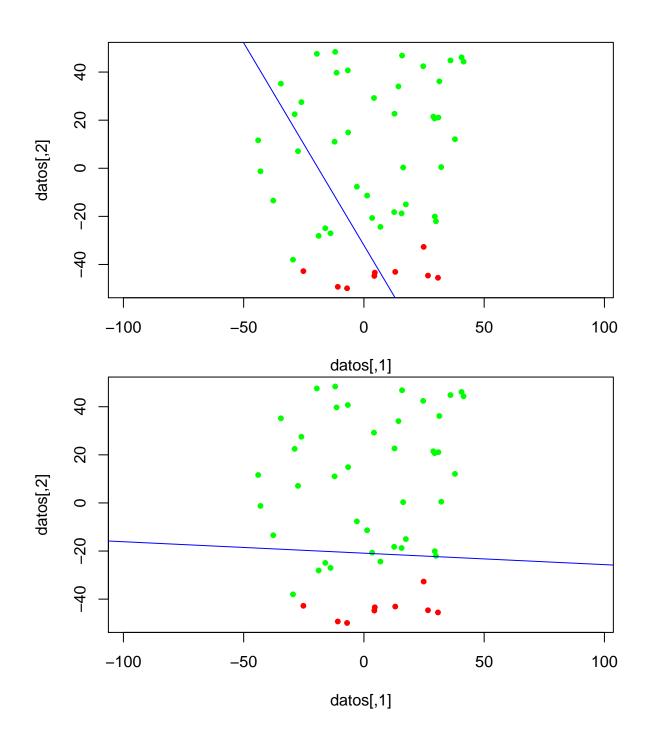
out_PLA <- ajusta_PLA(datos.matriz, datos.etiqueta, 10000000, c(0,0))</pre>
```

