

# DEPRESSION PREDICTION AMONG STUDENTS (BINARY CLASSIFICATION)

Dindane Jean Baptiste (Matricola: 0001100694)

# INTRODUZIONE

In questo progetto verrà condotta un'analisi predittiva, per identificare la presenza di sintomi depressivi negli studenti.

Il dataset contiene diciotto colonne, dieci di tipo quantitativo(numerico) e otto di tipo qualitativo (categorico).

Il dataset è disponibile sul portale kaggle al seguente indirizzo:

<https://www.kaggle.com/datasets/hopesb/student-depression-dataset>

# PRESENTAZIONE DEL DATASET

## COLONNE NUMERICHE

**Id** => Identificatore unico per ogni studente

**Age** => Indica l'età dello studente.

**Academic Pressure** => Misura il livello di stress o pressione a cui uno studente è sottoposto a livello accademico.

**Study Satisfaction** => Indica il grado di soddisfazione di uno studente verso il proprio percorso di studio.

**Work/Study Hours** => Indica il numero medio di ore che lo studente dedica allo studio e al lavoro.

# PRESENTAZIONE DEL DATASET

## COLONNE NUMERICHE

**Job Satisfaction** => Indica il grado di soddisfazione a livello lavorativo di uno studente lavoratore.

**CGPA** => Rappresenta la media complessiva di tutti i voti ottenuti da uno studente.

**Work Pressure** => Misura il livello di stress o pressione a cui uno studente è sottoposto a livello lavorativo.

**Financial Stress** => Misura il livello di difficoltà economica percepita da uno studente.

**Depression** => Variabile target, indica se lo studente soffre di depressione (1) oppure non soffre di depressione (0).

# PRESENTAZIONE DEL DATASET

## COLONNE CATEGORICHE

**Gender** => Indica il genere dello studente.

**Sleep Duration** => Indica il numero medio di ore di sonno dello studente.

**Dietary Habits** => Descrive il comportamento alimentare dello studente.

**Have you ever had Suicidal Thoughts** => Indica se lo studente ha mai avuto pensieri suicidi o autolesionistici.

# PRESENTAZIONE DEL DATASET

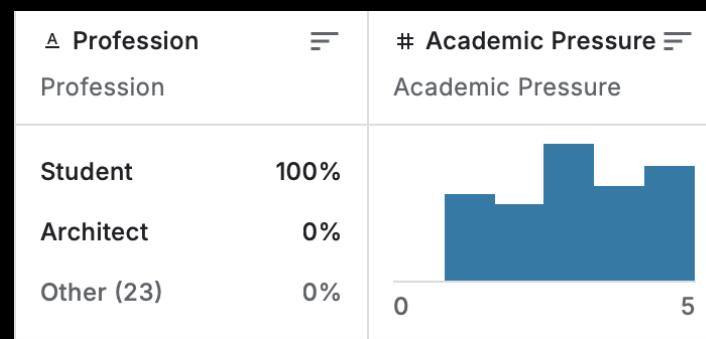
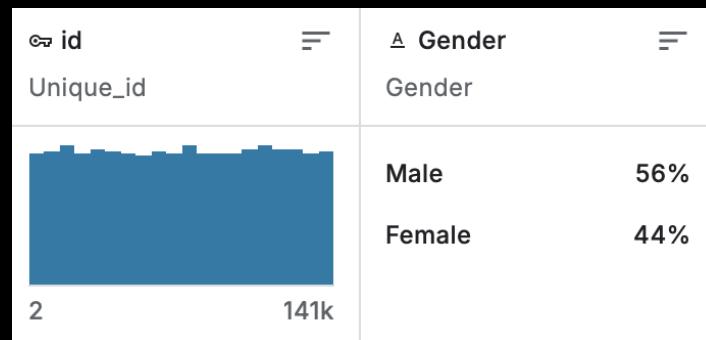
## COLONNE CATEGORICHE

**Family History of Mental** => La laurea dello studente, nel caso egli fosse già in possesso di un titolo universitario.

