Aprendizaje automático Cuestionario 1

Alejandro García Montoro agarciamontoro@correo.ugr.es

31 de marzo de 2016

1. Ejercicios

Ejercicio 1. Identificar, para cada una de las siguientes tareas, qué tipo de aprendizaje es el adecuado (supervisado, no supervisado, por refuerzo) y los datos de aprendizaje que deberíamos usar. Si una tarea se ajusta a más de un tipo, explicar cómo y describir los datos para cada tipo.

- Categorizar un grupo de animales vertebrados en pajaros, mamíferos, reptiles, aves y anfibios.
- Clasificación automática de cartas por distrito postal.
- Decidir si un determinado índice del mercado de valores subirá o bajará dentro de un periodo de tiempo fijado.

Solución.

Apartado 1.1. adsasdasdasd

Ejercicio 2. ¿Cuáles de los siguientes problemas son más adecuados para una aproximación por aprendizaje y cuáles más adecuados para una aproximación por diseño? Justificar la decisión.

- Determinar el ciclo óptimo para las luces de los semáforos en un cruce con mucho tráfico.
- Determinar los ingresos medios de una persona a partir de sus datos de nivel de educación, edad, experiencia y estatus social.
- Determinar si se debe aplicar una campaña de vacunación contra una enfermedad.

Ejercicio 3. Construir un problema de aprendizaje desde datos para un problema de selección de fruta en una explotación agraria (ver transparencias de clase). Identificar y describir cada uno de sus elementos formales. Justificar las decisiones.

Ejercicio 4. Suponga un modelo PLA y un dato x(t) mal clasificado respecto de dicho modelo. Probar que la regla de adaptación de pesos del PLA es un movimiento en la dirección correcta para clasificar bien x(t).

Solución. 1

Sea (x(t), y(t)), con $y(t) \in \{-1, +1\}$ la muestra mal clasificada respecto del modelo PLA; esto es, $sign(w^T(t)x(t)) \neq y(t)$ o, dicho de otra manera

$$y(t)sign(w^T(t)x(t)) < 0$$

Probar que la regla de adaptación de pesos del PLA es un movimiento en la dirección correcta para clasificar bien x(t) consiste en determinar que la siguiente iteración del algoritmo estará más cerca de clasificar bien la muestra; esto es, tenemos que probar lo siguiente:

$$y(t)sign(w^{T}(t+1)x(t)) > y(t)sign(w^{T}(t)x(t))$$
(1)

donde $w^{T}(t+1)$ es el vector de pesos que nos da la siguiente iteración del algoritmo, y que viene determinado como

$$w(t+1) = w(t) + y(t)x(t)$$

Para probar la desigualdad 1 basta trabajar con la parte izquierda y la definición de $w^{T}(t+1)$ de la siguiente manera:

$$\begin{split} y(t)w^T(t+1)x(t) &= y(t)(w^T(t) + y(t)x(t))x(t) = \\ &= (y(t)w^T(t) + x(t))x(t) = \\ &= y(t)w^T(t)x(t) + x^2(t) > y(t)w^T(t)x(t) \end{split}$$

donde hemos usado que $y(t)^2 = 1$, pues $y(t) \in \{-1, +1\}$ y que $x^2(t) > 0$.

Hemos probado así que la regla del PLA permite acercarse a la correcta etiquetación de la muestra.

Ejercicio 5. Considere el enunciado del ejercicio 2 de la sección FACTIBI-LIDAD DEL APRENDIZAJE de la relación apoyo.

- Si p = 0,9, ¿cuál es la probabilidad de que S produzca una hipótesis mejor que C?
- ¿Existe un valor de p para el cual es más probable que C produzca una hipótesis mejor que S?

Ejercicio 6. La desigualdad de Hoeffding modificada nos da una forma de caracterizar el error de generalización con una cota probabilística

$$\mathbb{P}[|E_{out}(g) - E_{in}(g)| > \varepsilon] \le 2Me^{-2N^2\varepsilon}$$

para cualquier $\varepsilon > 0$. Si fijamos $\varepsilon = 0.05$ y queremos que la cota probabilística $2Me^{-2N^2\varepsilon}$ sea como máximo 0.03, ¿cuál será el valor más pequeño de N que verifique estas condiciones si M=1? Repetir para M=10 y para M=100.

¹Ejercicio resuelto con la ayuda de los pasos explicados en el Ejercicio 1.3 de [1].