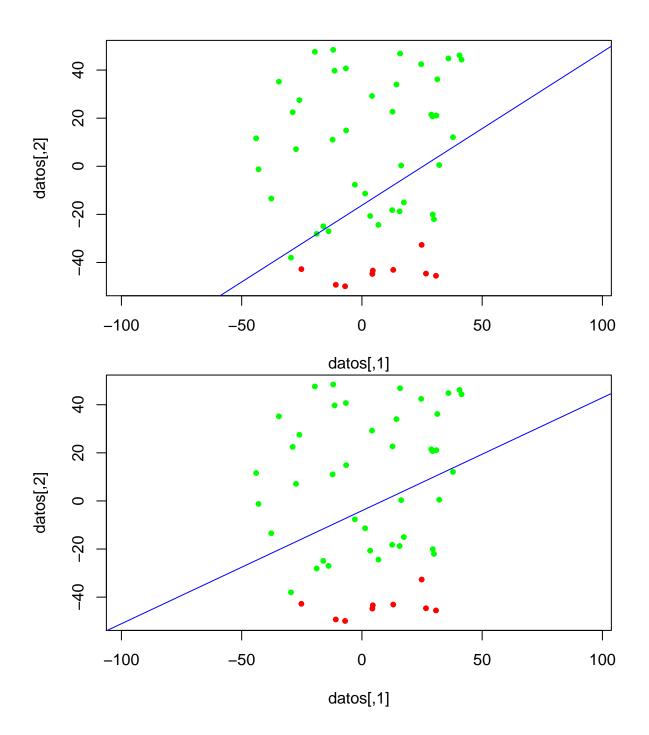


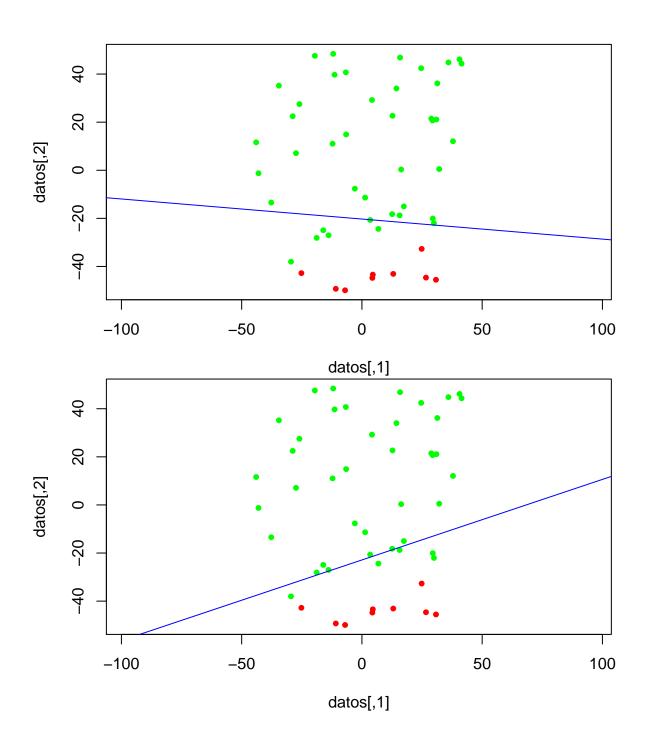


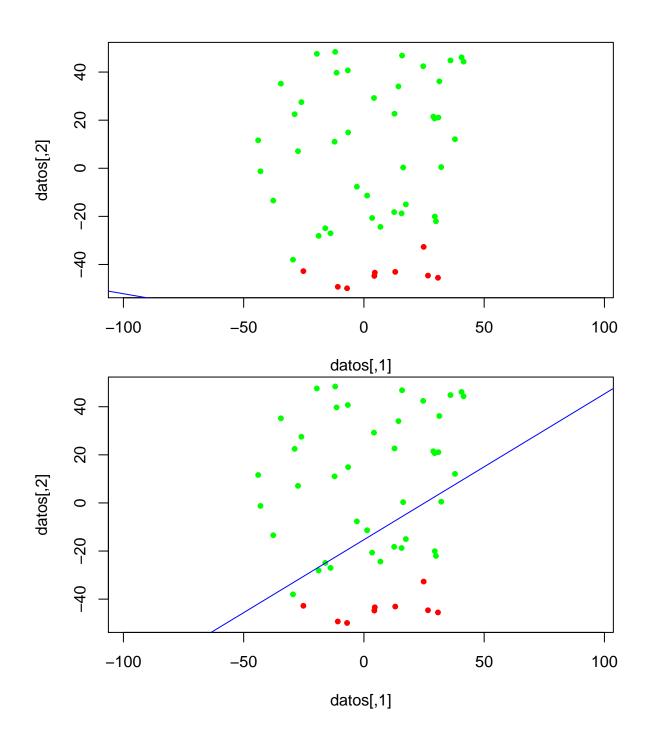