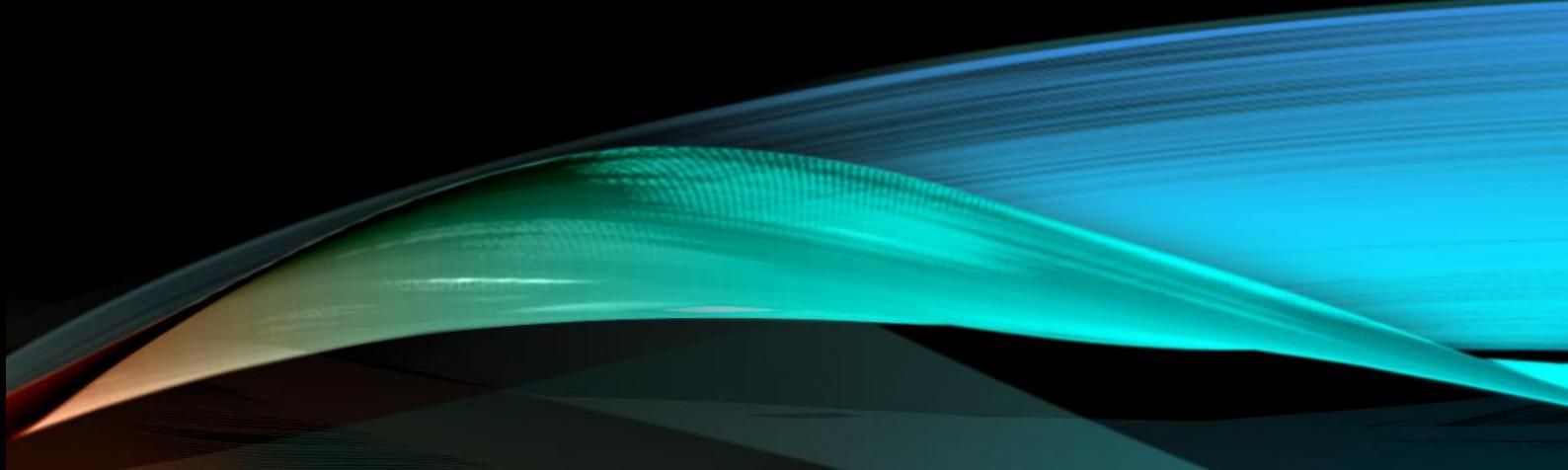
**City** => Città dello studente

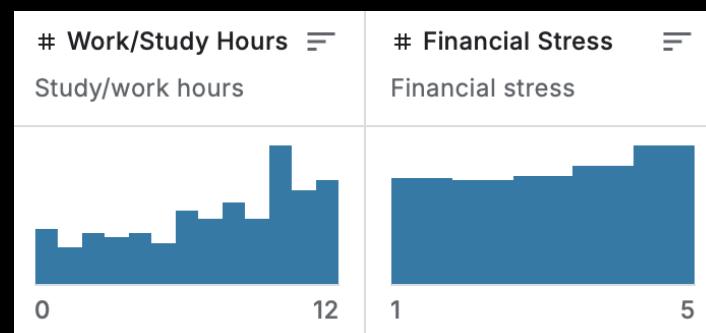
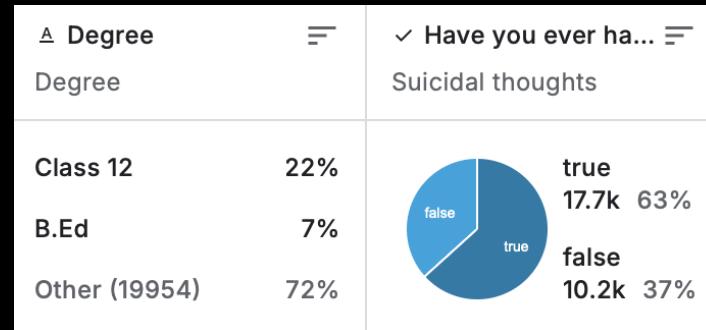
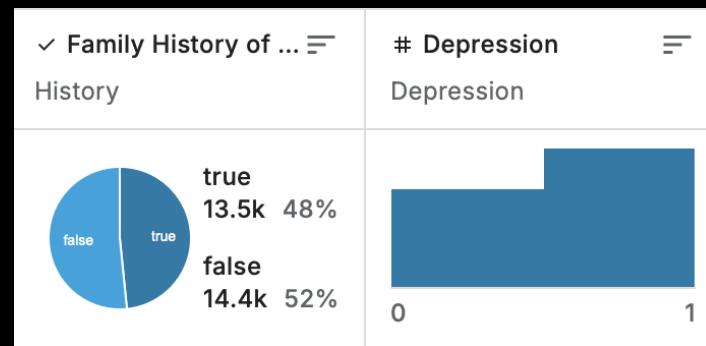
**Profession** => Descrive la professione, nel caso lo studente fosse anche lavoratore.