Solución. Si imponemos que la cota probabilística sea menor o igual que un valor k, basta despejar N de la desigualdad

$$2Me^{-2N^2\varepsilon} \ge k$$

y estudiar lo que se nos pide. Tenemos entonces:

$$\begin{split} 2Me^{-2N\varepsilon^2} & \leq k \\ e^{-2N\varepsilon^2} & \leq \frac{k}{2M} \\ -2N\varepsilon^2 & \leq \ln(\frac{k}{2M}) \\ N & \geq \frac{1}{-2\varepsilon^2} ln(\frac{k}{2M}) \end{split}$$

Es decir, la cota probabilística será menor o igual que k si y sólo si $N \geq \sqrt{\frac{1}{-2\varepsilon}ln(\frac{k}{2M})}$. Como $N \in \mathbb{N}$, tenemos que el menor N que cumple la condición para un M dado es exactamente

$$N_M = \left\lceil \frac{1}{-2\varepsilon^2} ln\left(\frac{k}{2M}\right) \right\rceil \tag{2}$$

donde [x] es el menor entero mayor o igual que x.

Ahora basta tomar k = 0.03, $\varepsilon = 0.05$ y, para $M \in \{1, 10, 100\}$, calcular la expresión obtenida en 2, lo que nos da los siguientes valores:

$$N_1 = 840$$
 $N_{10} = 1301$
 $N_{100} = 1761$

Ejercicio 7. Consideremos el modelo de aprendizaje «M-intervalos » donde $h: \mathbb{R} \to \{1, +1\}$, $y \ h(x) = +1$ si el punto está dentro de cualquiera de m intervalos arbitrariamente elegidos y 1 en otro caso. ¿Cuál es el más pequeño punto de ruptura para este conjunto de hipótesis?

Solución. Es claro que M intervalos pueden separar cualquier muestra de 2M puntos. Imaginemos, por ejemplo, un tal conjunto de tamaño 2M en el que las muestras con distintas etiquetas se van alternando:

$$+1$$
 -1 $+1$ -1 \cdots $+1$ -1

Evidentemente, hay M puntos etiquetados con +1, luego basta con rodear esos puntos con los M intervalos de los que disponemos para poder separar completamente la muestra.

De hecho, esta dicotomía es la más difícil de implementar, en el sentido de que necesitamos todos los intervalos disponibles para separarla. Supongamos ahora que intercambiamos dos puntos con etiquetas diferentes de la

disposición anterior. En ese caso necesitaríamos sólo M-1 intervalos para implementar la dicotomía. Cualquier otra disposición resulta en un número menor de intervalos necesarios, ya que agrupa puntos con etiquetas iguales bajo un mismo intervalo.

Concluimos así que $m_{\mathcal{H}}(2M) = 2^{2M}$.

Para ver que 2M + 1 es un punto de ruptura basta encontrar una muestra de ese tamaño de manera que \mathcal{H} no sea capaz de conseguir etiquetarla bien.

Consideramos de nuevo la misma muestra anterior, esta vez de tamaño 2M+1, para lo que añadimos un +1 al final; es decir, tenemos M+1 puntos etiquetados como +1 y una dicotomía como la siguiente:

$$+1$$
 -1 $+1$ -1 \cdots $+1$ -1 $+1$

Si nuestro objetivo es separar la muestra, debemos empezar por la izquierda y, cada vez que encontremos un +1, usar un intervalo para etiquetarlo bien. Esto no se puede hacer de otra manera, ya que los +1 tienen que estar dentro de un intervalo y los -1 fuera. Si seguimos hacia delante, habremos gastado los intervalos al encerrar al M-ésimo +1, luego todo lo que haya a su derecha será etiquetado como -1, ya que se queda fuera de un intervalo.

El último +1, por tanto, será etiquetado incorrectamente. Tenemos así una muestra de 2M+1 puntos con una dicotomía que \mathcal{H} no puede implementar; es decir, k=2M+1 es un punto de ruptura.

Entonces, como $m_{\mathcal{H}}(2M+1) < 2^{2M}$ y $m_{\mathcal{H}}(2M) = 2^{2M}$, podemos ya afirmar que k=2M+1 es el más pequeño punto de ruptura para este conjunto de hipótesis.

Ejercicio 8. Suponga un conjunto de k^* puntos $x_1, x_2, \ldots, x_{k^*}$ sobre los cuales la clase \mathcal{H} implementa $< 2^{k^*}$ dicotomías. ¿Cuáles de las siguientes afirmaciones son correctas?

- k^* es un punto de ruptura.
- k^* no es un punto de ruptura.
- Todos los puntos de ruptura son estrictamente mayores que k^* .
- Todos los puntos de ruptura son menores o iguales a k*
- No conocemos nada acerca del punto de ruptura.

Solución. En este caso no conocemos nada acerca del punto de ruptura. Por definición, k es un punto de ruptura si $m_{\mathcal{H}}(k) < 2^k$. Esto no quiere decir que *exista* una muestra de k puntos para la que H no sea capaz de implementar todas las dicotomías; sino que \mathcal{H} es incapaz de implementar todas las dicotomías *para todas* las muestras de k puntos.