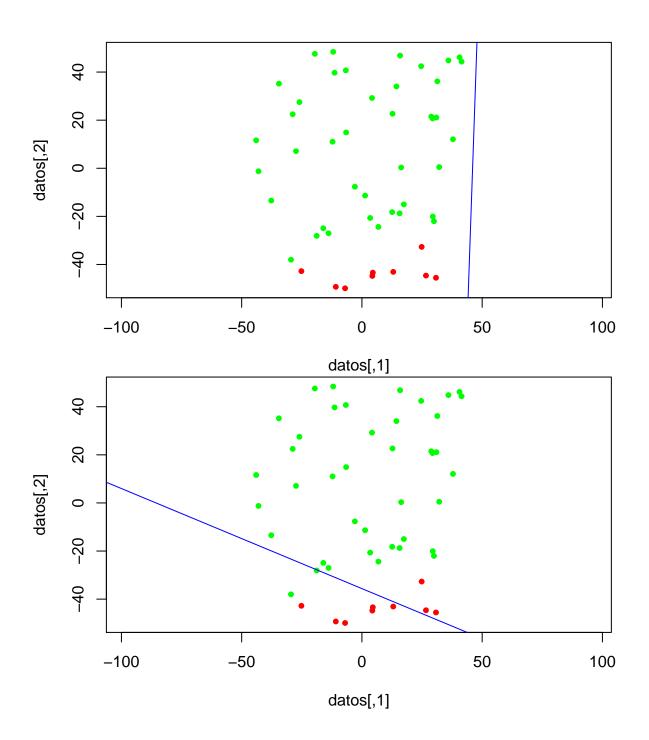


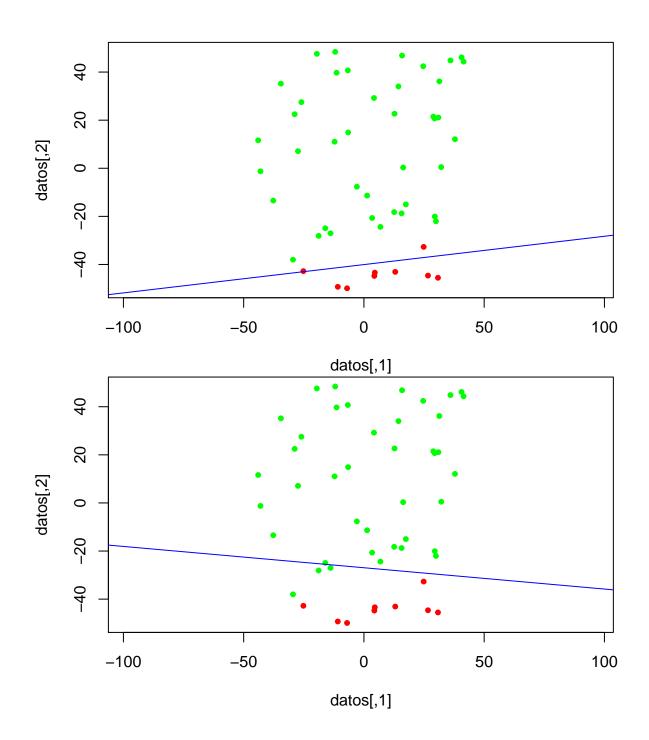


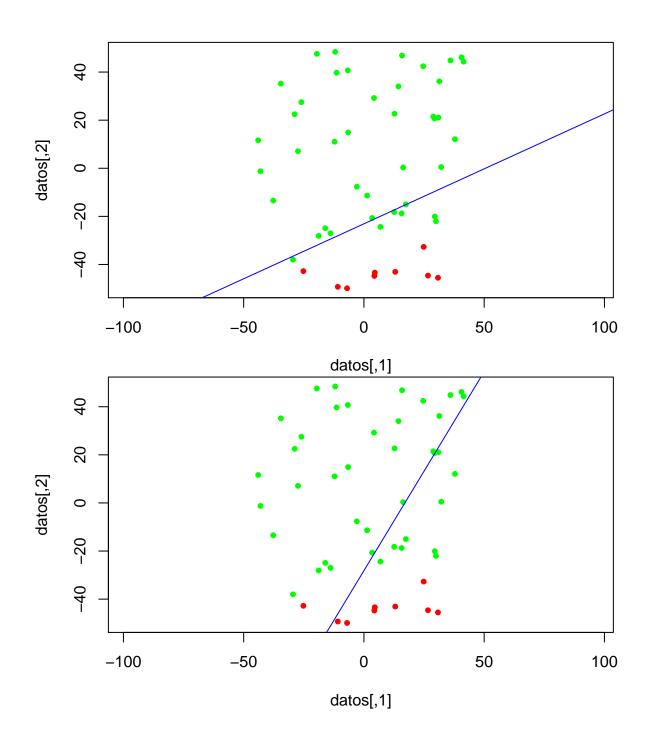