**Degree** => Il titolo di studio posseduto dallo studente, nel caso fosse in possesso di altri titoli universitari.

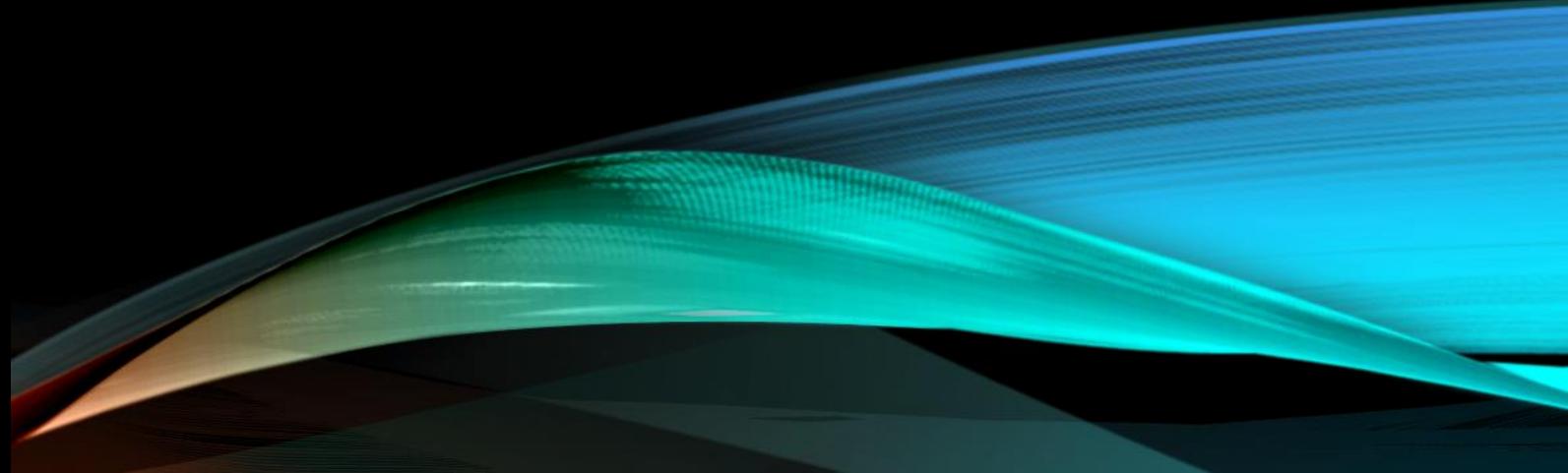


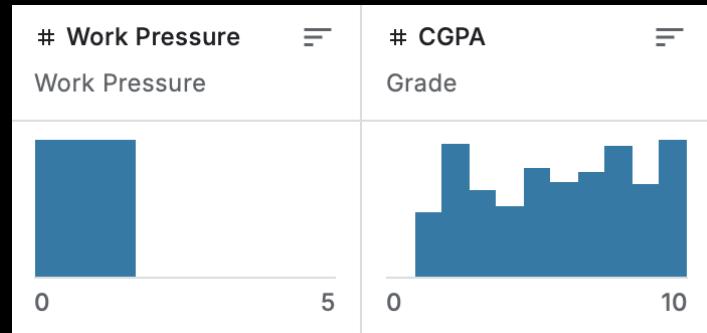
# COLONNE DEL DATASET





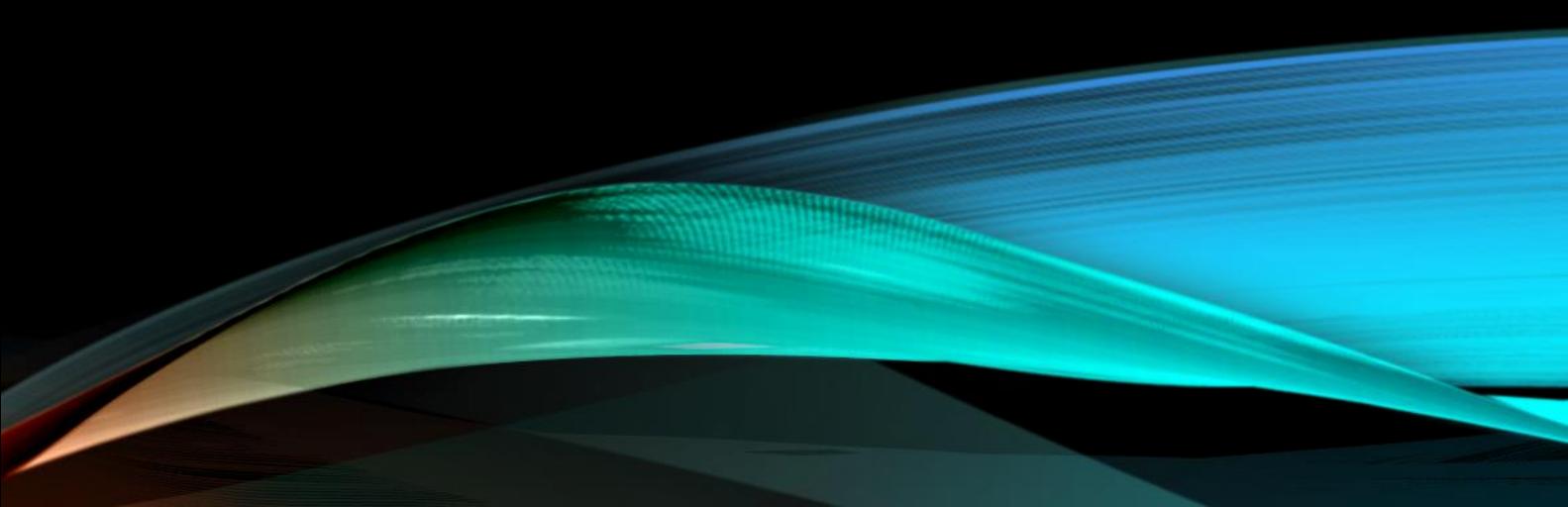
# COLONNE DEL DATASET





▲ Sleep Duration	≡	▲ Dietary Habits	≡
Sleep duration range		Dietary	
Less than 5 hours	30%	Unhealthy	37%
7-8 hours	26%	Moderate	36%
Other (12245)	44%	Other (7663)	27%

# COLONNE DEL DATASET



# #2 PREPROCESSING

```
#1. CARICAMENTO DATASET
df = pd.read_csv('Student_Depression_Dataset.csv')
print(df.info())
```

```
#2. PRE_PROCESSING
```

```
#In questa fase andiamo a preparare i dati per le fasi successive
```

```
#Esplorazione a livello generale dei miei del dataset
print(df.head())
print(df.describe())
```

```
# Controllo valori mancanti
print(df.isnull().sum())
```

```
#Solo "Financial Stress" risulta null in tre righe
```

```
#Non sapendo se le persone non hanno risposto alla domanda
#Perché hanno tanto o poco stress finanziario, utilizziamo la mediana (in questo caso 3)
median_value = df['Financial Stress'].median()
df['Financial Stress'] = df['Financial Stress'].fillna(median_value)
```

```
[8 rows x 10 columns]
id                      0
Gender                  0
Age                     0
City                     0
Profession               0
Academic Pressure        0
Work Pressure             0
CGPA                     0
Study Satisfaction        0
Job Satisfaction           0
Sleep Duration             0
Dietary Habits             0
Degree                     0
Have you ever had suicidal thoughts ? 0
Work/Study Hours           0
Financial Stress            3
Family History of Mental Illness 0
Depression                  0
dtype: int64
```

# #2 PREPROCESSING

```
#Esploro tutte le colonne che potrebbero non risultare rilevanti per lo studio per esempio  
#Esempio con id (ma ho esplorato anche Profession, city, Degree ecc...)  
print(df['id'].value_counts())  
print(df['Profession'].value_counts())  
  
#Elimino le colonne irrilevaniti per lo studio,  
#id non contiene alcuna informazione utile ma serve soltanto come identificatore  
#Profession non influisce molto sullo studio visto che su 27.901 persone 27.870 sono student  
#Rimuoviamo "Work Pressure" perchè è correlato a profession  
#Rimuoviamo "Job Satisfaction" per la stessa ragione  
df = df.drop(columns=['id'])  
df = df.drop(columns=['Profession'])  
df = df.drop(columns=['Work Pressure'])  
df = df.drop(columns=['Job Satisfaction'])  
  
#Ricontrolliamo le colonne su cui verra condotto lo studio, dopo aver rimosso  
#quelle che si ritengono non rilevanti ai fini dello studio  
print(df.info())
```

Profession	
Student	27870
Architect	8
Teacher	6
Digital Marketer	3
Content Writer	2
Chef	2
Doctor	2
Pharmacist	2
Civil Engineer	1
UX/UI Designer	1
Educational Consultant	1
Manager	1
Lawyer	1
Entrepreneur	1

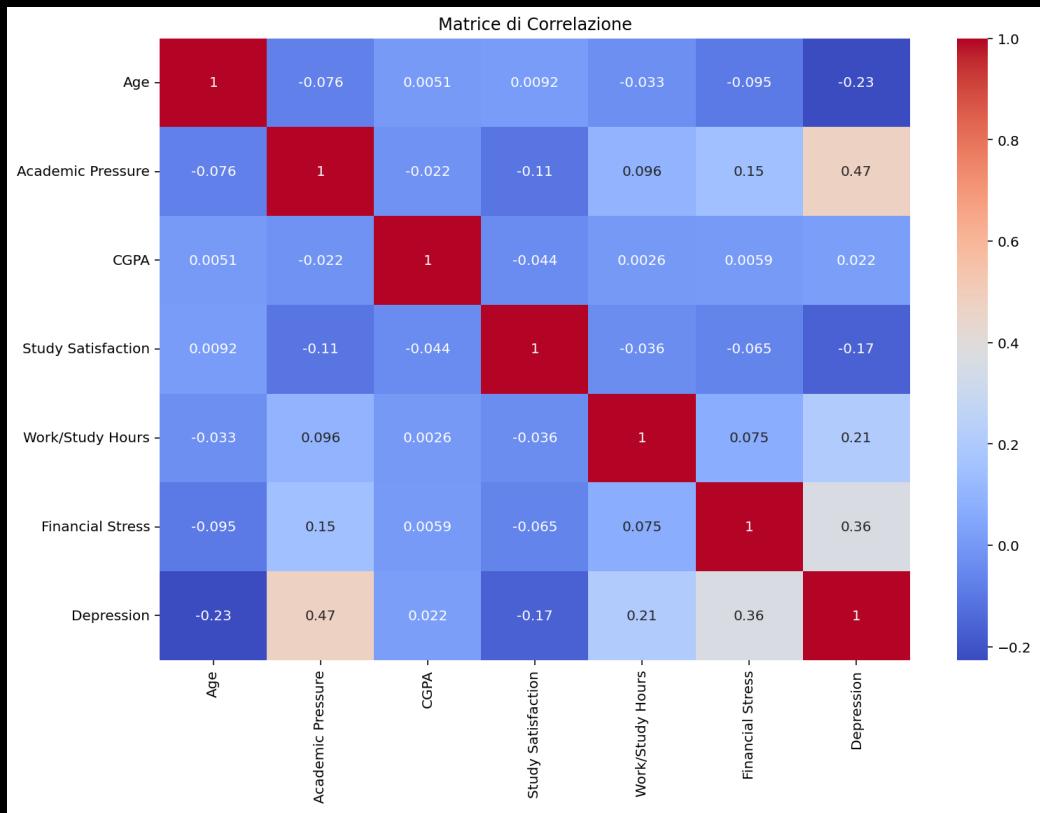
# #3 EXPLORATORY DATA ANALYSIS

Si è condotta un'analisi esplorativa dei dati per comprendere meglio le caratteristiche dei dati e le relazioni tra le variabili.