Ejercicio 9. Para todo conjunto de k^* puntos, \mathcal{H} implementa $< 2^{k^*}$ dicotomías. ¿Cuáles de las siguientes afirmaciones son correctas?

- k^* es un punto de ruptura.
- k^* no es un punto de ruptura.
- $Todos\ los\ k \ge k^*\ son\ puntos\ de\ ruptura.$
- $Todos\ los\ k < k^*\ son\ puntos\ de\ ruptura.$
- No conocemos nada acerca del punto de ruptura.

Solución. En este caso ya sí podemos afirmar, usando el mismo argumento que en el ejercicio anterior, que k^* es un punto de ruptura.

Por otro lado, es evidente que si k^* es un punto de ruptura, $k \geq k^*$ también lo es. Esto es claro: si \mathcal{H} es incapaz de separar una muestra de k^* puntos, añadir puntos a la muestra no hará sino hacerla más compleja, luego \mathcal{H} seguirá siendo incapaz de separarla.

Por último, poco podemos decir sobre los $k < k^*$. Pueden ser puntos de ruptura, si se da el caso de que k^* no sea el más pequeño punto de ruptura —basta usar el mismo argumento que en el párrafo anterior—, o pueden no serlo, como en el caso sencillo del perceptron en el plano, donde sabemos que $k^* = 4$ es un punto de ruptura y $k = 3 < k^*$ no lo es.

Ejercicio 10. Si queremos mostrar que k^* es un punto de ruptura, ¿cuáles de las siguientes afirmaciones nos servirían para ello?:

- Mostrar que existe un conjunto de k^* puntos $x_1, x_2, \ldots, x_{k^*}$ que \mathcal{H} puede separar —shatter—.
- Mostrar que H puede separar cualquier conjunto de k* puntos.
- Mostrar un conjunto de k^* puntos $x_1, x_2, ..., x_{k^*}$ que \mathcal{H} no puede separar.
- Mostrar que \mathcal{H} no puede separar ningún conjunto de k^* puntos.
- Mostrar que $m_{\mathcal{H}}(k) = 2^{k^*}$

Solución. Por definición, k^* es un punto de ruptura si $m_{\mathcal{H}}(k^*) < 2^{k^*}$. Como la función de crecimiento está definida en términos del máximo número de dicotomías que H puede implementar, podemos concluir que para probar que k^* es un punto de ruptura hay que mostrar que \mathcal{H} no puede separar ningún conjunto de k^* puntos.

Ejercicio 11. Para un conjunto \mathcal{H} con $d_{VC} = 10$, ¿qué tamaño muestral se necesita —según la cota de generalización— para tener un 95 % de confianza de que el error de generalización sea como mucho 0,05?

Ejercicio 12. Consideremos un escenario de aprendizaje simple. Supongamos que la dimensión de entrada es uno. Supongamos que la variable de entrada x está uniformemente distribuida en el intervalo [-1,1] y el conjunto de datos consiste en 2 puntos $\{x_1,x_2\}$ y que la función objetivo es $f(x) = x^2$. Por tanto el conjunto de datos completo es $\mathcal{D} = \{(x_1,x_1^2),(x_2,x_2^2)\}$. El algoritmo de aprendizaje devuelve la línea que ajusta estos dos puntos como g; es decir, \mathcal{H} consiste en funciones de la forma h(x) = ax + b.

- Dar una expresión analítica para la función promedio $\bar{q}(x)$.
- Calcular analiticamente los valores de E_{out} , bias y var.

2. Bonus

Bonus 1. Considere el enunciado del ejercicio 2 de la sección ERROR Y RUIDO de la relación de apoyo.

• Si su algoritmo busca la hipótesis h que minimiza la suma de los valores absolutos de los errores de la muestra,

$$E_{in}(h) = \sum_{n=1}^{N} |h - y_n|$$

entonces mostrar que la estimación será la mediana de la muestra, h_{med} —cualquier valor que deje la mitad de la muestra a su derecha y la mitad a su izquierda—.

■ Suponga que y_N es modificado como $y_N + \varepsilon$, donde $\varepsilon \to \infty$. Obviamente el valor de y_N se convierte en un punto muy alejado de su valor original. ¿Cómo afecta esto a los estimadores dados por h_{mean} y h_{med} ?

Bonus 2. Considere el ejercicio 12.

- Describir un experimento que podamos ejecutar para determinar num'ericamente— $\bar{g}(x)$, E_{out} , bias y var.
- Ejecutar el experimento y dar los resultados. Comparar E_{out} con bias + var. Dibujar en unos mismos ejes $\bar{g}(x)$, E_{out} y f(x).

Referencias

[1] Abu-Mostafa, Yaser S., Malik Magdon-Ismail y Hsuan Tien Lin: *Learning from data : a short course*. AMLBook.com, United States, 2012.