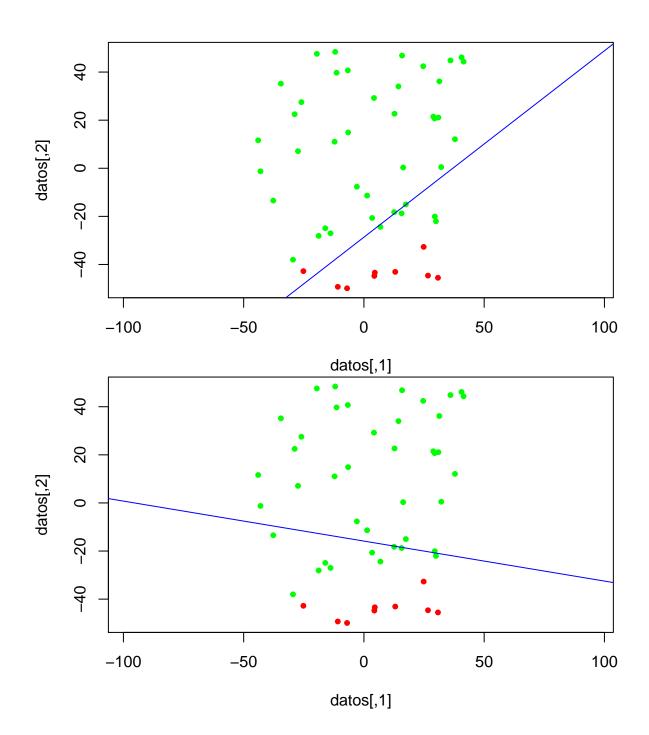


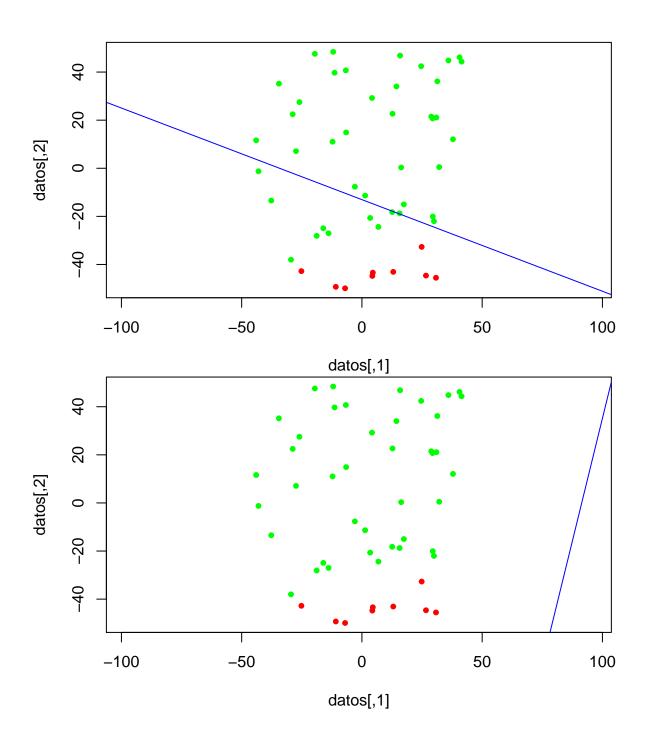


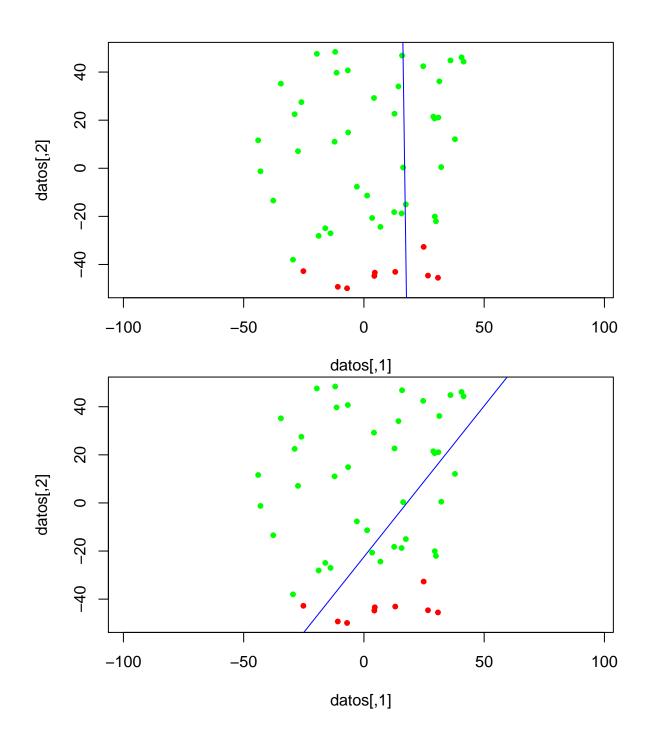