I punti chiave di questa fase sono:

- 1. Analisi Bivariata:** Si esamina la relazione tra due variabili.
- 2. Matrice di Correlazione:** Calcolo e visualizzazione delle relazioni lineari tra le variabili numeriche tramite una heatmap, evidenziando colori forti e debili.
- 3. Relazione con la variabile target:**
  - **Boxplot**, per analizzare relazione tra variabili numeriche e variabile target.
  - **Grafici a barre**, per le variabili categoriche.

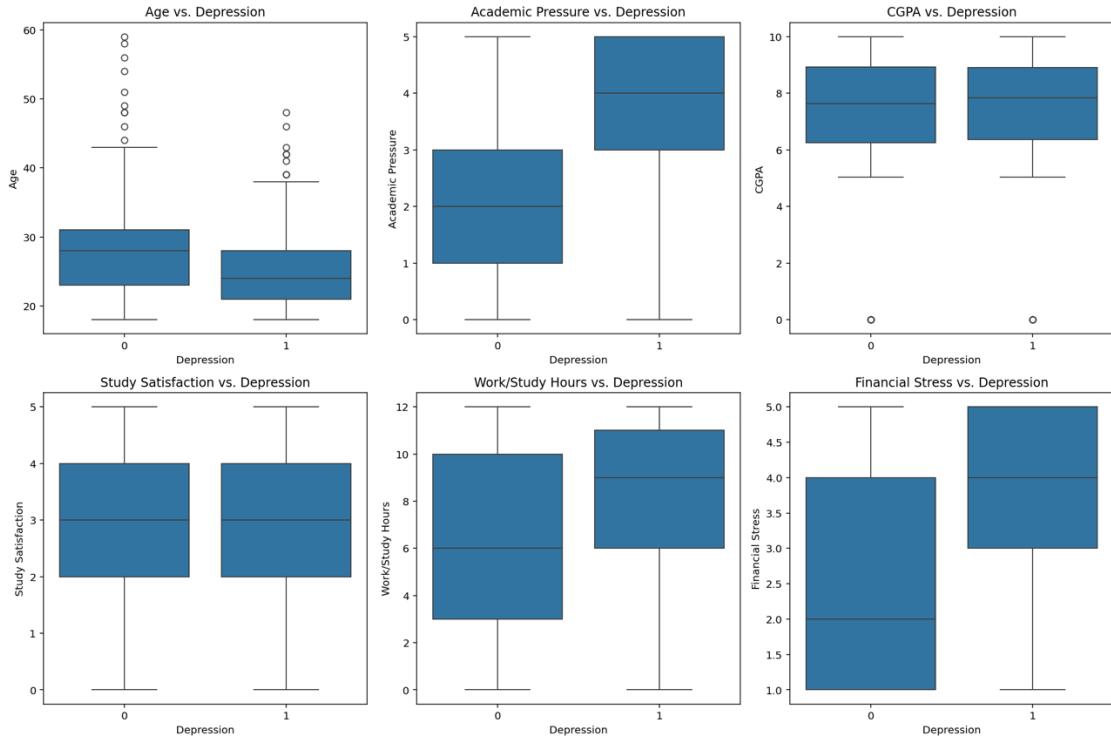
# #3 EXPLORATORY DATA ANALYSIS



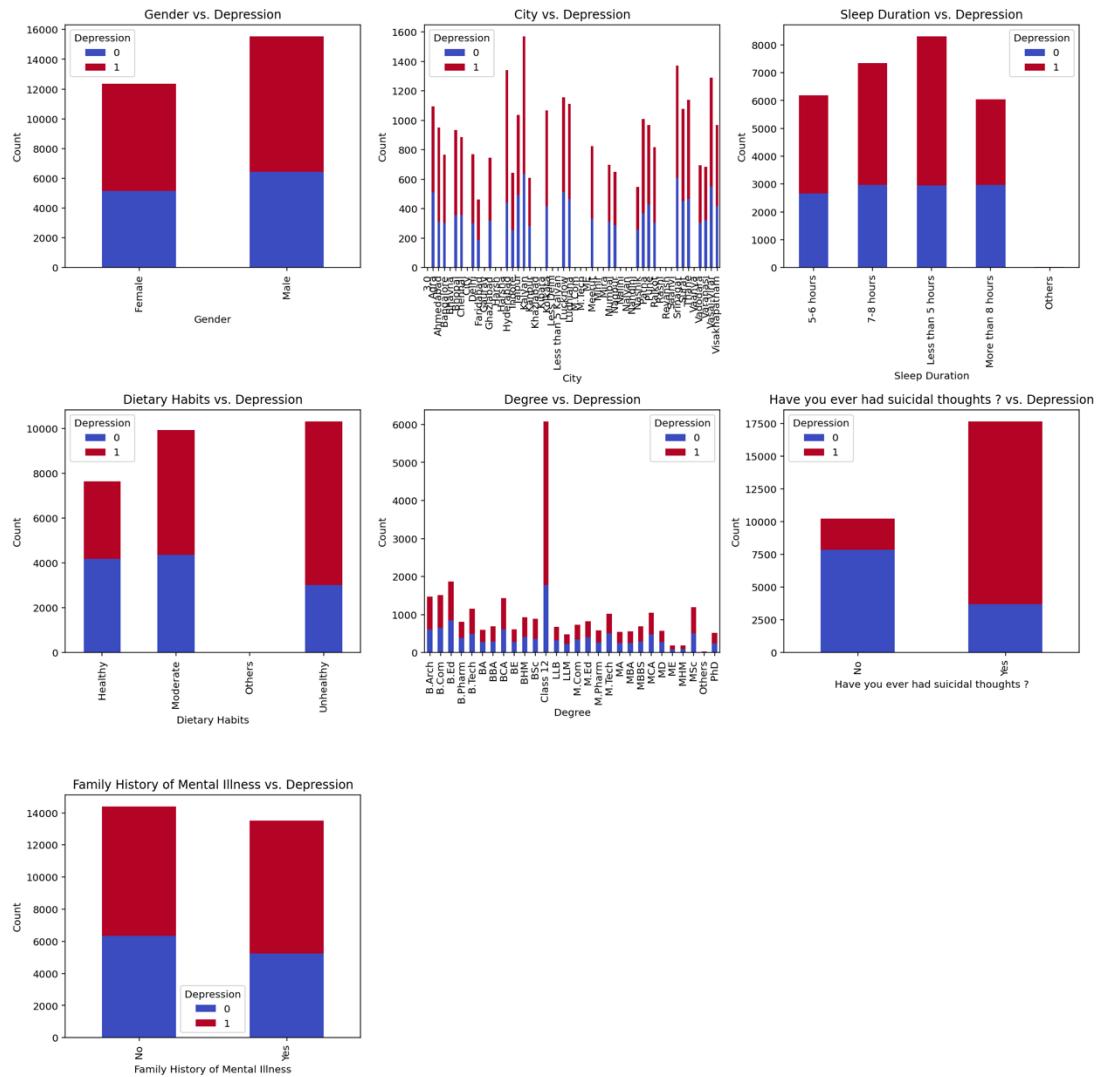
La matrice di correlazione è uno strumento statistico che consente di analizzare la relazione tra più variabili quantitative in un dataset.

- Il valore **1** indica una correlazione perfetta positiva, quando una variabile aumenta, anche l'altra aumenta proporzionalmente.
- Il valore **-1** indica una correlazione perfetta negativa, quando una variabile aumenta, l'altra diminuisce proporzionalmente.
- Il valore **0** significa che non abbiamo nessuna correlazione (le variabili non hanno una relazione lineare).

# #3 EXPLORATORY DATA ANALYSYS



# #3 EXPLORATORY DATA ANALYSYS



## #4 SPLITTING

In questa fase, il dataset viene preparato per l'addestramento di un modello di classificazione. Il dataset suddiviso in **Training Set** e **Test Set** (il quale verrà diviso nuovamente per ottenere il **Validation set**):

1. **Training Set** (70% del dataset): Verrà utilizzato per addestrare il modello.
2. **Validation Set** (15% del dataset): Utilizzato per ottimizzare i parametri del modello.
3. **Test Set** (15 % del dataset): Utilizzato per valutare le performance finali del

# #4 SPLITTING

L'encoding trasforma le variabili categoriche in numeriche, perciò utilizzabili dai modelli.  
Le tecniche di encoding utilizzate sono:

1. **One-Hot-Encoding**: per variabili senza un ordine specifico.
2. **Ordinal-Encoding**: per variabili con un ordine specifico.

Viene eseguito solamente dopo aver diviso il dataset in Training e Test Set per evitare Data Leakage.

```
#DIVISIONE DEL DATASET IN TRAINING E TEST SET
# Separiamo X (feature) e y (target)
X = df.drop(columns=[ 'Depression' ]) # Tutte le feature
y = df[ 'Depression' ] # Target

# Split iniziale
X_train, X_test, y_train, y_test = train_test_split(
    X, y, test_size=0.3, random_state=42, stratify=y
)
```

```
# -----CODIFICA TRAINING SET -----
X_train = pd.get_dummies(X_train, columns=[ 'Gender', 'City', 'Dietary Habits', 'Degree',
                                             'Have you ever had suicidal thoughts ?', 'Family History of Mental Illness'], drop_first=True)

#print(X_TempEncode['Sleep Duration'].value_counts())

#Non possiamo utilizzare one-hot encoding per "Sleep Duration", perché non tiene conto dell'ordine
# Definire l'ordine

# converto "Sleep Duration" in una colonna categoriale con ordine specificato
X_train[ 'Sleep Duration' ] = pd.Categorical(
    X_train[ 'Sleep Duration' ],
    categories=[ 'Less than 5 hours', '5-6 hours', '7-8 hours', 'More than 8 hours', 'Others'],
    ordered=True
)

# Sostituisco i valori categorici con i valori interi(mantenendo l'ordine)
X_train[ 'Sleep Duration' ] = X_train[ 'Sleep Duration' ].cat.codes + 1 # Sommiamo 1 per partire da 1

#print(X_train.info())

# Salviamo tutte le colonne del training set
train_columns = X_train.columns
```

# #5 REGRESSIONE

```
# Le colonne numeriche più fortemente correlate (positivamente) sono  
#"Academic Pressure" e "Financial Stress", per questo vengono utilizzate  
#per la regressione lineare  
X = 'Academic Pressure' # Variabile indipendente  
y = 'Financial Stress' # Variabile dipendente  
  
#preparazione delle variabili per la regressione  
X_reg = df[[X]].values  
y_reg = df[y].values  
#creazione e addestramento del modello di regressione lineare  
reg_model = LinearRegression()  
reg_model.fit(X_reg, y_reg)
```

Le variabili numeriche più fortemente correlate(positivamente), sono,  
**Academic Pressure** e **Financial Stress**.

Inizialmente, si era scelto di utilizzare una **Regressione logica** tra Depression e Academic Pressure, vista la forte correlazione e essendo Depression una variabile binaria. Si è optato infine per una **Regressione Lineare**.

# #5 REGRESSIONE

## STIMA DEI COEFFICIENTI

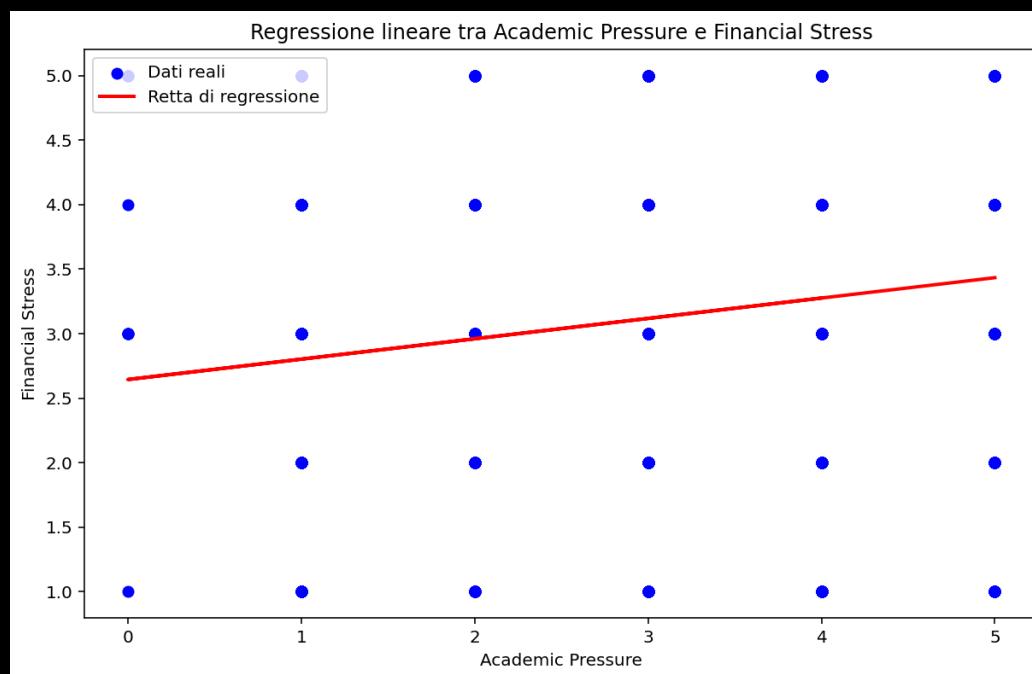
```
#5.1: Stima Dei Coefficienti
intercept = reg_model.intercept_
coef = reg_model.coef_[0]
print(f'Intercetto: {intercept:.2f}')
print(f'Coefficiente: {coef:.2f}')
#predizione dei valori di y utilizzando il modello addestrato
y_pred_reg = reg_model.predict(X_reg)
```

```
Intercetto: 2.64
Coefficiente: 0.16
```

- **Intercetto**: punto in cui la retta di Regressione intercetta l'asse y.
- **Coefficiente**: rappresenta la pendenza della retta di regressione

# #5 REGRESSIONE

## Grafico dei punti e della retta



Il grafico ci permette di confrontare visivamente, come la variabile Financial Stress varia in funzione della variabile Academic Pressure.