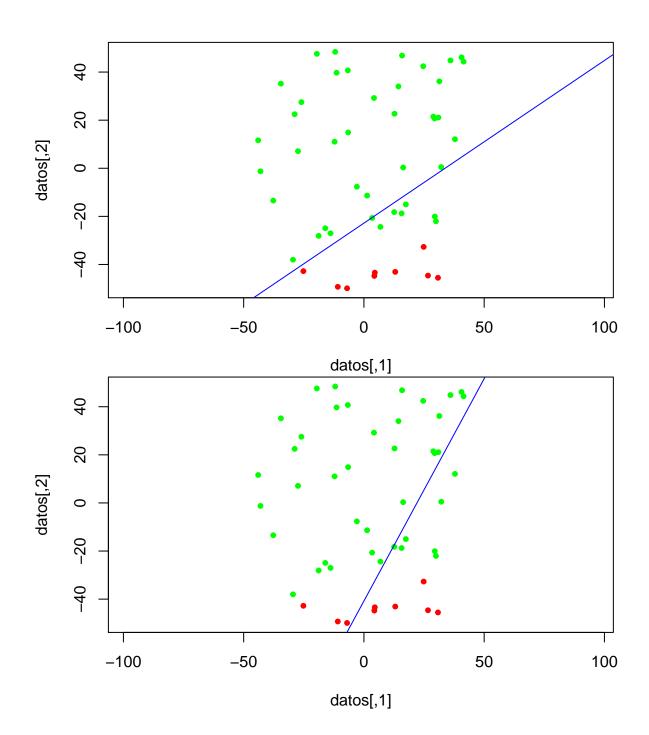


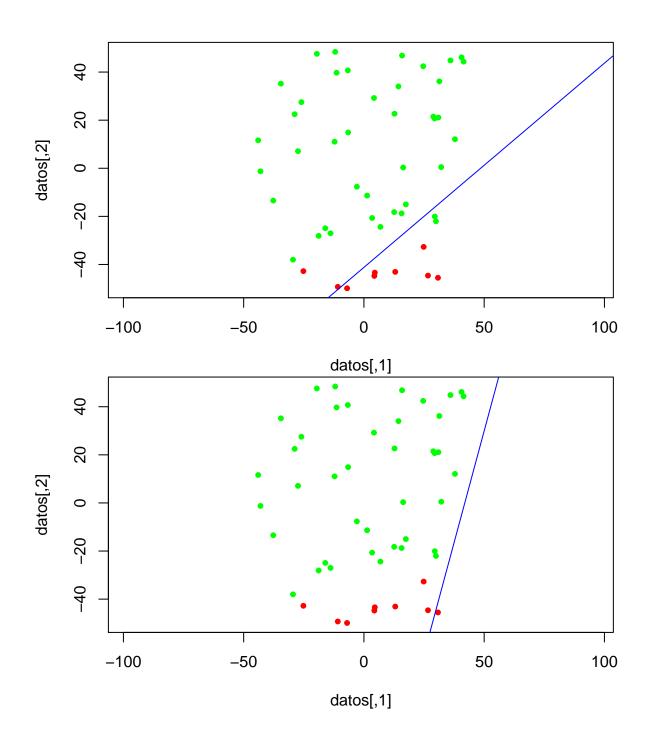


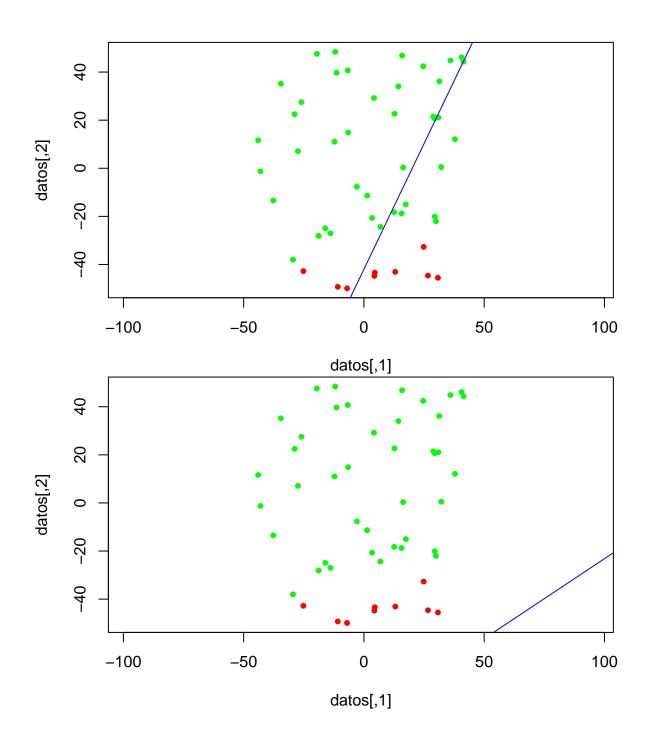