La retta di regressione rappresenta una linea retta che meglio rappresenta la relazione tra queste due variabili.

Osservando il grafico è possibile concludere:

- **Scarsa correlazione** tra le due variabili.
- **Pendenza quasi piatta**: minima variazione di Financial stress al variare di Academic Pressure

# #5 REGRESSIONE

## Calcolo del coefficiente $R^2$

Detto anche **coefficiente di determinazione** indica quanto bene i dati si adattano al Modello.

- $R^2 = 1$  il modello spiega completamente la variabilità dei dati.
- $R^2 = 0$  il modello non spiega affatto la variabilità dei dati.

```
#5.3: Calcolo del Coefficiente r^2
r2 = r2_score(y_reg, y_pred_reg)
print(f'R^2: {r2:.2f}')
```

R<sup>2</sup>: 0.02

## Calcolo del valore di MSE

**Mean Squared Error**, misura la differenza tra i valori predetti dal modello e i valori reali.

Valuta la **qualità delle previsioni** di un modello.

```
#5.4: Calcolo del Valore di MSE
mse = mean_squared_error(y_reg, y_pred_reg)
print(f'MSE: {mse:.2f}')
```

MSE: 2.02

# #5 REGRESSIONE

## *Analisi di normalità dei residui*

Kolmogorov-Smirnov test, verifica se un campione di dati segue una distribuzione normale.

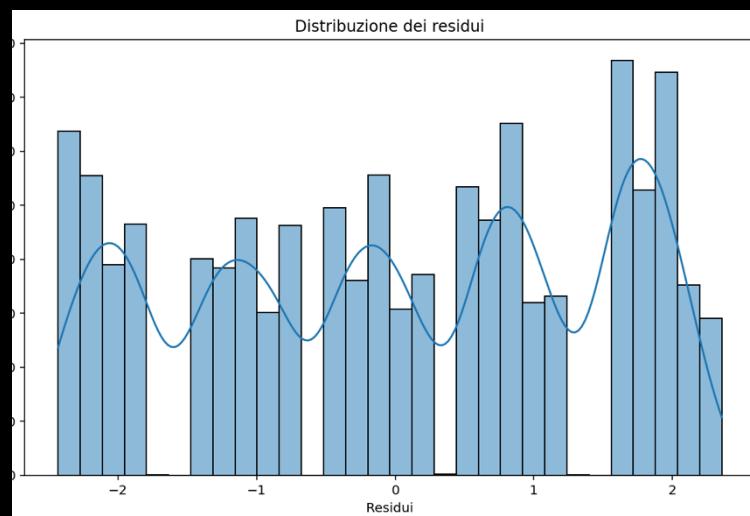
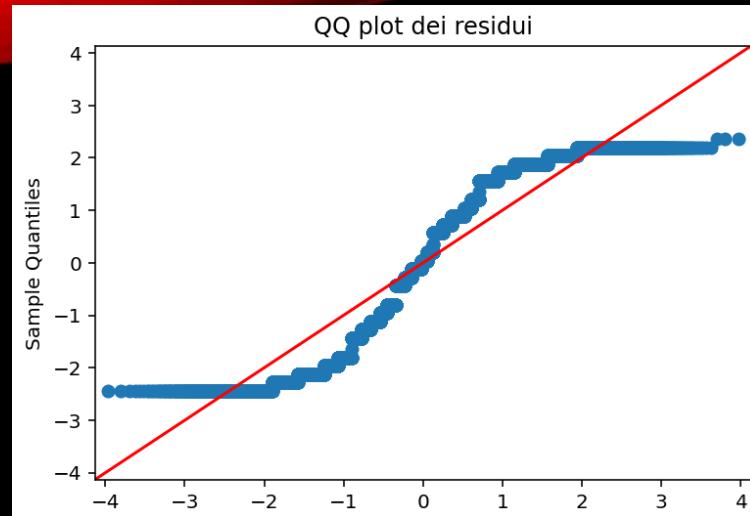
```
# 5.5: Analisi di Normalità dei Residui con Kolmogorov-Smirnov Test
residui = y_reg - y_pred_reg

# Parametri della distribuzione normale basati sui residui
mean_resid = residui.mean()
std_resid = residui.std()

# Test K-S per verificare la normalità
ks_stat, p_value_ks = kstest(residui, 'norm', args=(mean_resid, std_resid))
if p_value_ks > 0.05:
    print(f"I residui seguono una distribuzione normale (p-value: {p_value_ks:.2f})")
else:
    print(f"I residui non seguono una distribuzione normale (p-value: {p_value_ks:.2f})")
```

I residui non seguono una distribuzione normale (p-value: 0.00)

# #5 REGRESSIONE



I grafici mostrano che i residui seguono una distribuzione non normale essendo p-value uguale a 0.00 (dovrebbe essere almeno 0.05 per avere una distribuzione normale).

- **Residui:** differenza tra dati osservati e valori predetti.
- **Quantile-Quantile plot:** grafico utilizzato per verificare la normalità di una distribuzione di dati.

È possibile osservare, che i punti in blu si allontano dalla retta rossa, specialmente alle estremità, ciò suggerisce che residui non seguono una distribuzione normale.

# #6 ADDESTRAMENTO DEL MODELLO

```
logistic_model = LogisticRegression(solver='lbfgs', max_iter=1000)
logistic_model.fit(X_train, y_train)
y_pred_logistic = logistic_model.predict(X_val)
#valutazione delle prestazioni del modello di regressione logistica
acc_logistic = accuracy_score(y_val, y_pred_logistic)
print("Acc regressione logistica: {:.3f}".format(acc_logistic))

#SVM con kernel lineare
svm_linear_model = SVC(kernel='linear', C=1)
svm_linear_model.fit(X_train, y_train)
y_pred_svm_linear = svm_linear_model.predict(X_val)
#valutazione delle prestazioni del modello SVC lineare
acc_SVM_linear = accuracy_score(y_val, y_pred_svm_linear)
print("Acc SVM lineare: {:.3f}".format(acc_SVM_linear))

#SVM con kernel polinomiale
svm_poly_model = SVC(kernel='poly', degree=3, C=1)
svm_poly_model.fit(X_train, y_train)
y_pred_svm_poly = svm_poly_model.predict(X_val)
#valutazione delle prestazioni del modello SVC polinomiale
acc_SVM_poly = accuracy_score(y_val, y_pred_svm_poly)
print("Acc SVM polinomiale: {:.3f}".format(acc_SVM_poly))

#SVM con kernel RBF
svm_rbf_model = SVC(kernel='rbf', C=1, gamma='scale')
svm_rbf_model.fit(X_train, y_train)
y_pred_svm_rbf = svm_rbf_model.predict(X_val)
#valutazione delle prestazioni del modello SVC RBF
acc_SVM_rbf = accuracy_score(y_val, y_pred_svm_rbf)
print("Acc SVM rbf: {:.3f}".format(acc_SVM_rbf))
```

Possiamo osservare che i modelli hanno ottenuto risultati simili.

I modelli che hanno performato meglio sono, SVM con kernel Polinomiale e SVM con kernel rbf, entrambi con un'accuratezza del 85,3%.

```
Acc regressione logistica: 0.849
Acc SVM lineare: 0.852
Acc SVM polinomiale: 0.853
Acc SVM rbf: 0.853
```

# #7 HYPERPARAMETER TUNING

```
#7. _____HYPERPARAMETER TUNING_____  
  
#addestramento del modello SVM con kernel lineare  
param_grid_linear = {  
    'C': [0.1,1.0, 10.0]  
}  
grid_search_linear = GridSearchCV(estimator=SVC(kernel='linear'), param_grid=param_grid_linear, cv=5, n_jobs=-1)  
grid_search_linear.fit(X_train, y_train)  
best_model_linear = grid_search_linear.best_estimator_  
accuracy_linear = best_model_linear.score(X_val, y_val)  
print("Acc SVM lineare ottimizzato: {:.3f}".format(accuracy_linear))  
  
#addestramento del modello SVM con kernel polinomiale  
param_grid_poly = {  
    'C': [0.1,1.0,10.0],  
    'gamma': ['scale'],  
    'degree': [2,3,4]  
}  
grid_search_poly = GridSearchCV(estimator=SVC(kernel='poly'), param_grid=param_grid_poly, cv=5, n_jobs=-1)  
grid_search_poly.fit(X_train, y_train)  
best_model_poly = grid_search_poly.best_estimator_  
accuracy_poly = best_model_poly.score(X_val, y_val)  
print("Acc SVM polinomiale ottimizzato: {:.3f}".format(accuracy_poly))  
  
#addestramento del modello SVM con kernel rbf  
param_grid_rbf = {  
    'C': [0.1,1.0,10.0],  
    'gamma': ['scale']  
}  
grid_search_rbf = GridSearchCV(estimator=SVC(kernel='rbf'), param_grid=param_grid_rbf, cv=5)  
grid_search_rbf.fit(X_train, y_train)  
best_model_rbf = grid_search_rbf.best_estimator_  
accuracy_rbf = best_model_rbf.score(X_val, y_val)  
print("Acc SVM rbf ottimizzato: {:.3f}".format(accuracy_rbf))
```

```
Acc SVM lineare ottimizzato: 0.852  
Acc SVM polinomiale ottimizzato: 0.851  
Acc SVM rbf ottimizzato: 0.852
```

L'obiettivo di questa fase, è ottimizzare i parametri, al fine di migliorare le prestazioni del modello.

SVM lineare e SVM rbf, sono i modelli che hanno performato meglio dopo questa fase con 85,2%.

Hyperparameter tuning con più combinazione di parametri risulterebbe troppo costoso a livello computazionale.

# #8 VALUTAZIONE DELLE PERFORMANCE

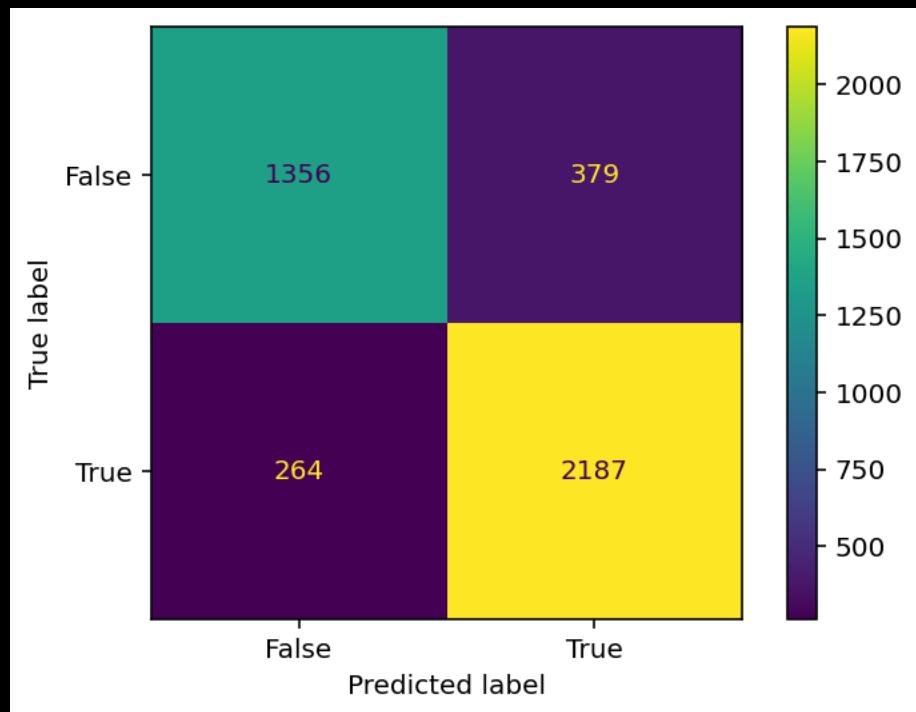
```
acc = {  
    "regressione logistica": acc_logistic,  
    "SVM lineare": accuracy_linear,  
    "SVM polinomiale": accuracy_poly,  
    "SVM rbf": accuracy_rbf  
}  
#il nome del miglior modello e di conseguenza la sua accuratezza  
best_model_name = max(acc, key=acc.get)  
best_model_acc = acc[best_model_name]  
print("Il miglior modello è " + best_model_name + " con un'accuratezza di {:.3f}".format(best_model_acc))  
#valutazione delle performance con il miglior modello  
if best_model_name == "regressione logistica":  
    best_model = logistic_model  
elif best_model_name == "SVM lineare":  
    best_model = grid_search_linear  
elif best_model_name == "SVM polinomiale":  
    best_model = grid_search_poly  
elif best_model_name == "SVM rbf":  
    best_model = grid_search_rbf  
y_test_pred = best_model.predict(X_final_test)
```

Dopo aver determinato il modello che ha formato meglio, lo si è utilizzato per fare previsioni sul **Test Set**(fino ad ora nascosto ai modelli).

Il miglior modello è SVM con **kernel rbf**.

Il miglior modello è SVM rbf con un'accuratezza di 0.852

# #8 VALUTAZIONE DELLE PERFORMANCE



La **Confusion Matrix**, è utilizzata per valutare le performance di un modello.