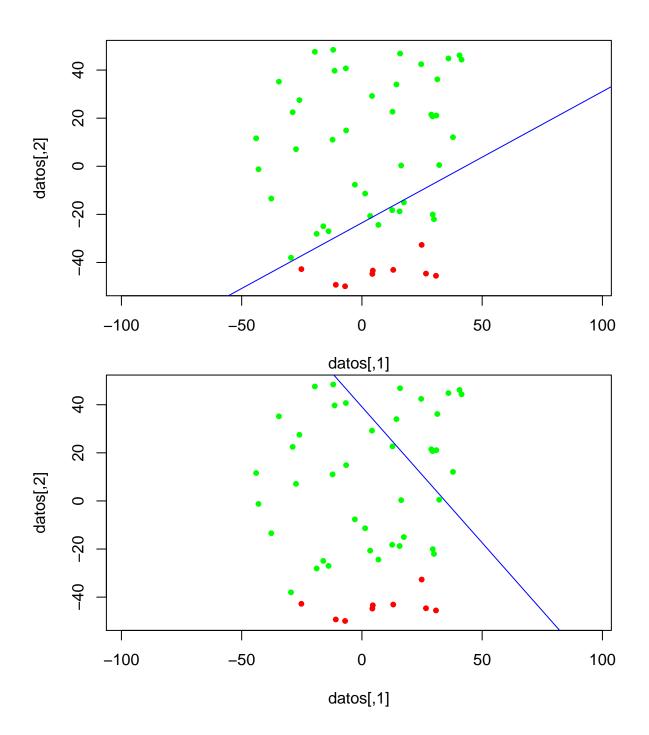


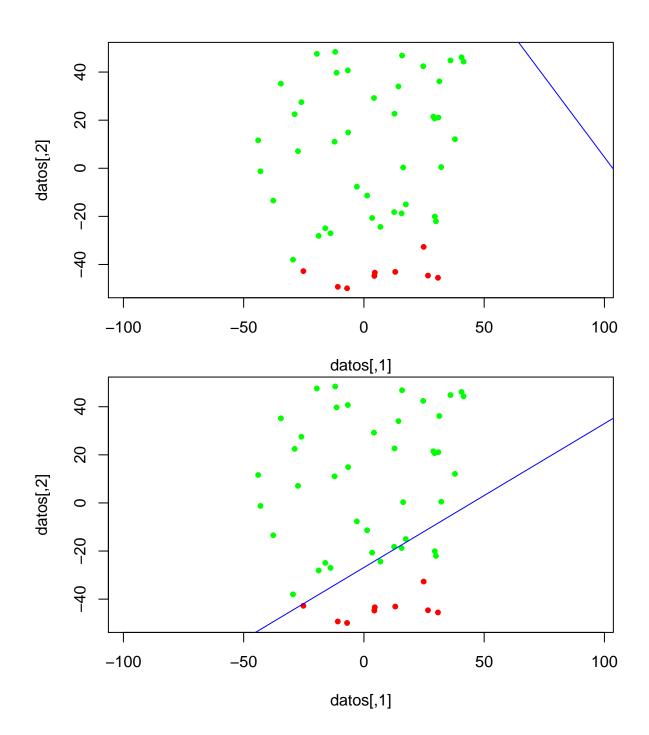


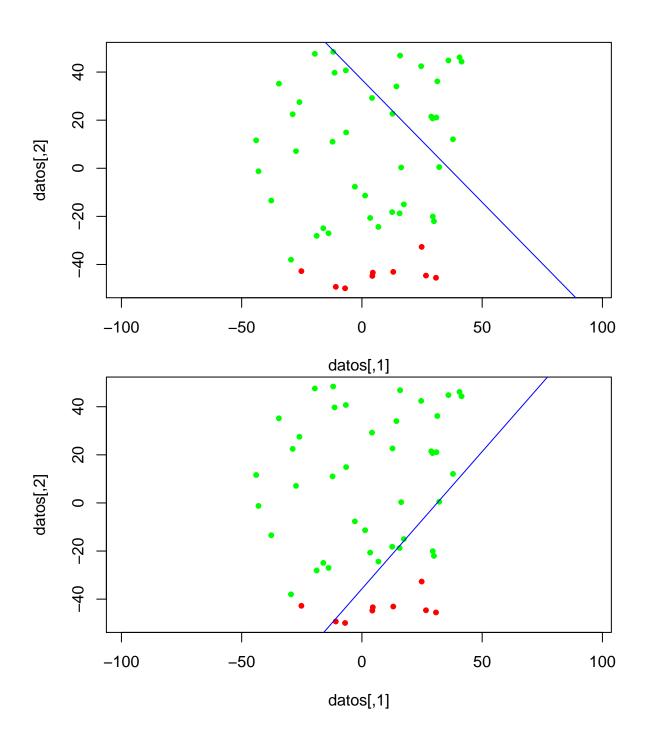