- **True Positives**: casi positivi correttamente classificati come tali.
- **True Negatives**: casi negativi correttamente classificati come tali.
- **False Positives**: casi negativi erroneamente classificati come positivi.
- **False Negatives**: casi positivi erroneamente classificati come negativi.

```
#9: Studio Statistico dei Risultati della Valutazione
#esecuzione della cross-validation con k ripetizioni (k >= 10)
k = 10
scores = cross_val_score(best_model_linear, X_train, y_train, cv=k,
                         scoring='accuracy')

#calcolo delle metriche statistiche
mean_score = np.mean(scores)
std_score = np.std(scores)
median_score = np.median(scores)
min_score = np.min(scores)
max_score = np.max(scores)
range_score = max_score - min_score

#calcolo dell'intervallo di confidenza al 95%
alpha = 0.05
n = len(scores)
mean_std = std_score / np.sqrt(n)
t_value_critico_per_k=10, alpha=0.05
t_value = 2.262
lower_bound = mean_score - t_value * mean_std
upper_bound = mean_score + t_value * mean_std

#creazione del grafico istogramma
plt.figure(figsize=(8, 6))
plt.hist(scores, bins=10, edgecolor='black')
plt.xlabel("Punteggio")
plt.ylabel("Frequenza")
plt.title("Distribuzione dei punteggi della Cross-Validation")
plt.show()
```

```
#creazione del grafico scatter
plt.figure(figsize=(8, 6))
plt.scatter(range(len(scores)), scores)
plt.xlabel("Indice del campione")
plt.ylabel("Punteggio")
plt.title("Distribuzione dei punteggi della Cross-Validation")
plt.show()

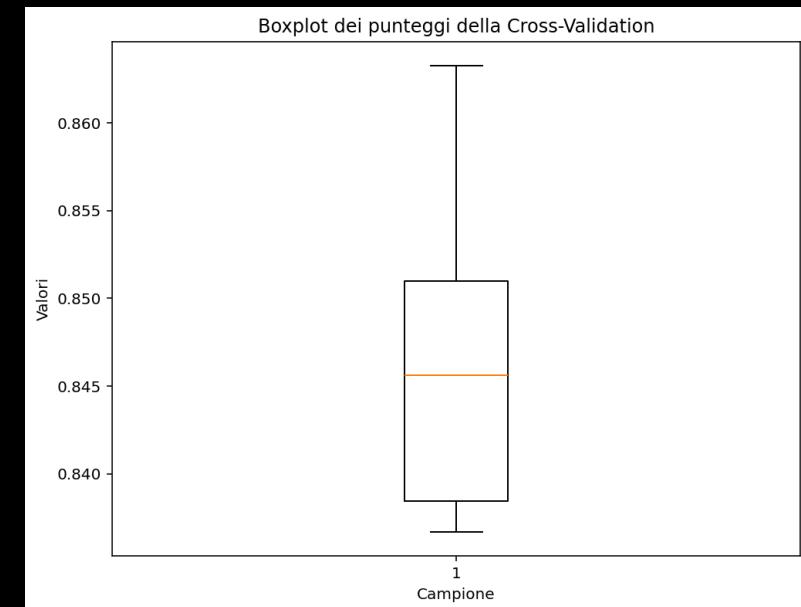
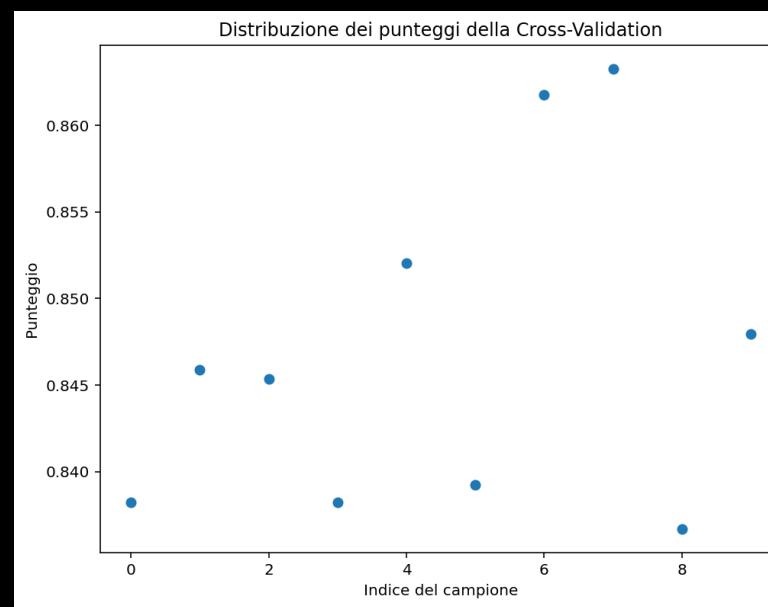
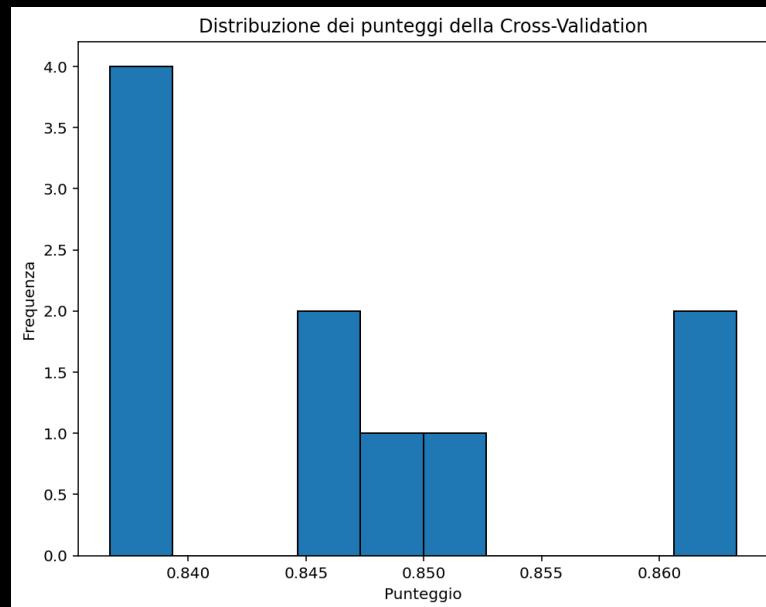
#creazione del boxplot
plt.figure(figsize=(8, 6))
plt.boxplot(scores)
plt.xlabel("Campione")
plt.ylabel("Valori")
plt.title("Boxplot dei punteggi della Cross-Validation")
plt.show()

|
#stampa dei risultati statistici
print(f"Media: {mean_score:.3f}")
print(f"Deviazione standard: {std_score:.3f}")
print(f"Mediana: {median_score:.3f}")
print(f"Minimo: {min_score:.3f}")
print(f"Massimo: {max_score:.3f}")
print(f"Intervallo: {range_score:.3f}")
print(f"Intervallo di confidenza al 95%: [{lower_bound:.3f}, {upper_bound:.3f}]")
```

Media: 0.847  
Deviazione standard: 0.009  
Mediana: 0.846  
Minimo: 0.837  
Massimo: 0.863  
Intervallo: 0.027  
Intervallo di confidenza al 95%: [0.840, 0.853]

# #9 STUDIO STATISTICO DEI RISULTATI DELLA VALUTAZIONE

# #9 STUDIO STATISTICO DEI RISULTATI DELLA VALUTAZIONE



I seguenti grafici aiutano ad avere una rappresentazione visiva della distribuzione e della variabilità dei punteggi della **cross-validation** (tecnica per valutare prestazioni di un modello).

# FINE

DINDANE JEAN BAPTISTE  
MATRICOLA (0001100694)