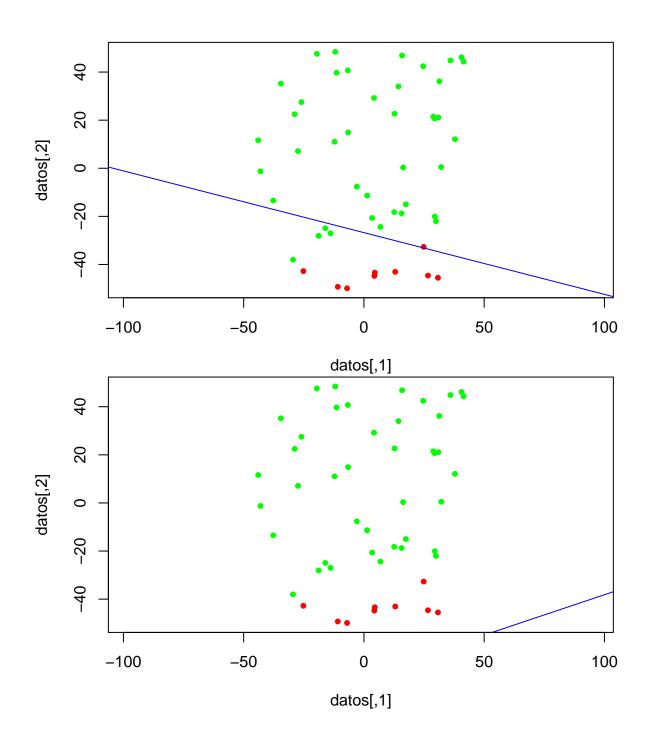


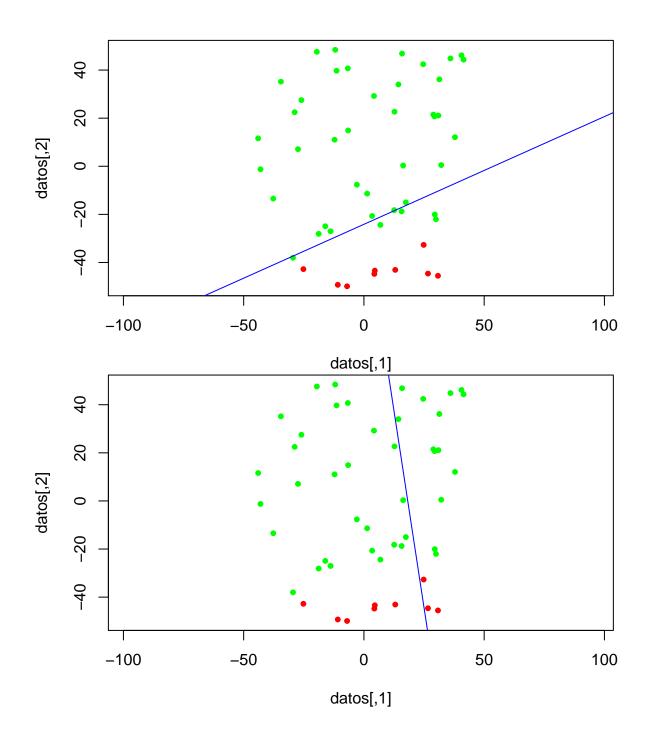


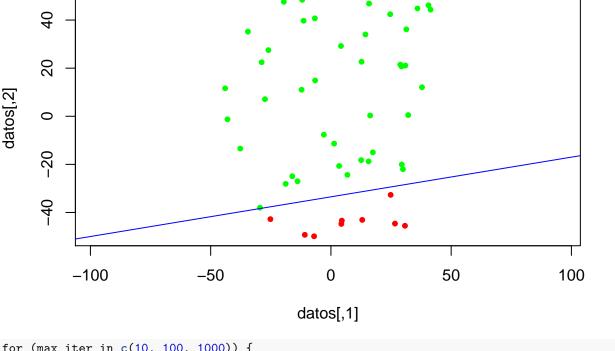












```
for (max_iter in c(10, 100, 1000)) {
    analisis_PLA(max_iter, datos$X, datos$Y, datos$Etiqueta)
}
```

Tratamos ahora de quedarnos con la mejor solución. Basta ir almacenando la recta que menor etiquetas erróneas tenga, de manera que tras el número máximo de iteraciones, si no se ha encontrado la óptima, devolvamos la más cercana.

```
ajusta_PLA_MOD <- function(datos, label, max_iter, vini, sleep){
    w <- c(vini, 1)
    changing <- T
    iteraciones <- 0

colores <- ifelse(label == 1, "green", "red")

# Inicializamos el número de errores al total de datos recibidos
mejor_error <- length(datos[,1])

while(changing && iteraciones < max_iter){
    iteraciones <- iteraciones+1

    changing <- F

for(index in seq(label)){
        dato <- c(datos[index,], 1)
        etiq <- label[index]

    if(sign(sum(w*dato)) != etiq) {
        w <- w + etiq*dato</pre>
```

```
changing <- T
            }
        }
        recta <- -c(w[1], w[3]) / w[2]
        nuevo_etiquetado <- generador_etiquetados(function(x, y){ y - recta[1]*x - recta[2] })</pre>
        nuevas_etiquetas <- nuevo_etiquetado(datos[,1], datos[,2])</pre>
        error_actual <- sum(nuevas_etiquetas != label)</pre>
        if(error_actual < mejor_error){</pre>
            mejor_error <- error_actual</pre>
            mejor_solucion <- recta</pre>
        }
        # plot(datos, asp = 1, col = colores, pch = 20)
        # abline(rev(recta), col="blue")
        # Sys.sleep(0.1)
    # Return the Sol (a,b) that determine the line y = ax + b, the iterations and the error
    list(Sol = mejor_solucion, Iter = iteraciones, Err = mejor_error)
ajusta_PLA_MOD(datos.matriz, datos.etiqueta, 10000000, c(0,0))
## $Sol
## [1]
         0.1650227 -33.4976022
##
## $Iter
## [1] 45
##
## $Err
## [1] 0
ajusta_PLA_MOD(datos.matriz, etiquetas_2, 1000, c(0,0))
## $Sol
## [1] -1.142558 -74.944977
##
## $Iter
## [1] 1000
##
## $Err
## [1] 6
ajusta_PLA_MOD(datos.matriz, etiquetas_3, 1000, c(0,0))
## $Sol
## [1]
        0.1973184 -58.9196464
```

```
##
## $Iter
## [1] 1000
##
## $Err
## [1] 8
ajusta_PLA_MOD(datos.matriz, etiquetas_4, 1000, c(0,0))
## $Sol
## [1]
         7.371398 128.906372
##
## $Iter
## [1] 68
##
## $Err
## [1] 7
ajusta_PLA_MOD(datos.matriz, etiquetas_5, 1000, c(0,0))
## $Sol
## [1] 2.54925 52.68561
## $Iter
## [1] 16
##
## $Err
## [1] 11
```

Regresión lineal

```
# Leemos el fichero
digitos <- read.table("datos/zip.train")

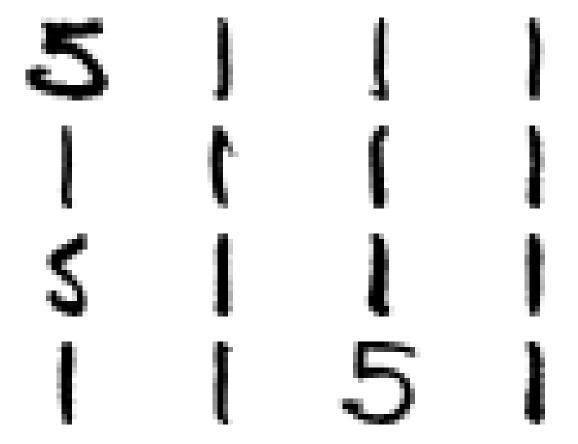
## Warning in scan(file, what, nmax, sep, dec, quote, skip, nlines,
## na.strings, : número de items leídos no es múltiplo del número de columnas

# Nos quedamos únicamente con los números 1 y 5
digitos <- digitos[ is.element(digitos[,1], c(1,5)), ]

prev_mar <- par()$mar

par(mfrow = c(4, 4), "mar" = c(1,1,1,1))

apply(digitos[1:16,], 1, function(digito) {
    numero <- matrix(tail(digito, -1), nrow = 16)
    numero <- numero[,ncol(numero):1]
    image(numero, col = gray(seq(1,0,length=256)), axes = F, pty="s", asp=1)
})</pre>
```



NULL

par(mfrow=c(1, 1), "mar" = prev_mar)